

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo TRAF1**Nº de Catálogo: APRab19181**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	WB,ELISA
Reactividad	Humano, Ratón
Conjugación	No conjugado
Modificación	Sin modificar
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:500-1:2000,ELISA 1:10000-1:20000
Peso Molecular	46kDa

Información del Antígeno

Nombre del Gen	TRAF1
Nombres Alternativos	TNF receptor-associated factor 1 (Epstein-Barr virus-induced protein 6)
ID del Gen	7185.0
ID SwissProt	Q13077
Inmunógeno	Péptido sintetizado derivado de TRAF1 en el rango AA: 191-240

Antecedentes

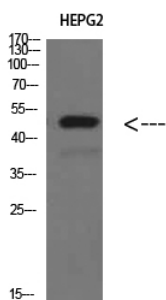
Factor 1 asociado al receptor de TNF (TRAF1) Homo sapiens La proteína codificada por este gen es miembro de la familia de

proteínas del factor asociado al receptor de TNF (TNFR) (TRAF). Las proteínas TRAF se asocian con, y median la transducción de señales de varios receptores de la superfamilia TNFR. Esta proteína y TRAF2 forman un complejo heterodimérico, que es necesario para la activación mediada por TNF-alfa de MAPK8/JNK y NF-kappaB. El complejo proteico formado por esta proteína y TRAF2 también interactúa con proteínas inhibitoras de la apoptosis (IAP), y por lo tanto media las señales antiapoptóticas de los receptores de TNF. La expresión de esta proteína puede ser inducida por el virus de Epstein-Barr (VEB). Se ha descubierto que la proteína de membrana 1 de la infección por VEB (LMP1) interactúa con esta y otras proteínas TRAF; se cree que esta interacción vincula la transformación de linfocitos B mediada por LMP1 con la transducción de señales de los receptores de la familia TNFR. Tres variantes de transcripción que codifican dos isoformas diferentes tienen: dominio: El dominio coiled coil media la homo- y heterooligomerización. dominio: El dominio MATH/TRAF se une a los dominios citoplasmáticos del receptor. función: Proteína adaptadora y transductor de señales que conecta a los miembros de la familia del receptor del factor de necrosis tumoral con diferentes vías de señalización mediante la asociación con el dominio citoplasmático del receptor y las quinasas. Media la activación de NF-kappa-B y JNK, y participa en la apoptosis. El complejo TRAF1/TRAF2 recluta los supresores apoptóticos BIRC2 y BIRC3 a TNFRSF1B/TNFR2. similitud: Contiene un dominio MATH. subunidad: Homotrímero (probable). Heterómero con TRAF2 y se asocia con TNFRSF1B/TNFR2 a través de TRAF2. Se asocia con TNFRSF4, TNFRSF5/CD40, TNFRSF8/CD30, TNFRSF9/CD137, TNFRSF11A/RANK, TNFRSF18/AITR, TNFRSF17/BCMA, TNFRSF19/TROY, TNFRSF19L/RELT, XEDAR, EDAR, virus de Epstein-Barr BNFL1/LMP-1, TANK/ITRAF, TRAIIP y RIPK2. Interactúa con el extremo N-terminal de BIRC2 y BIRC3. Interactúa con NFATC2IP y con HIVEP3.

Área de Investigación

Vías del cáncer; cáncer de pulmón de células pequeñas;

Datos de Imagen



Análisis de Western blot de células HEPG2 con el anticuerpo policlonal TRAF1 diluido a 1:500. El anticuerpo secundario se diluyó a 1:20000.