

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo USP16**Nº de Catálogo: APRab19666**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	WB,ELISA
Reactividad	Humano, Ratón, Rata
Conjugación	No conjugado
Modificación	Sin modificar
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:500-1:2000,ELISA 1:5000-1:20000
Peso Molecular	93kDa

Información del Antígeno

Nombre del Gen	USP16 USP16; MSTP039; Ubiquitin carboxyl-terminal hydrolase 16; Deubiquitinating enzyme 16;
Nombres Alternativos	Ubiquitin thioesterase 16; Ubiquitin-processing protease UBP-M; Ubiquitin-specific-processing protease 16
ID del Gen	10600.0
ID SwissProt	Q9Y5T5
Inmunógeno	Péptido sintetizado derivado de la región interna del USP16 humano.

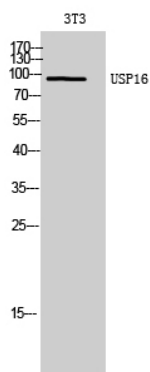
Antecedentes

Este gen codifica una enzima desubiquitinante que se fosforila al inicio de la mitosis y se desfosforila en la transición metafase/anafase. Puede desubiquitinar H2A, una de las dos principales proteínas ubiquitinadas de la cromatina, in vitro, y se ha demostrado que una forma mutante de la proteína bloquea la división celular. Se han caracterizado variantes de empalme transcripcional alternativo, que codifican diferentes isoformas. [Proporcionado por RefSeq, julio de 2008], actividad catalítica: Tioéster C-terminal de ubiquitina + H(2)O = ubiquitina + un tiol., enfermedad: Una aberración cromosómica que afecta a USP16 es causa de leucemia mielomonocítica crónica. Inversión inv(21) (q21;q22) con RUNX1/AML1. Dominio: El dedo de zinc tipo UBP se une a tres iones de zinc que forman un par de dedos anulares cruzados encapsulados dentro de un tercer dedo de zinc en la estructura primaria. Reconoce la cola C-terminal de la ubiquitina libre. Función: Desubiquitina específicamente la histona H2A, una etiqueta específica para la represión transcripcional epigenética, actuando así como un coactivador. La desubiquitinación de la histona H2A es un prerrequisito para la fosforilación posterior en 'Ser-10' de la histona H3, y es necesaria para la segregación cromosómica cuando las células entran en mitosis. Regula la expresión del gen Hox mediante la desubiquitinación de la histona H2A. Prefiere sustratos nucleosómicos. No desubiquitina la histona H2B. PTM: Se fosforila al inicio de la mitosis y se desfosforila durante la transición metafase/anafase. La forma fosforilada de la proteína también es enzimáticamente activa. Similitud: Pertenece a la familia de las peptidasas C19, subfamilia USP16. Similitud: Contiene un dedo de zinc tipo UBP. Subunidad: Homotetrámero. Especificidad tisular: Presente en todos los tejidos examinados, incluyendo cerebro fetal, pulmón, hígado y riñón, y corazón, cerebro, placenta, pulmón, hígado, músculo esquelético, riñón y páncreas en adultos.

Área de Investigación

Biología celular; Proteólisis/Ubiquitina; Proteasoma/Ubiquitina; Desubiquitinación; Epigenética y señalización nuclear; Ubiquitina y modificadores similares

Datos de Imagen



Análisis de Western blot de células 3T3 con anticuerpo policlonal USP16. El anticuerpo secundario se diluyó a 1:20000.