

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo TRRAP**Nº de Catálogo: APRab19335**

Solo para uso en investigación.

Resumen

| | |
|-----------------------|---|
| Descripción | Anticuerpo policlonal de conejo |
| Huésped | Conejo |
| Aplicación | IHC, ICC/IF |
| Reactividad | Humano, Ratón |
| Conjugación | No conjugado |
| Modificación | Sin modificar |
| Isotipo | IgG |
| Clonalidad | Policlonal |
| Formato | Líquido |
| Concentración | 1 mg/ml |
| Almacenamiento | Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación. |
| Envío | Bolsas de hielo |
| Tampon | Líquido en PBS conteniendo 50% de glicerol, y 0,02% de conservante nuevo tipo N. |
| Purificación | Purificación por afinidad |

Aplicación

| | |
|-----------------------------|-----------------------------------|
| Relación de Dilución | IHC 1:50-1:300, ICC/IF 1:50-1:200 |
| Peso Molecular | 424kDa |

Información del Antígeno

| | |
|-----------------------------|--|
| Nombre del Gen | TRRAP |
| Nombres Alternativos | PAF400 |
| ID del Gen | 8295.0 |
| ID SwissProt | Q9Y4A5 |
| Inmunógeno | Péptido sintetizado derivado de una región parcial de la proteína humana |

Antecedentes

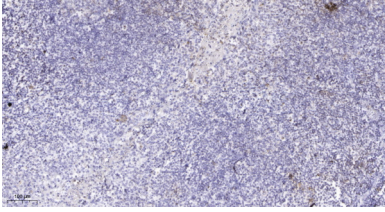
Este gen codifica una proteína multidominio de gran tamaño de la familia de las quinasas relacionadas con la fosfoinosítido 3-quinasa (PIKK). Esta proteína es un componente común de numerosos complejos de histona acetiltransferasa (HAT) y participa

en la transcripción y la reparación del ADN mediante el reclutamiento de complejos HAT a la cromatina. La desregulación de este gen podría influir en varios tipos de cáncer, incluido el glioblastoma multiforme. Se han observado variantes de transcripción con empalme alternativo que codifican múltiples isoformas para este gen. [Proporcionado por RefSeq, septiembre de 2011], dominio: El dominio PI3K/PI4K es necesario para el reclutamiento de complejos HAT y la transactivación dependiente de MYC. Aunque está estrechamente relacionada con la familia de las quinasas PI3/PI4, carece de los motivos típicos que constituyen el sitio catalítico de las proteínas quinasas PI3/PI4 y carece de dicha actividad. Función: Proteína adaptadora presente en diversos complejos multiproteicos de cromatina con actividad de histona acetiltransferasa (HAT), que proporciona una etiqueta específica para la activación de la transcripción epigenética. Componente del complejo de histona acetiltransferasa NuA4, responsable de la acetilación de las histonas nucleosomales H4 y H2A. Desempeña un papel central en la activación de la transcripción de MYC (c-Myc) y también participa en la transformación celular por MYC. Es necesaria para la activación de la transcripción mediada por p53/TP53, E2F1 y E2F4. También participa en la activación de la transcripción mediada por el adenovirus E1A, una oncoproteína viral que desregula la transcripción de genes clave. Probablemente actúa uniendo factores de transcripción como E1A, MYC o E2F1 a complejos HAT como STAGA, lo que permite la activación de la transcripción. Probablemente no sea necesaria en los pasos posteriores a la acetilación de histonas en los procesos de activación de la transcripción. Podría ser necesaria para el punto de control mitótico y la progresión normal del ciclo celular. Similitud: Pertenece a la familia de las quinasas PI3/PI4, subfamilia TRA1. Similitud: Contiene un dominio FAT. Similitud: Contiene un dominio FATC. Similitud: Contiene un dominio PI3K/PI4K. Subunidad: Interactúa con los factores de transcripción MYC, E2F1 y E2F4. Interactúa directamente con p53/TP53. Interactúa con GCN5L2. Componente de varios complejos HAT. Componente del complejo PCAF, compuesto al menos por TADA2L/ADA2, SUPT3H, TADA3L/ADA3, TAF5L/PAF65-beta, TAF6L/PAF65-alfa, TAF10/TAFII30, TAF12/TAFII20, TAF9/TAFII31 y TRRAP. Componente del complejo TFTC-HAT, compuesto al menos por TAF5L, TAF6L, TADA3L, SUPT3H/SPT3, TAF2/TAFII150, TAF4/TAFII135, TAF5/TAFII100, GCN5L2/GCN5, TAF10 y TRRAP. Componente del complejo de histona acetiltransferasa NuA4, que contiene la subunidad catalítica HTATIP/TIP60 y las subunidades EP400, TRRAP/PAF400, BRD8/SMAP, EPC1, DMAP1/DNMAP1, RUVBL1/TIP49, RUVBL2, ING3, actina, ACTL6A/BAF53A, MORF4L1/MRG15, MORF4L2/MRGX, MRGBP, YEATS4/GAS41, VPS72/YL1 y EAF6. Componente del complejo STAGA, compuesto al menos por SUPT3H, GCN5L2, SUPT7L, TAF5L, TAF6L, TADA3L, TAD1L, TAF10, TAF12, TRRAP y TAF9. El complejo central STAGA está asociado con un subcomplejo necesario para la desubiquitinilación de histonas, compuesto por ATXN7L3, ENY2 y USP22. Componente del complejo BAF53, compuesto al menos por BAF53A, RUVBL1, SMARCA4/BRG1 y TRRAP, que acetila preferentemente la histona H4 (y H2A) dentro de los nucleosomas. Interactúa con NPAT.

Área de Investigación

Epigenética y señalización nuclear; Transcripción; Cofactores

Datos de Imagen



Análisis inmunohistoquímico de amígdala humana incluida en parafina. 1. El anticuerpo se diluyó a 1:200 (4° durante la noche). 2. Se utilizó Tris-EDTA, pH 9,0 para la recuperación del antígeno. 3. El anticuerpo secundario se diluyó a 1:200 (temperatura ambiente, 45 min).