

Nombre del Producto: Anticuerpo monoclonal de conejo Smg1 (6X2)**Nº de Catálogo: AMRe18019**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo monoclonal de conejo recombinante
Huésped	Conejo
Aplicación	WB
Reactividad	Humano, Ratón, Rata
Conjugación	No conjugado
Modificación	Sin modificar
Isotipo	IgG
Clonalidad	Monoclonal
Formato	Líquido
Concentración	0,5 mg/ml. La concentración de este producto puede variar según el lote.
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	IgG de conejo en solución salina tamponada con fosfato, pH 7,4, 150 mM de NaCl, 0,02 % de conservante de nuevo tipo N y 50 % de glicerol. Conservar a +4 °C a corto plazo. Conservar a -20 °C a largo plazo. Evitar el ciclo de congelación/descongelación.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:1000-1:5000
Peso Molecular	411kDa

Información del Antígeno

Nombre del Gen	SMG1
Nombres Alternativos	61E3.4; ATX; hSMG1; LIP; smg1;
ID del Gen	23049.0
ID SwissProt	Q96Q15
Inmunógeno	Un péptido sintético de Smg1 humano

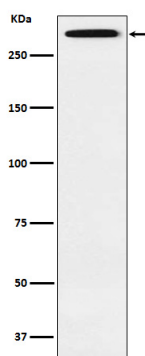
Antecedentes

Serina/treonina proteína quinasa involucrada tanto en la vigilancia del ARNm como en las vías de respuesta al estrés genotóxico. Reconoce la secuencia consenso del sustrato [ST]-Q. Desempeña un papel central en la descomposición mediada por sinsentido (NMD) de ARNm que contienen codones de parada prematuros mediante la fosforilación de UPF1/RENT1. Serina/treonina proteína quinasa involucrada tanto en la vigilancia del ARNm como en las vías de respuesta al estrés genotóxico. Reconoce la secuencia consenso del sustrato [ST]-Q. Desempeña un papel central en la descomposición mediada por sinsentido (NMD) de ARNm que contienen codones de parada prematuros mediante la fosforilación de UPF1/RENT1. Reclutada por factores de liberación a ribosomas estancados junto con SMG8 y SMG9 (formando el complejo de proteína quinasa SMG1C) y UPF1 para formar el complejo transitorio SURF (SMG1-UPF1-eRF1-eRF3). En la NMD dependiente de EJC, el complejo SURF se asocia con el complejo de unión exónica (EJC) a través de UPF2 y permite la formación de un complejo de vigilancia UPF1-UPF2-UPF3, que se cree que activa la NMD. También actúa como una proteína quinasa activada por estrés genotóxico que presenta cierta superposición funcional con ATM. Puede fosforilar p53/TP53 y es necesario para la activación óptima de p53/TP53 tras la exposición celular a estrés genotóxico. Su depleción provoca daño espontáneo del ADN y una mayor sensibilidad a la radiación ionizante (IR). Puede activar PRKCI, pero no PRKCZ.

Área de Investigación

-

Datos de Imagen



Análisis de transferencia Western de la expresión de Smg1 en el lisado de células Saos2.