

Nombre del Producto: Anticuerpo monoclonal de conejo fosfo-POLR2A (S5) (15M1)
Nº de Catálogo: AMRe05980

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo monoclonal de conejo recombinante
Huésped	Conejo
Aplicación	WB,IHC,ICC/IF,FC,IP
Reactividad	Humano, Ratón, Rata
Conjugación	No conjugado
Modificación	Fosforilado
Isotipo	IgG
Clonalidad	Monoclonal
Formato	Líquido
Concentración	0,5 mg/ml. La concentración de este producto puede variar según el lote.
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	IgG de conejo en solución salina tamponada con fosfato, pH 7,4, 150 mM de NaCl, 0,02 % de conservante de nuevo tipo N y 50 % de glicerol. Conservar a +4 °C a corto plazo. Conservar a -20 °C a largo plazo. Evitar el ciclo de congelación/descongelación.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:500-1:2000,IHC 1:200-1:500,ICC/IF 1:100-1:200,FC 1:20-1:50,IP 1:20-1:50
Peso Molecular	217kDa

Información del Antígeno

Nombre del Gen	POLR2A
Nombres Alternativos	POLR2A; POLR2; RNA polymerase II CTD repeat YSPTSPS;
ID del Gen	5430.0
ID SwissProt	P24928
Inmunógeno	Un fosfopéptido sintético correspondiente a los residuos que rodean Ser5 de la repetición CTD YSPTSPS de la ARN polimerasa II humana

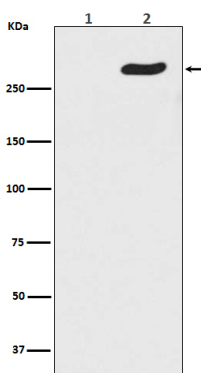
Antecedentes

Actúa como una ARN polimerasa dependiente de ARN cuando se asocia con el antígeno delta pequeño del virus de la hepatitis delta, actuando como replicadora y transcriptasa para el genoma circular del ARN viral. La ARN polimerasa dependiente de ADN cataliza la transcripción de ADN en ARN utilizando los cuatro ribonucleósidos trifosfatos como sustratos. El componente más grande y catalítico de la ARN polimerasa II que sintetiza precursores de ARNm y muchos ARN no codificantes funcionales. Forma el centro activo de la polimerasa junto con la segunda subunidad más grande. Pol II es el componente central de la maquinaria de transcripción basal de la ARN polimerasa II. Está compuesta de elementos móviles que se mueven entre sí. RPB1 es parte del elemento central con la hendidura grande central, el elemento de abrazadera que se mueve para abrir y cerrar la hendidura y las mandíbulas que se cree que agarran la plantilla de ADN entrante. Al inicio de la transcripción, una hebra de plantilla de ADN monocatenaria del promotor se coloca dentro de la hendidura del sitio activo central de Pol II. Una hélice puente emana de RPB1 y cruza la hendidura cerca del sitio catalítico y se cree que promueve la translocación de Pol II al actuar como un trinquete que mueve el híbrido ARN-ADN a través del sitio activo al cambiar de conformaciones rectas a dobladas en cada paso de la adición de nucleótidos. Durante la elongación de la transcripción, Pol II se mueve en la plantilla a medida que la transcripción se elonga. La elongación está influenciada por el estado de fosforilación del dominio C-terminal (CTD) de la subunidad más grande de Pol II (RPB1), que sirve como plataforma para el ensamblaje de factores que regulan la iniciación, elongación, terminación y procesamiento del ARNm de la transcripción. La regulación de los niveles de expresión génica depende del equilibrio entre los niveles de metilación y acetilación de las lisinas CTD (por similitud). Los pasos de iniciación o elongación temprana de la transcripción de genes tempranos inmediatos inducidos por factores de crecimiento están regulados por el estado de acetilación del CTD (PubMed:24207025). La metilación y la dimetilación tienen un efecto represor sobre la expresión de los genes diana (por similitud).

Área de Investigación

Epigenética y señalización nuclear

Datos de Imagen



Análisis de transferencia Western de la expresión de Phospho-POLR2A (S5) en (1) lisado de células HeLa tratado con fosfatasa Lambda; (2) lisado de células HeLa.