

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo TAF II p250**Nº de Catálogo: APRab18611**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	IHC, ICC/IF, ELISA
Reactividad	Humano, Ratón
Conjugación	No conjugado
Modificación	Sin modificar
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	IHC 1:100-1:300, ICC/IF 1:50-1:200, ELISA 1:5000-1:20000
Peso Molecular	-

Información del Antígeno

Nombre del Gen	TAF1 TAF1; BA2R; CCG1; CCGS; TAF2A; Transcription initiation factor TFIID subunit 1; Cell cycle
Nombres Alternativos	gene 1 protein; TBP-associated factor 250 kDa; p250; Transcription initiation factor TFIID 250 kDa subunit; TAF(II)250; TAFII-250; TAFII250
ID del Gen	6872.0
ID SwissProt	P21675
Inmunógeno	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado del TAF1 humano. Rango de AA: 1131-1180.

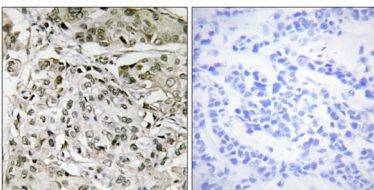
Antecedentes

La iniciación de la transcripción por la ARN polimerasa II requiere la actividad de más de 70 polipéptidos. La proteína que coordina estas actividades es el factor de transcripción basal TFIID, que se une al promotor central para posicionar correctamente la polimerasa, sirve como andamio para el ensamblaje del resto del complejo de transcripción y actúa como canal para las señales reguladoras. El TFIID está compuesto por la proteína de unión a TATA (TBP) y un grupo de proteínas conservadas evolutivamente conocidas como factores asociados a TBP o TAF. Los TAF pueden participar en la transcripción basal, servir como coactivadores, funcionar en el reconocimiento del promotor o modificar los factores de transcripción generales (GTF) para facilitar el ensamblaje del complejo y la iniciación de la transcripción. Este gen codifica la subunidad más grande del TFIID. Esta subunidad se une a las secuencias del promotor central que abarcan el sitio de inicio de la transcripción. También binactividad catalítica: $ATP + \text{una proteína} = ADP + \text{una fosfoproteína}$, cofactor: Magnesio., enfermedad: Los defectos en TAF1 son la causa de la distonía tipo 3 (DYT3) [MIM: 314250]; también llamada distonía-parkinsonismo ligado al cromosoma X (XDP). DYT3 es un trastorno de distonía-parkinsonismo ligado al cromosoma X. La distonía se define por la presencia de contracciones musculares involuntarias sostenidas, que a menudo conducen a posturas anormales. DYT3 se caracteriza por una distonía de torsión progresiva grave seguida de parkinsonismo. Su prevalencia es alta en Filipinas. DYT3 tiene una patología bien definida de pérdida neuronal extensa y gliosis en mosaico en el cuerpo estriado (núcleo caudado y putamen) que parece asemejarse a la de la enfermedad de Huntington., regulación enzimática: Autofosforila en residuos de Ser. Inhibido por la proteína supresora de tumores del retinoblastoma, RB1. Función: Componente principal y estructura principal del complejo del factor de transcripción basal TFIID. Contiene nuevos dominios quinasa Ser/Thr en los extremos N y C-terminal que pueden autofosforilar o transfosforilar otros factores de transcripción. Fosforila TP53 en "Thr-55", lo que conduce a su degradación mediada por MDM2. Fosforila GTF2A1 y GTF2F1 en residuos Ser. Posee actividad de unión al ADN. Esencial para la progresión de la fase G1 del ciclo celular. PTM: Fosforilado por la caseína quinasa II in vitro. Similitud: Pertenece a la familia TAF1. Similitud: Contiene un dominio de unión al ADN de la secuencia HMG. Similitud: Contiene dos dominios bromo. Similitud: Contiene dos dominios de proteína quinasa. Subunidad: TAF1 es el componente más grande del factor de transcripción TFIID, compuesto por TBP y diversos factores asociados a este. TAF1, cuando forma parte del complejo TFIID, interactúa con el extremo carboxilo terminal de TP53. RB1 interactúa con el dominio aminoterminal de TAF1. Interactúa con ASF1A y ASF1B. Interactúa con el antígeno T grande de SV40.

Área de Investigación

Acetilación de proteínas

Datos de Imagen



Análisis inmunohistoquímico de tejido de carcinoma mamario humano incluido en parafina, utilizando el anticuerpo TAF1. La imagen de la derecha está bloqueada con el péptido sintetizado.

