

Nombre del Producto: Anticuerpo monoclonal de conejo HIF-1-alfa (9U11)**Nº de Catálogo: AMRe12020**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo monoclonal de conejo recombinante
Huésped	Conejo
Aplicación	WB, ICC/IF, IP
Reactividad	Humano, Ratón, Rata
Conjugación	No conjugado
Modificación	Sin modificar
Isotipo	IgG
Clonalidad	Monoclonal
Formato	Líquido
Concentración	0,5 mg/ml. La concentración de este producto puede variar según el lote.
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	IgG de conejo en solución salina tamponada con fosfato, pH 7,4, 150 mM de NaCl, 0,02 % de conservante de nuevo tipo N y 50 % de glicerol. Conservar a +4 °C a corto plazo. Conservar a -20 °C a largo plazo. Evitar el ciclo de congelación/descongelación.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:500-1:2000, ICC/IF 1:200-1:500, IP 1:20-1:50
Peso Molecular	93kDa

Información del Antígeno

Nombre del Gen	HIF1A
Nombres Alternativos	HIF1; MOP1; PASD8; bHLHe78; HIF-1alpha; HIF1-ALPHA; HIF1A
ID del Gen	3091.0
ID SwissProt	Q16665
Inmunógeno	Proteína recombinante de HIF-1-alfa humana

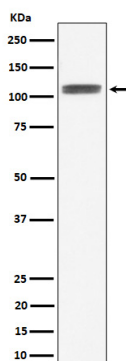
Antecedentes

Funciona como un regulador transcripcional maestro de la respuesta adaptativa a la hipoxia. Bajo condiciones hipóxicas, activa la transcripción de más de 40 genes, incluyendo eritropoyetina, transportadores de glucosa, enzimas glucolíticas, factor de crecimiento endotelial vascular y otros genes cuyos productos proteicos aumentan el suministro de oxígeno o facilitan la adaptación metabólica a la hipoxia. Desempeña un papel esencial en la vascularización embrionaria, la angiogénesis tumoral y la fisiopatología de la enfermedad isquémica. Se une a la secuencia central de ADN 5'-[AG]CGTG-3' dentro del elemento de respuesta a la hipoxia (HRE) de los promotores de genes diana. La activación requiere el reclutamiento de coactivadores transcripcionales como CREBBP y EP300. La actividad se ve potenciada por la interacción con NCOA1 o NCOA2. La interacción con la proteína reguladora redox APEX parece activar CTAD y potencia la activación por NCOA1 y CREBBP. Funciona como un regulador transcripcional maestro de la respuesta adaptativa a la hipoxia (PubMed:11292861, PubMed:11566883, PubMed:15465032, PubMed:16973622, PubMed:17610843, PubMed:18658046, PubMed:20624928, PubMed:22009797, PubMed:9887100, PubMed:30125331). En condiciones hipóxicas, activa la transcripción de más de 40 genes, incluyendo eritropoyetina, transportadores de glucosa, enzimas glucolíticas, factor de crecimiento endotelial vascular, HILPDA y otros genes cuyos productos proteicos aumentan el suministro de oxígeno o facilitan la adaptación metabólica a la hipoxia (PubMed:11292861, PubMed:11566883, PubMed:15465032, PubMed:16973622, PubMed:17610843, PubMed:20624928, PubMed:22009797, PubMed:9887100, PubMed:30125331). Desempeña un papel esencial en la vascularización embrionaria, la angiogénesis tumoral y la fisiopatología de la enfermedad isquémica (PubMed:22009797). Heterodimeriza con ARNT; El heterodímero se une a la secuencia central de ADN 5'-TACGTG-3' dentro del elemento de respuesta a la hipoxia (HRE) de los promotores de genes diana (por similitud). La activación requiere el reclutamiento de coactivadores transcripcionales como CREBBP y EP300 (PubMed:9887100, PubMed:16543236). La actividad se potencia mediante la interacción con NCOA1 y/o NCOA2 (PubMed:10594042). La interacción con la proteína reguladora redox APEX1 parece activar CTAD y potencia la activación por NCOA1 y CREBBP (PubMed:10202154, PubMed:10594042). Participa en la distribución axonal y el transporte de mitocondrias en neuronas durante la hipoxia (PubMed:19528298).

Área de Investigación

Cardiovascular

Datos de Imagen



Análisis de transferencia Western de la expresión de HIF-1-alfa en lisado celular HeLa tratado con CoCl₂.