

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo ZNF384**Nº de Catálogo: APRab20262**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	WB,ELISA
Reactividad	Humano, Rata
Conjugación	No conjugado
Modificación	Sin modificar
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:500-1:2000,ELISA 1:10000-1:20000
Peso Molecular	64kDa

Información del Antígeno

Nombre del Gen	ZNF384 ZNF384; CAGH1; CIZ; NMP4; TNRC1; Zinc finger protein 384; CAG repeat protein 1; CAS-
Nombres Alternativos	interacting zinc finger protein; Nuclear matrix transcription factor 4; Nuclear matrix protein 4; Trinucleotide repeat-containing gene 1 protein
ID del Gen	171017.0
ID SwissProt	Q8TF68
Inmunógeno	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado de la región N-terminal del ZNF384 humano. Rango de AA: 1-50

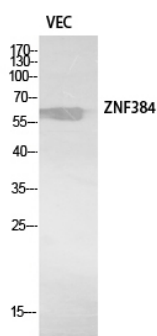
Antecedentes

proteína de dedo de zinc 384 (ZNF384) Homo sapiens Este gen codifica una proteína de dedo de zinc de tipo C2H2, que puede funcionar como un factor de transcripción. Este gen también contiene largas repeticiones de trinucleótidos CAG que codifican residuos consecutivos de glutamina. La proteína parece unirse a y regular los promotores de los genes de la matriz extracelular MMP1, MMP3, MMP7 y COL1A1. Estudios en ratones sugieren que los factores de transcripción de la matriz nuclear (NP/NMP4) pueden ser parte de una vía mecánica general que acopla la construcción y función celular durante la remodelación de la matriz extracelular. El empalme alternativo da como resultado múltiples variantes de transcripción. Se han observado reordenamientos recurrentes de este gen con el gen del sarcoma de Ewing, EWSR1 en el cromosoma 22, o con el gen TAF15 en el cromosoma 17, o con el gen TCF3 (E2A) en el cromosoma 19, en la leucemia aguda. Se ha identificado un pseudogén relacionado en el cromosoma 7. [Proporcionado por RefSeq, abril de 2011], Productos alternativos: Parecen existir isoformas adicionales. Precaución: La secuencia que se muestra aquí se deriva de un proceso de análisis automático de Ensembl y debe considerarse como datos preliminares. Función: Factor de transcripción que se une a la secuencia de ADN consenso [GC]AAAAA. Parece unirse y regular los promotores de MMP1, MMP3, MMP7 y COL1A1. Similitud: Pertenece a la familia de proteínas de dedos de zinc de tipo C2H2 de Krueppel. Similitud: Contiene 8 dedos de zinc de tipo C2H2. Subunidad: Interactúa con BCAR1.

Área de Investigación

Epigenética y señalización nuclear; Transcripción; Familias de dominios; Dedo de zinc; Factores de transcripción

Datos de Imagen



Análisis Western Blot de células VEC usando el anticuerpo policlonal ZNF384. El anticuerpo secundario se diluyó a 1:20000.