

Nombre del Producto: Anticuerpo monoclonal de conejo Lin28 (2P18)**Nº de Catálogo: AMRe13316**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo monoclonal de conejo recombinante
Huésped	Conejo
Aplicación	WB, ICC/IF
Reactividad	Humano
Conjugación	No conjugado
Modificación	Sin modificar
Isotipo	IgG
Clonalidad	Monoclonal
Formato	Líquido
Concentración	0,5 mg/ml. La concentración de este producto puede variar según el lote.
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	IgG de conejo en solución salina tamponada con fosfato, pH 7,4, 150 mM de NaCl, 0,02 % de conservante de nuevo tipo N y 50 % de glicerol. Conservar a +4 °C a corto plazo. Conservar a -20 °C a largo plazo. Evitar el ciclo de congelación/descongelación.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:1000-1:5000, ICC/IF 1:200-1:500
Peso Molecular	23kDa

Información del Antígeno

Nombre del Gen	LIN28A
Nombres Alternativos	Protein lin-28 homolog A; LIN28A; CSDD1; LIN28; ZCCHC1;
ID del Gen	79727.0
ID SwissProt	Q9H9Z2
Inmunógeno	Un péptido sintético de Lin28 humano

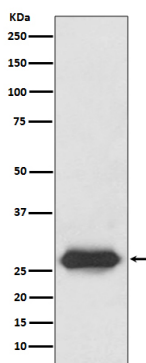
Antecedentes

Participa en la cronología de los eventos de desarrollo y la elección del destino celular en cada etapa. Actúa como supresor de la biogénesis de microARN (miARN) al unirse específicamente al precursor let-7 (pre-let-7), un precursor de miARN. Actúa uniéndose a pre-let-7 y reclutando la uridiltransferasa ZCCHC11/TUT4, lo que conduce a la uridilación terminal de pre-let-7. Proteína de unión al ARN que inhibe el procesamiento de los miARN pre-let-7 y regula la traducción de los ARNm que controlan la cronología del desarrollo, la pluripotencia y el metabolismo (PubMed:21247876). Parece reconocer una característica estructural común del cuarteto G (G4) en sus dianas de miARN y ARNm (probable). Potenciador de la traducción que dirige ARNm específicos a polisomas y aumenta la eficiencia de la síntesis de proteínas. Su asociación con la maquinaria traduccional y los ARNm diana resulta en un mayor número de eventos de iniciación por molécula de ARNm e, indirectamente, en la estabilización del ARNm. Se une al ARNm de IGF2, ARNm de MYOD1, ARNm de la proteína ribosomal ARBP/36B4 y a su propio ARNm. Esencial para el programa de diferenciación del músculo esquelético a través de la regulación positiva traduccional de la expresión de IGF2. Supresor de la biogénesis de microARN (miARN), incluyendo la de let-7, miR107, miR-143 y miR-200c. Se une específicamente a los precursores de miARN (pre-miARN), reconociendo un motivo 5'-GGAG-3' encontrado en el bucle terminal del pre-miARN, y recluta a las uridiltransferasas TUT4 y tut7. Esto resulta en la uridilación terminal de los pre-miARN diana. Los pre-miARN uridilados no pueden ser procesados por Dicer y sufren degradación. La represión de la expresión de let-7 es necesaria para el desarrollo normal y contribuye a mantener el estado pluripotente al prevenir la diferenciación mediada por let-7 de las células madre embrionarias (PubMed:18951094, PubMed:19703396, PubMed:22118463, PubMed:22898984). Localizado en el área del retículo perionoplásmico, se une a un gran número de ARNm empalmados e inhibe la traducción de los ARNm destinados al RE, reduciendo la síntesis de proteínas transmembrana, proteínas del RE o del lumen de Golgi y proteínas secretoras. Se une y mejora la traducción de ARNm para varias enzimas metabólicas, como PFKP, PDHA1 o SDHA, aumentando la glucólisis y la fosforilación oxidativa. Lo cual, con la represión de let-7 puede mejorar la reparación tisular en el tejido adulto (por similitud).

Área de Investigación

Epigenética y señalización nuclear

Datos de Imagen



Análisis de transferencia Western de la expresión de Lin28 en lisado de células NCCIT.