

Nombre del Producto: Anticuerpo monoclonal de conejo fosfo-S6K1 (T421 + S424) (1L11)
Nº de Catálogo: AMRe06002

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo monoclonal de conejo recombinante
Huésped	Conejo
Aplicación	WB,IP
Reactividad	Humano, Rata
Conjugación	No conjugado
Modificación	Fosforilado
Isotipo	IgG
Clonalidad	Monoclonal
Formato	Líquido
Concentración	0,5 mg/ml. La concentración de este producto puede variar según el lote.
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	IgG de conejo en solución salina tamponada con fosfato, pH 7,4, 150 mM de NaCl, 0,02 % de conservante de nuevo tipo N y 50 % de glicerol. Conservar a +4 °C a corto plazo. Conservar a -20 °C a largo plazo. Evitar el ciclo de congelación/descongelación.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:1000-1:2000,IP 1:20-1:50
Peso Molecular	59kDa

Información del Antígeno

Nombre del Gen	RPS6KB1
Nombres Alternativos	EC 2.7.11.1, KS6B1, P70-S6K, RPS6KB1, Ribosomal protein S6 kinase, Ribosomal protein S6 kinase, 70kDa, polypeptide 1, S6K, kinase p70S6K, p70-S6K
ID del Gen	6198.0
ID SwissProt	P23443
Inmunógeno	Un péptido sintético fosforilado correspondiente a los residuos de la proteína diana.

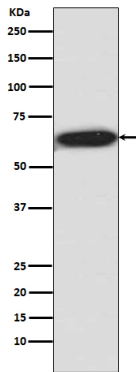
Antecedentes

Este gen codifica un miembro de la familia RSK (quinasa ribosomal S6) de serina/treonina quinasa. Esta quinasa contiene dos dominios catalíticos de quinasa no idénticos y fosforila varios residuos de la proteína ribosomal S6. Serina/treonina-proteína quinasa que actúa aguas abajo de la señalización de mTOR en respuesta a factores de crecimiento y nutrientes para promover la proliferación celular, el crecimiento celular y la progresión del ciclo celular. Regula la síntesis de proteínas mediante la fosforilación de EIF4B, RPS6 y EEF2K, y contribuye a la supervivencia celular al reprimir la función proapoptótica de BAD. En condiciones de agotamiento de nutrientes, la forma inactiva se asocia con el complejo de iniciación de la traducción EIF3. Tras la estimulación mitogénica, la fosforilación por el complejo 1 de la diana de rapamicina en mamíferos (mTORC1) conduce a la disociación del complejo EIF3 y su activación. La forma activa fosforila y activa varios sustratos en el complejo de preiniciación, incluyendo el complejo EIF2B y el componente del complejo de unión a la caperuza EIF4B. También controla la iniciación de la traducción mediante la fosforilación de PDCD4, un regulador negativo de EIF4A, dirigiéndolo para su ubiquitinación y posterior proteólisis. Promueve el inicio de la ronda pionera de la síntesis de proteínas mediante la fosforilación de POLDIP3/SKAR. En respuesta a IGF1, activa la elongación de la traducción mediante la fosforilación de la quinasa EEF2 (EEF2K), lo que conduce a su inhibición y, por lo tanto, a la activación de EEF2. También participa en la regulación por retroalimentación de mTORC2 por mTORC1 mediante la fosforilación de RICTOR, lo que resulta en la inhibición de la señalización de mTORC2 y AKT1. Media la supervivencia celular mediante la fosforilación de la proteína proapoptótica BAD y la supresión de su función proapoptótica. Fosforila la URI1 mitocondrial, lo que conduce a la disociación del complejo URI1-PPP1CC. La PPP1CC mitocondrial libre puede entonces desfosforilar RPS6KB1 en Thr-412, lo que se propone como un mecanismo de retroalimentación negativa para la función antiapoptótica de RPS6KB1. Media la resistencia a la insulina inducida por TNF-alfa mediante la fosforilación de IRS1 en múltiples residuos de serina, lo que resulta en una degradación acelerada de IRS1. En células que carecen del complejo TSC1-2 funcional, fosforila e inhibe constitutivamente GSK3B. Podría estar involucrado en la reorganización del citoesqueleto mediante la unión a la neurabina. Fosforila y activa la enzima de biosíntesis de pirimidina CAD, aguas abajo de MTOR (PubMed:11500364, PubMed:12801526, PubMed:14673156, PubMed:15071500, PubMed:15341740, PubMed:16286006, PubMed:17052453, PubMed:17053147, PubMed:17936702, PubMed:18952604, PubMed:19085255, PubMed:19720745, PubMed:19935711, PubMed:19995915, PubMed:23429703). Tras la activación por mTORC1, fosforila EPRS y, por lo tanto, desempeña un papel clave en la captación de ácidos grasos por los adipocitos y también, muy probablemente, en la inhibición de la traducción inducida por interferón gamma (PubMed:28178239).

Área de Investigación

Biología celular

Datos de Imagen



Análisis de transferencia Western de la expresión de fosforilación de SK61 en lisado de células HEK293.