

Nombre del Producto: Anticuerpo monoclonal de conejo PRMT5 (16R15)**Nº de Catálogo: AMRe16505**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo monoclonal de conejo recombinante
Huésped	Conejo
Aplicación	WB,IHC,ICC/IF,FC,IP
Reactividad	Humano, Ratón, Rata
Conjugación	No conjugado
Modificación	Sin modificar
Isotipo	IgG
Clonalidad	Monoclonal
Formato	Líquido
Concentración	0,5 mg/ml. La concentración de este producto puede variar según el lote.
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	IgG de conejo en solución salina tamponada con fosfato, pH 7,4, 150 mM de NaCl, 0,02 % de conservante de nuevo tipo N y 50 % de glicerol. Conservar a +4 °C a corto plazo. Conservar a -20 °C a largo plazo. Evitar el ciclo de congelación/descongelación.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:2000-1:20000,IHC 1:50-1:100,ICC/IF 1:20-1:50,FC 1:50-1:200,IP 1:20-1:50
Peso Molecular	73kDa

Información del Antígeno

Nombre del Gen	PRMT5
Nombres Alternativos	HRMT1L5; IBP72; JBP1; SKB1; SKB1Hs; PRMT5; Skb1Hs Methyltransferase;
ID del Gen	10419.0
ID SwissProt	O14744
Inmunógeno	Un péptido sintético del PRMT5 humano

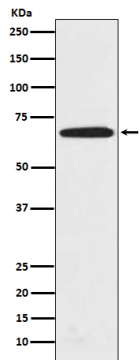
Antecedentes

Participa en la regulación de la progresión del ciclo celular a través de G2 mediante la regulación negativa de Swe1p, una proteína tirosina quinasa que fosforila e inhibe a Cdc28p. Se identificó un homólogo de Hsl7p, Skb1, en la levadura de fisión gracias a su interacción de doble híbrido con Shk1p, una quinasa activada por p21 (cdc42p/Rac) (PAK). Metiltransferasa de arginina que puede catalizar la formación de omega-N monometilarginina (MMA) y dimetilarginina simétrica (sDMA), con preferencia por la formación de MMA (PubMed:10531356, PubMed:11152681, PubMed:11747828, PubMed:12411503, PubMed:15737618, PubMed:17709427, PubMed:20159986, PubMed:20810653, PubMed:21258366, PubMed:21917714, PubMed:22269951, PubMed:21081503). Metila específicamente la dimetilación simétrica de residuos de arginina en las ribonucleoproteínas nucleares pequeñas Sm D1 (SNRPD1) y Sm D3 (SNRPD3); dicha metilación es necesaria para el ensamblaje y la biogénesis de partículas centrales de snRNP (PubMed:12411503, PubMed:11747828, PubMed:17709427). Metila SUPT5H y puede regular sus propiedades de elongación transcripcional (PubMed:12718890). Mono- y dimetila residuos de arginina de la proteína básica de mielina (MBP) in vitro. Puede desempeñar un papel en las vías de transducción activadas por citocinas. Regula negativamente la actividad del promotor de ciclina E1 y la proliferación celular. Metila la histona H2A y H4 'Arg-3' durante el desarrollo de células germinales (por similitud). Metila la histona H3 'Arg-8', que puede reprimir la transcripción (por similitud). Metila las proteínas Piwi (PIWIL1, PIWIL2 y PIWIL4), cuya metilación es necesaria para la interacción con las proteínas que contienen el dominio Tudor y la posterior localización en el núcleo meiótico (por similitud). Metila RPS10. Atenúa la señalización de EGF a través de la vía MAPK1/MAPK3, actuando a dos niveles. Primero, monometila EGFR; esto mejora la fosforilación de EGFR 'Tyr-1197' y el reclutamiento de PTPN6, lo que finalmente conduce a una reducción de la fosforilación de SOS1 (PubMed:21917714, PubMed:21258366). Segundo, metila RAF1 y probablemente BRAF, desestabilizando así estas dos proteínas de señalización y reduciendo su actividad catalítica (PubMed:21917714). Necesario para la inducción de E-selectina y VCAM-1 en la superficie de las células endoteliales en sitios de inflamación. Metila HOXA9 (PubMed:22269951). Metila y regula SRGAP2, que participa en la migración y diferenciación celular (PubMed:20810653). Actúa como correpresor transcripcional en la represión mediada por CRY1 del componente circadiano central PER1, regulando la dimetilación de H4R3 en el promotor PER1 (por similitud). Metila GM130/GOLGA2, regulando la formación de la cinta de Golgi (PubMed:20421892). Metila H4R3 en genes implicados en la glioblastomagénesis de forma dependiente de CHTOP y/o TET1 (PubMed:25284789). Metila simétricamente POLR2A, una modificación que permite el reclutamiento de proteínas como SMN1/SMN2 y SETX a POLR2A. Esto es necesario para la resolución de los híbridos ARN-ADN creados por la ARN polimerasa II, que forman un bucle R en las regiones terminales de la transcripción, un paso importante para la correcta terminación de la transcripción (PubMed:26700805). Junto con LYAR, se une al promotor de la gamma-globina HBG1/HBG2 y reprime su expresión (PubMed:25092918). Metila simétricamente NCL (PubMed:21081503). Metila TP53; la metilación podría afectar la especificidad del gen diana de TP53 (PubMed:19011621). Participa en la maduración del espliceosoma y el empalme del ARNm en los espermatoцитos de profase I a través de la catálisis de la dimetilación simétrica de arginina de SNRPB (proteína asociada a la ribonucleoproteína nuclear pequeña) y la interacción con la proteína TDRD6 que contiene el dominio Tudor (por similitud).

Área de Investigación

Epigenética y señalización nuclear

Datos de Imagen



Análisis de transferencia Western de la expresión de PRMT5 en lisado de células HeLa.