

**Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo Tip5****Nº de Catálogo: APRab18960**

Solo para uso en investigación.

**Resumen**

<b>Descripción</b>	Anticuerpo policlonal de conejo
<b>Huésped</b>	Conejo
<b>Aplicación</b>	WB,IHC
<b>Reactividad</b>	Humano, Rata, Ratón
<b>Conjugación</b>	No conjugado
<b>Modificación</b>	Sin modificar
<b>Isotipo</b>	IgG
<b>Clonalidad</b>	Policlonal
<b>Formato</b>	Líquido
<b>Concentración</b>	1 mg/ml
<b>Almacenamiento</b>	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
<b>Envío</b>	Bolsas de hielo
<b>Tampon</b>	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
<b>Purificación</b>	Purificación por afinidad

**Aplicación**

<b>Relación de Dilución</b>	WB 1:500-1:2000,IHC 1:50-1:300
<b>Peso Molecular</b>	210kDa

**Información del Antígeno**

<b>Nombre del Gen</b>	BAZ2A BAZ2A; KIAA0314; TIP5; Bromodomain adjacent to zinc finger domain protein 2A;
<b>Nombres Alternativos</b>	Transcription termination factor I-interacting protein 5; TTF-I-interacting protein 5; Tip5; hWALp3
<b>ID del Gen</b>	605682.0
<b>ID SwissProt</b>	Q9UIF9
<b>Inmunógeno</b>	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado de BAZ2A humano. Rango de AA: 1281-1330.

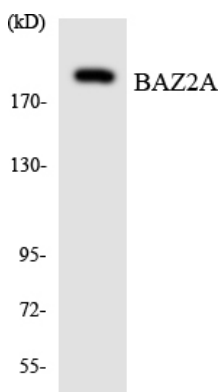
## Antecedentes

Función: Puede desempeñar un papel en la regulación transcripcional al interactuar con ISWI. Puede desempeñar un papel específico en el mantenimiento o la alteración de la estructura de la cromatina del locus del ADNr. PTM: Se fosforila tras daño del ADN, probablemente por ATM o ATR. Precaución: Secuencia contaminante. Secuencia poli-A potencial.,similitud:Pertenece a la familia WAL.,similitud:Contiene 1 dominio bromo.,similitud:Contiene 1 dominio DDT.,similitud:Contiene 1 dominio MBD (metil-CpG-uni3n),similitud:Contiene 1 dedo de zinc tipo PHD.,similitud:Contiene 4 dominios de uni3n al ADN del gancho A.T.,ubicaci3n subcelular:Se colocaliza con el factor de transcripci3n basal de la ARN polimerasa I UBF en el nucl3olo.,subunidad:Junto con SMARCA5, forma un complejo denominado NoRC (complejo de remodelaci3n nucleolar),especificidad tisular:Se expresa en niveles moderados en la mayor3a de los tejidos analizados, incluidos coraz3n, cerebro, placenta, pulm3n, m3sculo esquel3tico, ri3n y p3ncreas.,funci3n:Puede desempeñar un papel en la regulaci3n transcripcional interactuando con ISWI. Puede cumplir una funci3n espec3fica en el mantenimiento o alteraci3n de la estructura de la cromatina del locus del ADNr., PTM: fosforilado tras daño del ADN, probablemente por ATM o ATR., precauci3n de secuencia: secuencia contaminante. Secuencia poli-A potencial.,similitud:Pertenece a la familia WAL.,similitud:Contiene 1 dominio bromo.,similitud:Contiene 1 dominio DDT.,similitud:Contiene 1 dominio MBD (metil-CpG-uni3n),similitud:Contiene 1 dedo de zinc tipo PHD.,similitud:Contiene 4 dominios de uni3n al ADN del gancho A.T.,ubicaci3n subcelular:Se colocaliza con el factor de transcripci3n basal de la ARN polimerasa I UBF en el nucl3olo.,subunidad:Junto con SMARCA5, forma un complejo denominado NoRC (complejo de remodelaci3n nucleolar),especificidad tisular:Se expresa en niveles moderados en la mayor3a de los tejidos analizados, incluidos coraz3n, cerebro, placenta, pulm3n, m3sculo esquel3tico, ri3n y p3ncreas.

## Área de Investigaci3n

Epigen3tica y señalizaci3n nuclear; Transcripci3n; Que contienen bromodominios; Otros factores

## Datos de Imagen



Análisis de transferencia Western de los lisados de células HeLa utilizando el anticuerpo BAZ2A.