

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo TFIID**Nº de Catálogo: APRab18830**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	WB,IHC,ICC/IF,ELISA
Reactividad	Humano, Ratón, Rata
Conjugación	No conjugado
Modificación	Sin modificar
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:500-1:2000,IHC 1:100-1:300,ICC/IF 1:200-1:1000,ELISA 1:20000-1:40000
Peso Molecular	38kDa

Información del Antígeno

Nombre del Gen	TBP
Nombres Alternativos	TBP; GTF2D1; TF2D; TFIID; TATA-box-binding protein; TATA sequence-binding protein; TATA-binding factor; TATA-box factor; Transcription initiation factor TFIID TBP subunit
ID del Gen	6908.0
ID SwissProt	P20226
Inmunógeno	El antisuero se elaboró contra el péptido sintetizado derivado de la TBP humana. Rango de AA: 151-200.

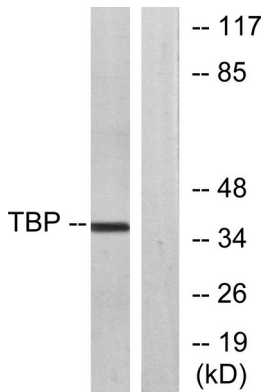
Antecedentes

El inicio de la transcripción por la ARN polimerasa II requiere la actividad de más de 70 polipéptidos. La proteína que coordina estas actividades es el factor de transcripción IID (TFIID), que se une al promotor central para posicionar correctamente la polimerasa, sirve como andamio para el ensamblaje del resto del complejo de transcripción y actúa como canal para las señales reguladoras. El TFIID está compuesto por la proteína de unión a TATA (TBP) y un grupo de proteínas conservadas evolutivamente conocidas como factores asociados a TBP o TAF. Los TAF pueden participar en la transcripción basal, servir como coactivadores, funcionar en el reconocimiento del promotor o modificar los factores de transcripción generales (GTF) para facilitar el ensamblaje del complejo y el inicio de la transcripción. Este gen codifica TBP, la proteína de unión a TATA. Una característica distintiva de TBP es una larga cadena de glutaminas en el extremo N-terminal. Esta región de la proteína modula la enfermedad de unión al ADN: Los defectos en la TBP son la causa de la ataxia espinocerebelosa tipo 17 (SCA17) [MIM:607136]. La ataxia espinocerebelosa es un grupo clínica y genéticamente heterogéneo de trastornos cerebelosos. Los pacientes presentan una incoordinación progresiva de la marcha y, a menudo, una coordinación deficiente de las manos, el habla y los movimientos oculares, debido a la degeneración del cerebelo con afectación variable del tronco encefálico y la médula espinal. La SCA17 es una ataxia cerebelosa autosómica dominante (ADCA) que se caracteriza por atrofia cerebral y cerebelosa generalizada, demencia y signos extrapiramidales. El defecto molecular en la SCA17 es la expansión de una repetición CAG en la región codificante de la TBP. Las expansiones más prolongadas resultan en un inicio más temprano y manifestaciones clínicas más graves de la enfermedad. Función: Factor de transcripción general que funciona en el núcleo del factor multiproteico de unión al ADN TFIID. La unión de TFIID a la secuencia TATA es el paso transcripcional inicial del complejo de preiniciación (PIC), que participa en la activación de genes eucariotas transcritos por la ARN polimerasa II. Polimorfismo: La región poli-Gln de TBP presenta un alto polimorfismo (de 25 a 42 repeticiones) en individuos normales y se expande a aproximadamente 47-63 repeticiones en pacientes con ataxia espinocerebelosa 17 (SCA17). Similitud: Pertenece a la familia TBP. Subunidad: Pertenece al complejo TFIID junto con los factores asociados a TBP (TAF). Componente del complejo del factor de transcripción SL1/TIFIB, compuesto por TBP y al menos TAF1A, TAF1B, TAF1C y TAF3. Se une al ADN como monómero. Interactúa con TAF, TFIIB, NCOA6, DRAP1, DR1 y ELF3. Interactúa con SPIB, SNAPC1, SNAPC2 y SNAPC4. Interactúa con Tat del VIH-1. Interactúa con UTF1, que actúa como coactivador de la actividad transcripcional de ATF2. Interactúa con GPBP1 (por similitud). Interactúa con BRF2. Especificidad tisular: Ampliamente expresado, con niveles máximos en testículos y ovarios.

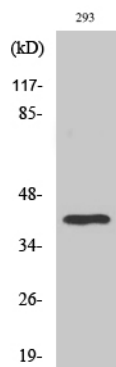
Área de Investigación

Factores de transcripción basal; Enfermedad de Huntington;

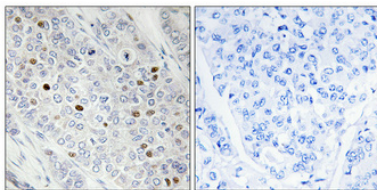
Datos de Imagen



Análisis de inmunotransferencia de lisados de 293 células, utilizando el anticuerpo TBP. El carril derecho está bloqueado con el péptido sintetizado.



Análisis Western Blot de varias células utilizando el anticuerpo policlonal TFIID



Análisis inmunohistoquímico de cáncer de mama humano incluido en parafina. El anticuerpo se diluyó a 1:100 (4°C, durante la noche). Se utilizó Tris-EDTA a alta presión y temperatura, pH 8,0, para la recuperación del antígeno. El control negativo (derecha) obtenido del anticuerpo fue preabsorbido por el péptido inmunógeno.