

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo TRAP220**Nº de Catálogo: APRab19224**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	WB,ICC/IF,ELISA
Reactividad	Humano, Ratón
Conjugación	No conjugado
Modificación	Sin modificar
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:500-1:2000,ICC/IF 1:200-1:1000,ELISA 1:5000-1:20000
Peso Molecular	-

Información del Antígeno

Nombre del Gen	MED1 MED1; ARC205; CRSP1; CRSP200; DRIP205; DRIP230; PBP; PPARBP; PPARGBP; RB18A;
Nombres Alternativos	TRAP220; TRIP2; Mediator of RNA polymerase II transcription subunit 1; Activator-recruited cofactor 205 kDa component; ARC205; Mediator complex subunit 1; Peroxiso
ID del Gen	5469.0
ID SwissProt	Q15648
Inmunógeno	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado del PPAR-BP humano. Rango de AA: 1423-1472.

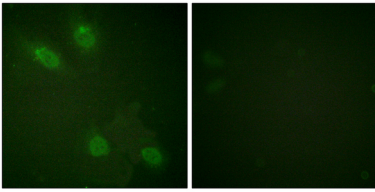
Antecedentes

La activación de la transcripción génica es un proceso multietapa desencadenado por factores que reconocen sitios potenciadores de la transcripción en el ADN. Estos factores trabajan con coactivadores para dirigir la iniciación transcripcional por el aparato de la ARN polimerasa II. La proteína codificada por este gen es una subunidad del complejo CRSP (cofactor requerido para la activación de SP1), que, junto con TFIID, es necesario para la activación eficiente por SP1. Esta proteína también es un componente de otros complejos multisubunidad, como las proteínas asociadas al receptor de la hormona tiroidea (TR), que interactúan con TR y facilitan la función de TR en las plantillas de ADN junto con factores de iniciación y cofactores. También regula la apoptosis dependiente de p53 y es esencial para la adipogénesis. Se sabe que esta proteína tiene la capacidad de autooligomerizarse. [proporcionado por RefSeq, jul. de 2008], función: Componente del complejo Mediador, un coactivador involucrado en la transcripción regulada de casi todos los genes dependientes de la ARN polimerasa II. El mediador funciona como un puente para transmitir información desde las proteínas reguladoras específicas de cada gen hasta la maquinaria de transcripción basal de la ARN polimerasa II. El mediador se recluta a los promotores mediante interacciones directas con las proteínas reguladoras y sirve como andamio para el ensamblaje de un complejo de preiniciación funcional con la ARN polimerasa II y los factores de transcripción generales. PTM: Fosforilado por MAPK1 o MAPK3 durante la fase G2/M, lo que puede mejorar la estabilidad de la proteína y promover la entrada al nucléolo. Fosforilado tras daño del ADN, probablemente por ATM o ATR. Precaución de secuencia: Secuencia contaminante. Posible secuencia poli-A. Similitud: Pertenece a la familia de la subunidad 1 del complejo Mediador. Ubicación subcelular: Un subconjunto de la proteína puede entrar al nucléolo tras la fosforilación por MAPK1 o MAPK3. Subunidad: Interactúa con GATA1 y YWHAH (por similitud). Componente del complejo Mediador, compuesto por MED1, MED4, MED6, MED7, MED8, MED9, MED10, MED11, MED12, MED13, MED13L, MED14, MED15, MED16, MED17, MED18, MED19, MED20, MED21, MED22, MED23, MED24, MED25, MED26, MED27, MED29, MED30, MED31, CCNC, CDK8 y CDC2L6/CDK11. Las subunidades MED12, MED13, CCNC y CDK8 forman un módulo distinto denominado módulo CDK8. El Mediador que contiene el módulo CDK8 es menos activo que el Mediador que carece de este módulo en la activación transcripcional. Las preparaciones individuales del complejo Mediador que carecen de una o más subunidades distintivas se han denominado ARC, CRSP, DRIP, PC2, SMCC y TRAP. Esta subunidad interactúa específicamente con varios receptores nucleares de forma ligando-dependiente, incluyendo AR, ESR1, ESR2, PPARA, PPARG, RXRA, RXRG, THRA, THRB y VDR. Interactúa con CTNNB1, GABPA, GLI3, PPARGC1A y TP53. Se une al ADN. Especificidad tisular: Se expresa de forma ubicua.

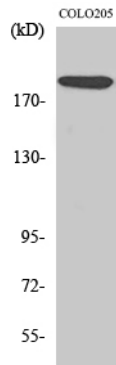
Área de Investigación

Epigenética y señalización nuclear; Transcripción; Factores asociados a la polimerasa; Transcripción de Pol II; Vías de señalización nuclear; Receptores nucleares; Coactivadores/correpresores; Cáncer; Metabolismo del cáncer; Vía de señalización metabólica; Metabolismo de lípidos y lipoproteínas; Metabolismo; Vías y procesos; Metabolismo de lípidos y lipoproteínas; Metabolismo lipídico.

Datos de Imagen



Análisis de inmunofluorescencia de células HeLa mediante el anticuerpo PPAR-BP. La imagen de la derecha muestra el péptido sintetizado.



Análisis de Western blot de diversas células con el anticuerpo policlonal TRAP220. El anticuerpo secundario se diluyó a 1:20000.