

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo TFIIH p44**Nº de Catálogo: APRab18832**

Solo para uso en investigación.

Resumen

| | |
|-----------------------|--|
| Descripción | Anticuerpo policlonal de conejo |
| Huésped | Conejo |
| Aplicación | WB,IHC,ICC/IF,ELISA |
| Reactividad | Humano, Ratón, Rata |
| Conjugación | No conjugado |
| Modificación | Sin modificar |
| Isotipo | IgG |
| Clonalidad | Policlonal |
| Formato | Líquido |
| Concentración | 1 mg/ml |
| Almacenamiento | Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación. |
| Envío | Bolsas de hielo |
| Tampon | Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N. |
| Purificación | Purificación por afinidad |

Aplicación

| | |
|-----------------------------|---|
| Relación de Dilución | WB 1:500-1:2000,IHC 1:100-1:300,ICC/IF 1:200-1:1000,ELISA 1:20000-1:40000 |
| Peso Molecular | 62kDa |

Información del Antígeno

| | |
|-----------------------------|--|
| Nombre del Gen | GTF2H2 GTF2H2; BTF2P44; General transcription factor IIH subunit 2; Basic transcription factor 2 |
| Nombres Alternativos | 44 kDa subunit; BTF2 p44; General transcription factor IIH polypeptide 2; TFIIH basal transcription factor complex p44 subunit |
| ID del Gen | 2966.0 |
| ID SwissProt | Q13888 |
| Inmunógeno | El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado del TF2H2 humano. Rango de AA: 1-50. |

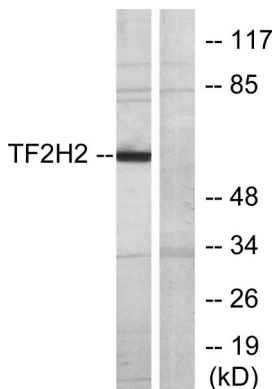
Antecedentes

Este gen forma parte de una duplicación invertida de 500 kb en el cromosoma 5q13. Esta región duplicada contiene al menos cuatro genes y elementos repetitivos que la hacen propensa a reordenamientos y deleciones. La repetitividad y la complejidad de la secuencia también han dificultado la determinación de la organización de esta región genómica. Este gen se encuentra dentro de la copia telomérica de la duplicación. La deleción de este gen a veces acompaña a la deleción del gen vecino SMN1 en pacientes con atrofia muscular espinal (AME), pero no está claro si la deleción de este gen contribuye al fenotipo de AME. Este gen codifica la subunidad de 44 kDa del factor de iniciación de la transcripción IIH de la ARN polimerasa II, que participa en la transcripción basal y la reparación por escisión de nucleótidos. Se han descrito variantes de la transcripción de este gen, pero no se ha determinado su longitud completa. Una segunda copia de productos alternativos: Se pueden producir varias isoformas. Las isoformas también pueden producirse por duplicación génica incompleta. Función: Componente del factor de transcripción basal core-TFIIH, implicado en la reparación por escisión de nucleótidos (NER) del ADN y, al formar complejos con CAK, en la transcripción del ARN por la ARN polimerasa II. El extremo N-terminal interactúa con XPD y lo regula, mientras que un extremo C-terminal intacto es necesario para que la ARN polimerasa II escape con éxito del promotor. Similitud: Pertenece a la familia GTF2H2. Similitud: Contiene un dominio VWFA. Subunidad: Una de las seis subunidades que forman el factor de transcripción basal core-TFIIH. Interactúa con XPB, XPD, GTF2H1 y GTF2H3. Especificidad tisular: Ampliamente expresado, con mayor expresión en el músculo esquelético.

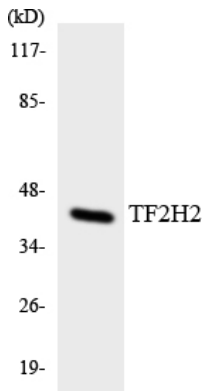
Área de Investigación

Factores de transcripción basal; Reparación por escisión de nucleótidos;

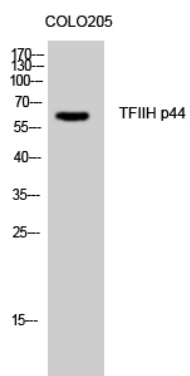
Datos de Imagen



Análisis de inmunotransferencia de lisados de células COLO205 con el anticuerpo TF2H2. El carril derecho está bloqueado con el péptido sintetizado.



Análisis de transferencia Western de los lisados de células COLO205 utilizando el anticuerpo TF2H2.



Análisis Western Blot de células COLO205 usando el anticuerpo policlonal TFIH p44.