
Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo TudorSN**Nº de Catálogo: APRab19429**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	WB,IHC,ICC/IF,ELISA
Reactividad	Humano, Ratón, Rata
Conjugación	No conjugado
Modificación	Sin modificar
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:500-1:2000,IHC 1:100-1:300,ICC/IF 1:50-1:200,ELISA 1:20000-1:40000
Peso Molecular	101kDa

Información del Antígeno

Nombre del Gen	SND1 SND1; TDRD11; Staphylococcal nuclease domain-containing protein 1; 100 kDa
Nombres Alternativos	coactivator; EBNA2 coactivator p100; Tudor domain-containing protein 11; p100 co-activator
ID del Gen	27044.0
ID SwissProt	Q7KZF4
Inmunógeno	Péptido sintetizado derivado de la región interna de TudorSN humano.

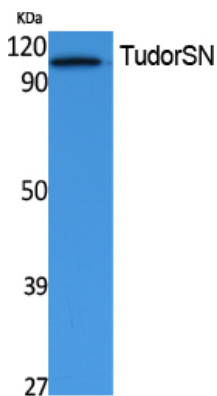
Antecedentes

Este gen codifica un coactivador transcripcional que interactúa con el dominio ácido del antígeno nuclear 2 del virus de Epstein-Barr (EBNA 2), un activador transcripcional necesario para la transformación de los linfocitos B. Otros factores de transcripción que interactúan con esta proteína son los transductores de señales y activadores de la transcripción (STAT). Se cree que esta proteína también es esencial para el crecimiento celular normal. Una proteína similar presente en mamíferos y otros organismos es un componente del complejo de silenciamiento inducido por ARN (RISC). [Proporcionado por RefSeq, julio de 2016], función: Actúa como puente entre STAT6 y el factor de transcripción basal. Participa en la regulación de la actividad de MYB por PIM1. Funciona como coactivador transcripcional del antígeno nuclear 2 del virus de Epstein-Barr (EBNA2). PTM: Fosforilado por PIM1 in vitro. Advertencia sobre la secuencia: El desplazamiento del marco de lectura provoca una iniciación errónea. Similitud: Contiene un dominio Tudor. Similitud: Contiene cuatro dominios similares a TNasa. Ubicación subcelular: En células estimuladas con IL-4, colocaliza con STAT6 en el núcleo. Identificado por espectrometría de masas en fracciones de melanosomas desde el estadio I hasta el estadio IV. Subunidad: Se une al dominio de transactivación ácida de EBNA2. Interactúa con NSP1 del virus de Epstein-Barr (EAV). Interactúa con GTF2E1 y GTF2E2. Forma un complejo ternario con STAT6 y POLR2A. Interactúa con STAT5. Especificidad tisular: Se expresa de forma ubicua.

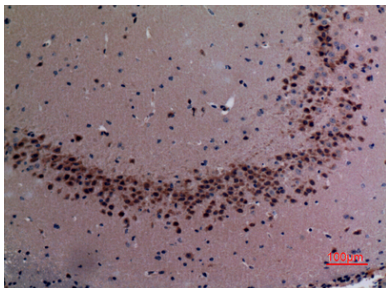
Área de Investigación

-

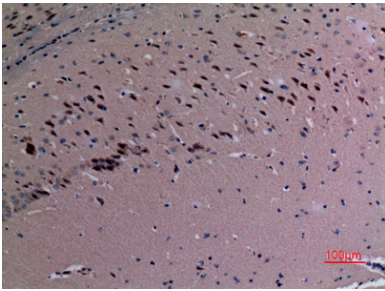
Datos de Imagen



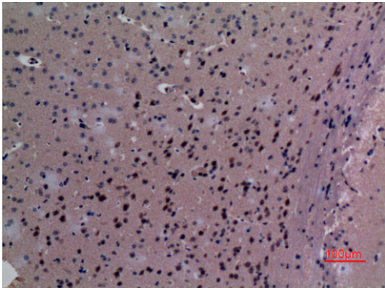
Análisis Western Blot de extractos de células Jurkat, utilizando el anticuerpo policlonal TudorSN. El anticuerpo secundario se diluyó a 1:20000.



Análisis inmunohistoquímico de cerebro de ratón incluido en parafina, el anticuerpo se diluyó a 1:100



Análisis inmunohistoquímico de cerebro de ratón incluido en parafina, el anticuerpo se diluyó a 1:100



Análisis inmunohistoquímico de cerebro de ratón incluido en parafina, el anticuerpo se diluyó a 1:100