

---

**Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo V-ATPasa D****Nº de Catálogo: APRab19735**

Solo para uso en investigación.

**Resumen**

<b>Descripción</b>	Anticuerpo policlonal de conejo
<b>Huésped</b>	Conejo
<b>Aplicación</b>	WB,ELISA
<b>Reactividad</b>	Humano, Ratón, Rata, Cerdo
<b>Conjugación</b>	No conjugado
<b>Modificación</b>	Sin modificar
<b>Isotipo</b>	IgG
<b>Clonalidad</b>	Policlonal
<b>Formato</b>	Líquido
<b>Concentración</b>	1 mg/ml
<b>Almacenamiento</b>	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
<b>Envío</b>	Bolsas de hielo
<b>Tampon</b>	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
<b>Purificación</b>	Purificación por afinidad

**Aplicación**

<b>Relación de Dilución</b>	WB 1:500-1:2000,ELISA 1:20000-1:40000
<b>Peso Molecular</b>	28kDa

**Información del Antígeno**

<b>Nombre del Gen</b>	ATP6V1D
<b>Nombres Alternativos</b>	ATP6V1D; ATP6M; VATD; V-type proton ATPase subunit D; V-ATPase subunit D; V-ATPase 28 kDa accessory protein; Vacuolar proton pump subunit D
<b>ID del Gen</b>	51382.0
<b>ID SwissProt</b>	Q9Y5K8
<b>Inmunógeno</b>	Péptido sintetizado derivado de la V-ATPasa D. en el rango de AA: 70-150

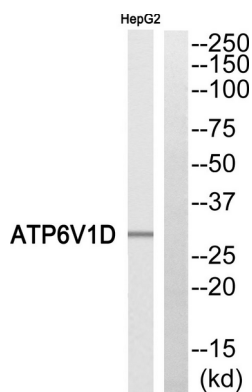
**Antecedentes**

Este gen codifica un componente de la ATPasa vacuolar (V-ATPasa), una enzima multisubunitaria que media la acidificación de orgánulos intracelulares eucariotas. La acidificación de orgánulos dependiente de la V-ATPasa es necesaria para procesos intracelulares como la clasificación de proteínas, la activación del zimógeno, la endocitosis mediada por receptores y la generación de gradientes protónicos en vesículas sinápticas. La V-ATPasa se compone de un dominio V1 citosólico y un dominio V0 transmembrana. El dominio V1 consta de tres subunidades A y tres subunidades B, dos subunidades G y las subunidades C, D, E, F y H. El dominio V1 contiene el sitio catalítico del ATP. El dominio V0 consta de cinco subunidades diferentes: a, c, c', c'' y d. Otras isoformas de muchas de las proteínas de las subunidades V1 y V0 están codificadas por múltiples genes o variantes de transcripción con empalme alternativo. Este gen codifica la proteína de la subunidad D del dominio V1. [Proporcionado por RefSeq, julio de 2008] Función: Subunidad del complejo periférico V1 de la ATPasa vacuolar. La ATPasa vacuolar es responsable de la acidificación de diversos compartimentos intracelulares en células eucariotas, proporcionando así la mayor parte de la energía necesaria para los procesos de transporte en el sistema vacuolar. Similitud: Pertenece a la familia de la subunidad D de la V-ATPasa. Subunidad: La V-ATPasa es una enzima heteromultimérica compuesta por un complejo catalítico periférico V1 (componentes A a H) unido a un complejo de poro protónico V0 de membrana integral (componentes: a, c, c', c'' y d).

## Área de Investigación

Fosforilación oxidativa; Infección por *Vibrio cholerae*; Señalización de células epiteliales en la infección por *Helicobacter pylori*;

## Datos de Imagen



Análisis de Western blot del anticuerpo ATP6V1D. El carril derecho está bloqueado por el péptido ATP6V1D.