

**Nombre del Producto: Anticuerpo monoclonal de conejo fosfo-KAP1 (S824) (13F9)****Nº de Catálogo: AMRe05933**

Solo para uso en investigación.

**Resumen**

<b>Descripción</b>	Anticuerpo monoclonal de conejo recombinante
<b>Huésped</b>	Conejo
<b>Aplicación</b>	WB,IP
<b>Reactividad</b>	Humano, Ratón
<b>Conjugación</b>	No conjugado
<b>Modificación</b>	Fosforilado
<b>Isotipo</b>	IgG
<b>Clonalidad</b>	Monoclonal
<b>Formato</b>	Líquido
<b>Concentración</b>	0,5 mg/ml. La concentración de este producto puede variar según el lote.
<b>Almacenamiento</b>	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
<b>Envío</b>	Bolsas de hielo
<b>Tampon</b>	IgG de conejo en solución salina tamponada con fosfato, pH 7,4, 150 mM de NaCl, 0,02 % de conservante de nuevo tipo N y 50 % de glicerol. Conservar a +4 °C a corto plazo. Conservar a -20 °C a largo plazo. Evitar el ciclo de congelación/descongelación.
<b>Purificación</b>	Purificación por afinidad

**Aplicación**

<b>Relación de Dilución</b>	WB 1:500-1:2000,IP 1:10-1:100
<b>Peso Molecular</b>	89kDa

**Información del Antígeno**

<b>Nombre del Gen</b>	TRIM28
<b>Nombres Alternativos</b>	KAP 1; KRAB associated protein 1; KRIP1; RNF96; TF1B; TIF1 beta; TIF1B; Trim28; Tripartite motif containing 28;
<b>ID del Gen</b>	10155.0
<b>ID SwissProt</b>	Q13263
<b>Inmunógeno</b>	Un fosfopéptido sintético correspondiente a los residuos que rodean a Ser824 del KAP1 humano

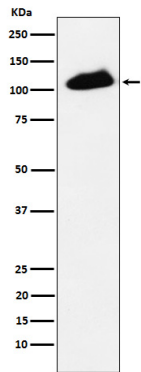
## Antecedentes

Correpresor nuclear para las proteínas con dedos de zinc que contienen el dominio KRAB (KRAB-ZFP). Media el silenciamiento génico mediante el reclutamiento de CHD3, una subunidad del complejo de remodelación y desacetilación de nucleosomas (NuRD), y SETDB1 (que metila específicamente la histona H3 en 'Lys-9' (H3K9me)) a las regiones promotoras de los genes diana de KRAB. Correpresor nuclear para las proteínas con dedos de zinc que contienen el dominio KRAB (KRAB-ZFP). Media el silenciamiento génico mediante el reclutamiento de CHD3, una subunidad del complejo de remodelación y desacetilación de nucleosomas (NuRD), y SETDB1 (que metila específicamente la histona H3 en 'Lys-9' (H3K9me)) a las regiones promotoras de los genes diana de KRAB. Mejora la represión transcripcional coordinando el aumento de H3K9me, la disminución de la acetilación de la histona H3 'Lys-9 y 'Lys-14' (H3K9ac y H3K14ac, respectivamente) y la disposición de las proteínas HP1 para silenciar la expresión génica. El reclutamiento de SETDB1 induce la heterocromatinización. Puede desempeñar un papel como coactivador de CEBPB y NR3C1 en la activación transcripcional de ORM1. También es correpresor de ERBB4. Inhibe la actividad de E2F1 estimulando la formación del complejo E2F1-HDAC1 e inhibiendo la acetilación de E2F1. Puede servir como un respaldo parcial para prevenir la apoptosis mediada por E2F1 en ausencia de RB1. Regulador importante de CDKN1A/p21(CIP1). Tiene actividad de la proteína ligasa E3 SUMO hacia sí misma a través de su dedo de zinc de tipo PHD. También sumoila específicamente IRF7, inhibiendo así su actividad de transactivación. Ubiquitina p53/TP53, lo que lleva a su degradación proteosomal; la función es potenciada por MAGEC2 y MAGEA2, y posiblemente MAGEA3 y MAGEA6. Media la localización nuclear de los factores de transcripción KOX1, ZNF268 y ZNF300. En asociación con la isoforma 2 de ZFP90, es necesaria para la actividad represora transcripcional de FOXP3 y la función supresora de las células T reguladoras (Treg) (PubMed:23543754). Probablemente forma un complejo correpresor necesario para la hipermetilación del promotor mediada por KRAS activado y el silenciamiento transcripcional de genes supresores de tumores (TSG) u otros genes relacionados con tumores en células de cáncer colorrectal (CCR) (PubMed:24623306). Necesario para mantener un estado represivo transcripcionalmente de genes en células madre embrionarias (ESC) indiferenciadas (PubMed:24623306). En las células madre embrionarias (CME), en colaboración con SETDB1, también es necesario para H3K9me3 y el silenciamiento de retrovirus endógenos e introducidos en una vía independiente de la metilación del ADN (por similitud). Se asocia a las regiones promotoras de genes supresores de tumores (TSG), lo que conduce a su silenciamiento génico (PubMed:24623306). El complejo SETDB1-TRIM28-ZNF274 podría desempeñar un papel en el reclutamiento de ATRX a los exones 3' de genes codificantes de dedos de zinc con características de cromatina atípicas para establecer o mantener/proteger H3K9me3 en estas regiones transcripcionalmente activas (PubMed:27029610). Actúa como correpresor de ZFP568 (por similitud).

## Área de Investigación

Epigenética y señalización nuclear

## Datos de Imagen



Análisis de transferencia Western de la expresión de Phospho-KAP1 (S824) en células HeLa tratadas con etopósido.