

**Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo Wee 1****Nº de Catálogo: APRab19893**

Solo para uso en investigación.

**Resumen**

<b>Descripción</b>	Anticuerpo policlonal de conejo
<b>Huésped</b>	Conejo
<b>Aplicación</b>	WB,ELISA
<b>Reactividad</b>	Humano, Ratón, Rata
<b>Conjugación</b>	No conjugado
<b>Modificación</b>	Sin modificar
<b>Isotipo</b>	IgG
<b>Clonalidad</b>	Policlonal
<b>Formato</b>	Líquido
<b>Concentración</b>	1 mg/ml
<b>Almacenamiento</b>	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
<b>Envío</b>	Bolsas de hielo
<b>Tampon</b>	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
<b>Purificación</b>	Purificación por afinidad

**Aplicación**

<b>Relación de Dilución</b>	WB 1:500-1:2000,ELISA 1:20000-1:40000
<b>Peso Molecular</b>	72kDa

**Información del Antígeno**

<b>Nombre del Gen</b>	WEE1
<b>Nombres Alternativos</b>	WEE1; Wee1-like protein kinase; WEE1hu; Wee1A kinase
<b>ID del Gen</b>	7465.0
<b>ID SwissProt</b>	P30291
<b>Inmunógeno</b>	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado del WEE1 humano. Rango de AA: 19-68.

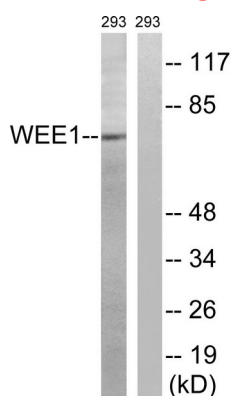
**Antecedentes**

Quinasa del punto de control WEE1 G2 (WEE1) Homo sapiens. Este gen codifica una proteína nuclear, una tirosina quinasa perteneciente a la familia Ser/Thr de las proteínas quinasas. Esta proteína cataliza la fosforilación inhibitoria de la tirosina de la quinasa CDC2/ciclina B y parece coordinar la transición entre la replicación del ADN y la mitosis protegiendo al núcleo de la quinasa CDC2 activada citoplasmáticamente. [proporcionado por RefSeq, jul. de 2008], actividad catalítica: ATP + a [proteína]-L-tirosina = ADP + a [proteína]-L-tirosina fosfato., cofactor: se une a 2 iones de magnesio por subunidad., regulación enzimática: la síntesis aumenta durante las fases S y G2, presumiblemente por un aumento de la transcripción; la actividad disminuye por la fosforilación durante la fase m. Los niveles de proteína disminuyen en la fase M como resultado de la disminución de la síntesis combinada con la degradación. La actividad parece estar regulada negativamente por la fosforilación al entrar en la mitosis, aunque la fosforilación N-terminal también podría regular la estabilidad de la proteína a través de la protección de la proteólisis o podría regular la ubicación subcelular., Función: Puede actuar como un regulador negativo de la entrada en la mitosis (transición de G2 a M) al proteger el núcleo del complejo de ciclina B1-CDC2 activado citoplasmáticamente antes del inicio de la mitosis. Su actividad aumenta durante las fases S y G2 y disminuye en la fase M cuando está hiperfosforilada. Una disminución correlacionada en el nivel de proteína ocurre en la fase M/G1, probablemente debido a su degradación. Específicamente fosforila e inactiva el complejo de ciclina B1-CDC2 alcanzando un máximo durante la fase G2 y un mínimo cuando las células entran en la fase M. La fosforilación de ciclina B1-CDC2 ocurre exclusivamente en 'Tyr-15' y la fosforilación del CDC2 monomérico no ocurre., PTM: Fosforilado durante las fases M y G1. También autofosforilada. PTM: Ubiquitinada y degradada al inicio de la fase G2/M. Similitud: Pertenece a la superfamilia de las proteínas quinasas. Familia de las proteínas quinasas Ser/Thr. Subfamilia WEE1. Similitud: Contiene un dominio de proteína quinasa.

## Área de Investigación

Ciclo celular G1S; Ciclo celular G2M ADN;

## Datos de Imagen



Análisis de inmunotransferencia de lisados de 293 células, utilizando el anticuerpo WEE1. El carril derecho está bloqueado con el péptido sintetizado.