

---

**Nombre del Producto: Anticuerpo monoclonal de conejo CTCF (13G13)****Nº de Catálogo: AMRe09494**

Solo para uso en investigación.

**Resumen**

<b>Descripción</b>	Anticuerpo monoclonal de conejo recombinante
<b>Huésped</b>	Conejo
<b>Aplicación</b>	WB,IHC,ICC/IF,FC
<b>Reactividad</b>	Humano, Ratón, Rata
<b>Conjugación</b>	No conjugado
<b>Modificación</b>	Sin modificar
<b>Isotipo</b>	IgG
<b>Clonalidad</b>	Monoclonal
<b>Formato</b>	Líquido
<b>Concentración</b>	0,5 mg/ml. La concentración de este producto puede variar según el lote.
<b>Almacenamiento</b>	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
<b>Envío</b>	Bolsas de hielo
<b>Tampon</b>	IgG de conejo en solución salina tamponada con fosfato, pH 7,4, 150 mM de NaCl, 0,02 % de conservante de nuevo tipo N y 50 % de glicerol. Conservar a +4 °C a corto plazo. Conservar a -20 °C a largo plazo. Evitar el ciclo de congelación/descongelación.
<b>Purificación</b>	Purificación por afinidad

**Aplicación**

<b>Relación de Dilución</b>	WB 1:1000-1:5000,IHC 1:50-1:200,ICC/IF 1:50-1:200,FC 1:20-1:100
<b>Peso Molecular</b>	83kDa

**Información del Antígeno**

<b>Nombre del Gen</b>	CTCF
<b>Nombres Alternativos</b>	Ctcf, CTCFL paralog; MRD21;
<b>ID del Gen</b>	10664.0
<b>ID SwissProt</b>	P49711
<b>Inmunógeno</b>	Un péptido sintético de CTCF humano

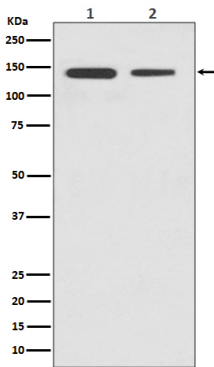
**Antecedentes**

Desempeña un papel importante en la remodelación de la cromatina. Puede dimerizarse cuando se une a diferentes secuencias de ADN, mediando la formación de bucles de cromatina de largo alcance. Media la asociación intercromosómica entre IGF2/H19 y WSB1/NF1 y puede dirigir segmentos de ADN distantes a una fábrica de transcripción común. Factor de unión a la cromatina que se une a sitios específicos de la secuencia de ADN. Participa en la regulación transcripcional uniéndose a aisladores de la cromatina y previniendo la interacción entre el promotor y los potenciadores y silenciadores cercanos. Actúa como represor transcripcional uniéndose a los promotores de los genes MYC y BAG1 de vertebrados. También se une a los promotores PLK y PIM1. Actúa como activador transcripcional de APP. Regula el grupo de genes APOA1/C3/A4/A5 y controla la expresión génica del MHC de clase II. Desempeña un papel esencial en el desarrollo de ovocitos y embriones preimplantacionales activando o reprimiendo la transcripción. Parece actuar como supresor tumoral. Desempeña un papel crítico en la regulación epigenética. Participa en la expresión génica específica del alelo en el locus del gen impreso IGF2/H19. En el alelo materno, la unión dentro de la región de control de la impresión H19 (ICR) media la conformación de la cromatina de orden superior heredada materna para restringir el acceso del potenciador a IGF2. Desempeña un papel crítico en el silenciamiento génico a distancias considerables en el genoma. Interactúa preferentemente con ADN no metilado, previniendo la propagación de la metilación de CpG y manteniendo zonas libres de metilación. Inversamente, la metilación de CpG previene la unión a los sitios diana. Desempeña un papel importante en la remodelación de la cromatina. Puede dimerizar cuando se une a diferentes secuencias de ADN, mediando la formación de bucles de cromatina de largo alcance. Media la asociación intercromosómica entre IGF2/H19 y WSB1/NF1 y puede dirigir segmentos de ADN distantes a una fábrica de transcripción común. Provoca la pérdida local de la acetilación de histonas y la ganancia de la metilación de histonas en el locus de beta-globina, sin afectar la transcripción. Cuando se une a la cromatina, proporciona un punto de anclaje para el posicionamiento de los nucleosomas. Parece ser esencial para el apareamiento homólogo del cromosoma X. Puede participar con Tsix en el establecimiento de un interruptor epigenético regulable para la inactivación del cromosoma X. Puede desempeñar un papel en la prevención de la propagación de la metilación estable en los genes de escape de la inactivación del cromosoma X. Implicado en la cohesión de las cromátidas hermanas. Se asocia con los centrómeros y los brazos cromosómicos durante la metafase y es necesario para la localización de la cohesión en los sitios CTCF. Regula la replicación asincrónica de IGF2/H19. Desempeña un papel en el reclutamiento de CENPE a las regiones pericentroméricas/centroméricas del cromosoma durante la mitosis (PubMed:26321640).

## Área de Investigación

Epigenética y señalización nuclear

## Datos de Imagen



Análisis de transferencia Western de la expresión de CTCF en (1) lisado de células HeLa; (2) lisado de cerebro de ratón.