

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo V-ATPasa D1**Nº de Catálogo: APRab19736**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	WB,ELISA
Reactividad	Humano, Ratón, Rata
Conjugación	No conjugado
Modificación	Sin modificar
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:500-1:2000,ELISA 1:10000-1:20000
Peso Molecular	40kDa

Información del Antígeno

Nombre del Gen	ATP6V0D1 ATP6V0D1; ATP6D; VPATPD; V-type proton ATPase subunit d 1; V-ATPase subunit d 1; 32
Nombres Alternativos	kDa accessory protein; V-ATPase 40 kDa accessory protein; V-ATPase AC39 subunit; p39; Vacuolar proton pump subunit d 1
ID del Gen	9114.0
ID SwissProt	P61421
Inmunógeno	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado de la V-ATPasa D1 humana. Rango de AA: 221-270

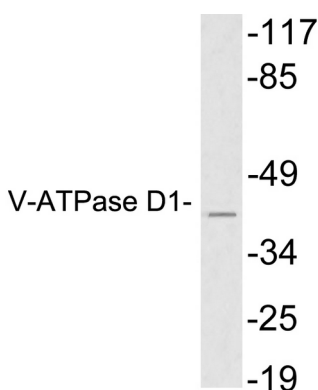
Antecedentes

Este gen codifica un componente de la ATPasa vacuolar (V-ATPasa), una enzima multisubunidad que media la acidificación de los orgánulos intracelulares eucariotas. La acidificación de los orgánulos dependiente de la V-ATPasa es necesaria para procesos intracelulares como la clasificación de proteínas, la activación del zimógeno, la endocitosis mediada por receptores y la generación del gradiente de protones de las vesículas sinápticas. La V-ATPasa se compone de un dominio V1 citosólico y un dominio V0 transmembrana. El dominio V1 consta de tres subunidades A y tres B, dos subunidades G más las subunidades C, D, E, F y H. El dominio V1 contiene el sitio catalítico del ATP. El dominio V0 consta de cinco subunidades diferentes: a, c, c', c'' y d. Las isoformas adicionales de muchas de las proteínas de las subunidades V1 y V0 están codificadas por múltiples genes o variantes de transcripción empalmadas alternativamente. Esta proteína codificada se conoce como la subunidad D y se encuentra ubicuamente. [Profundición: Subunidad del complejo V0 de membrana integral de la ATPasa vacuolar. La ATPasa vacuolar es responsable de la acidificación de diversos compartimentos intracelulares en las células eucariotas, proporcionando así la mayor parte de la energía necesaria para los procesos de transporte en el sistema vacuolar. Puede participar en el acoplamiento del transporte de protones y la hidrólisis del ATP.],Similitud: Pertenece a la familia de subunidades V0D/AC39 de la V-ATPasa.,Subunidad: La V-ATPasa es una enzima heteromultimérica compuesta por un complejo catalítico periférico V1 (componentes A a H) unido a un complejo de poro protónico V0 de membrana integral (componentes: a, c, c', c'' y d).,Especificidad tisular:Ubicuo.,

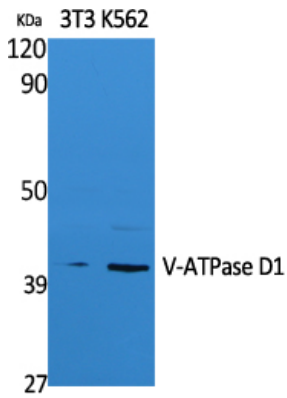
Área de Investigación

Fosforilación oxidativa;Lisosoma;Infección por *Vibrio cholerae*;Señalización de células epiteliales en la infección por *Helicobacter pylori*;

Datos de Imagen



Análisis de transferencia Western de lisados de células HeLa, utilizando el anticuerpo V-ATPasa D1.



Análisis Western Blot de extractos de células NIH-3T3, K562, utilizando el anticuerpo policlonal V-ATPasa D1. El anticuerpo secundario se diluyó a 1:20000.