

Nombre del Producto: Anticuerpo monoclonal de conejo fosfo-p95/NBS1 (S343) (8Q6)
Nº de Catálogo: AMRe05962

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo monoclonal de conejo recombinante
Huésped	Conejo
Aplicación	WB, ICC/IF
Reactividad	Humano
Conjugación	No conjugado
Modificación	Fosforilado
Isotipo	IgG
Clonalidad	Monoclonal
Formato	Líquido
Concentración	0,5 mg/ml. La concentración de este producto puede variar según el lote.
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	IgG de conejo en solución salina tamponada con fosfato, pH 7,4, 150 mM de NaCl, 0,02 % de conservante de nuevo tipo N y 50 % de glicerol. Conservar a +4 °C a corto plazo. Conservar a -20 °C a largo plazo. Evitar el ciclo de congelación/descongelación.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:500-1:2000, ICC/IF 1:50-1:100
Peso Molecular	85kDa

Información del Antígeno

Nombre del Gen	NBN
Nombres Alternativos	Cell cycle regulatory protein P95, NBN, NBS, NIBRIN, NIJMEGEN BREAKAGE syndrome protein 1, p95-NBS1
ID del Gen	4683.0
ID SwissProt	O60934
Inmunógeno	Un fosfopéptido sintético correspondiente a los residuos que rodean a Ser343 del p95 NBS1 humano.

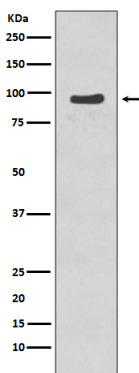
Antecedentes

NBS1 es miembro del complejo de reparación de roturas de doble cadena MRE11/RAD50. Participa en la reparación de roturas de doble cadena del ADN y en la activación de puntos de control inducida por daño en el ADN. La mutación resulta en el síndrome de rotura de Nijmegen (NBS), un síndrome de inestabilidad cromosómica autosómica recesiva. Componente del complejo MRE11-RAD50-NBN (MRN) que desempeña un papel crítico en la respuesta celular al daño del ADN y el mantenimiento de la integridad cromosómica. El complejo está involucrado en la reparación de roturas de doble cadena (DSB), la recombinación del ADN, el mantenimiento de la integridad de los telómeros, el control de los puntos de control del ciclo celular y la meiosis. El complejo posee actividad endonucleasa monocatenaria y actividad exonucleasa 3'-5' específica de doble cadena, que son proporcionadas por MRE11. RAD50 puede ser necesario para unir los extremos del ADN y mantenerlos en estrecha proximidad. NBN modula la detección de señales de daño en el ADN mediante el reclutamiento de miembros de la familia PI3/PI4-quinasas, ATM, ATR y probablemente DNA-PKcs, a los sitios de daño en el ADN y la activación de sus funciones. También puede reclutar MRE11 y RAD50 a la proximidad de DSB mediante una interacción con la histona H2AX. NBN también funciona en el mantenimiento de la longitud del telómero mediante la generación del saliente 3' que sirve como cebador para la elongación del telómero dependiente de la telomerasa. NBN es un actor importante en el control del punto de control intra-fase S y existe cierta evidencia de que NBN está involucrado en los puntos de control G1 y G2. Las funciones de NBS1/MRN abarcan sensor de daño en el ADN, transductor de señales y efector, que permiten a las células mantener la integridad del ADN y la estabilidad genómica. Forma un complejo con RBBP8 para vincular la detección de roturas de doble cadena de ADN a la resección. Mejora la fosforilación de AKT1 posiblemente por asociación con el complejo mTORC2.

Área de Investigación

Epigenética y señalización nuclear

Datos de Imagen



Análisis de transferencia Western de la expresión de fosforilación de p95/NBS1 en lisado de células Jurkat tratadas con etoposide.