

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo V-ATPasa H**Nº de Catálogo: APRab19737**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	WB,IHC,ICC/IF,ELISA
Reactividad	Humano, Ratón
Conjugación	No conjugado
Modificación	Sin modificar
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:500-1:2000,IHC 1:100-1:300,ICC/IF 1:50-1:200,ELISA 1:10000-1:20000
Peso Molecular	55kDa

Información del Antígeno

Nombre del Gen	ATP6V1H
Nombres Alternativos	ATP6V1H; CGI-11; V-type proton ATPase subunit H; V-ATPase subunit H; Nef-binding protein 1; NBP1; Protein VMA13 homolog; V-ATPase 50/57 kDa subunits; Vacuolar proton pump subunit H; Vacuolar proton pump subunit SFD
ID del Gen	51606.0
ID SwissProt	Q9UI12
Inmunógeno	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado del ATP6V1H humano. Rango de AA: 341-390.

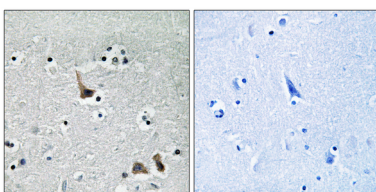
Antecedentes

Este gen codifica un componente de la ATPasa vacuolar (V-ATPasa), una enzima multisubunidad que media la acidificación de orgánulos intracelulares. La acidificación de orgánulos dependiente de la V-ATPasa es necesaria para múltiples procesos, como la clasificación de proteínas, la activación del zimógeno, la endocitosis mediada por receptores y la generación de gradientes protónicos en vesículas sinápticas. La proteína codificada es la subunidad H reguladora del dominio V1 de la V-ATPasa, necesaria para la catálisis del ATP, pero no para el ensamblaje de la V-ATPasa. La disminución de la expresión de este gen podría influir en el desarrollo de la diabetes tipo 2. Se han observado variantes de transcripción con empalme alternativo que codifican múltiples isoformas para este gen. [Proporcionado por RefSeq, mayo de 2012], función: Subunidad del complejo periférico V1 de la ATPasa vacuolar. La subunidad H activa la actividad ATPasa de la enzima y la acopla al flujo de protones. La ATPasa vacuolar es responsable de la acidificación de diversos compartimentos intracelulares en las células eucariotas, proporcionando así la mayor parte de la energía necesaria para los procesos de transporte en el sistema vacuolar (por similitud). Participa en la endocitosis mediada por fosas recubiertas de clatrina, necesaria para la formación de endosomas. Similitud: Pertenece a la familia de subunidades H de la V-ATPasa. Subunidad: La V-ATPasa es una enzima heteromultimérica compuesta por un complejo catalítico periférico V1 (componentes A a H) unido a un complejo de poro protónico V0 de membrana integral (componentes: a, c, c', c'' y d). Interactúa con la proteína Nef del VIH-1 y AP2M1. Especificidad tisular: Ampliamente expresada.

Área de Investigación

Fosforilación oxidativa; Lisosoma; Infección por *Vibrio cholerae*; Señalización de células epiteliales en la infección por *Helicobacter pylori*;

Datos de Imagen



Análisis inmunohistoquímico de tejido cerebral humano incluido en parafina, utilizando el anticuerpo ATP6V1H. La imagen de la derecha muestra el péptido sintetizado.



Análisis de Western blot de diversas células con anticuerpo policlonal V-ATPasa H. El anticuerpo secundario se diluyó a 1:20000.