

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo UBR5**Nº de Catálogo: APRab19585**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	WB,IHC,ICC/IF,ELISA
Reactividad	Humano, Ratón
Conjugación	No conjugado
Modificación	Sin modificar
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:500-1:2000,IHC 1:100-1:300,ICC/IF 1:50-1:200,ELISA 1:5000-1:10000
Peso Molecular	309kDa

Información del Antígeno

Nombre del Gen	UBR5 UBR5; EDD; EDD1; HYD; KIAA0896; E3 ubiquitin-protein ligase UBR5; E3 ubiquitin-protein
Nombres Alternativos	ligase; HECT domain-containing 1; Hyperplastic discs protein homolog; hHYD; Progesterin-induced protein
ID del Gen	51366.0
ID SwissProt	O95071
Inmunógeno	El antisuero se elaboró contra un péptido sintetizado derivado de la EDD humana. Rango de AA: 1-50.

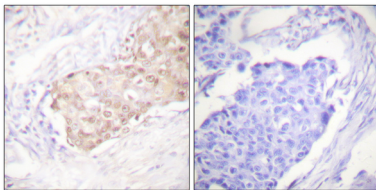
Antecedentes

Este gen codifica una proteína inducida por progestina, que pertenece a la familia HECT (homología con el extremo carboxilo terminal E6-AP). Las proteínas de la familia HECT funcionan como ligasas de ubiquitina-proteína E3, dirigiéndose a proteínas específicas para la proteólisis mediada por ubiquitina. Este gen se localiza en el cromosoma 8q22 que se altera en una variedad de cánceres. Este gen potencialmente tiene un papel en la regulación de la proliferación o diferenciación celular. [proporcionado por RefSeq, jul. 2008], función: ligasa de ubiquitina-proteína E3 que es un componente de la vía de la regla del extremo N. Reconoce y se une a proteínas que portan residuos amino-terminales específicos que se desestabilizan de acuerdo con la regla del extremo N, lo que lleva a su ubiquitinación y posterior degradación (por similitud). Puede estar involucrado en la maduración y/o regulación transcripcional del ARNm. Puede desempeñar un papel en el control de la progresión del ciclo celular. Puede tener función supresora de tumores. Regula la proteína de unión a la ADN topoisomerasa II (TopBP1) en la respuesta al daño del ADN. Desempeña un papel esencial en el desarrollo extraembrionario. Varios: Se requiere un residuo de cisteína para la formación de tioéster de ubiquitina. Vía: Modificación de proteínas; ubiquitinación de proteínas. PTM: Se fosforila tras el daño del ADN, probablemente por ATM o ATR. Similitud: Contiene un dominio HECT (ubiquitina-proteína ligasa E3 de tipo E6AP). Similitud: Contiene un dominio PABC. Similitud: Contiene un dedo de zinc de tipo UBR. Subunidad: Se une a TOPBP1. Especificidad tisular: Ampliamente expresado. Es más abundante en los testículos y se expresa en altas concentraciones en el cerebro, la hipófisis y el riñón.

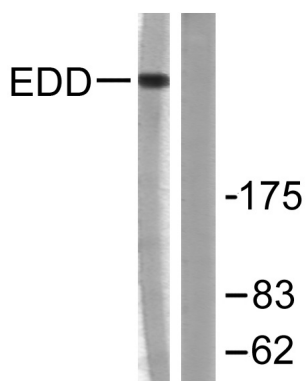
Área de Investigación

Proteólisis mediada por ubiquitina;

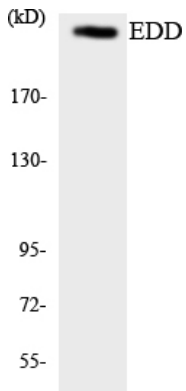
Datos de Imagen



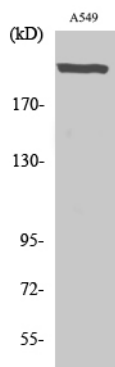
Análisis inmunohistoquímico de tejido de carcinoma mamario humano incluido en parafina, utilizando el anticuerpo EDD. La imagen de la derecha está bloqueada con el péptido sintetizado.



Análisis de inmunotransferencia de lisados de células A549 con anticuerpo EDD. El carril derecho está bloqueado con el péptido sintetizado.



Análisis de transferencia Western de los lisados de células K562 utilizando el anticuerpo EDD.



Análisis de Western blot de diversas células con el anticuerpo policlonal UBR5. El anticuerpo secundario se diluyó a 1:20000.