

**Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo Stat5a****Nº de Catálogo: APRab18362**

Solo para uso en investigación.

**Resumen**

<b>Descripción</b>	Anticuerpo policlonal de conejo
<b>Huésped</b>	Conejo
<b>Aplicación</b>	WB,IHC,ICC/IF,ELISA
<b>Reactividad</b>	Humano, Ratón, Rata
<b>Conjugación</b>	No conjugado
<b>Modificación</b>	Sin modificar
<b>Isotipo</b>	IgG
<b>Clonalidad</b>	Policlonal
<b>Formato</b>	Líquido
<b>Concentración</b>	1 mg/ml
<b>Almacenamiento</b>	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
<b>Envío</b>	Bolsas de hielo
<b>Tampon</b>	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
<b>Purificación</b>	Purificación por afinidad

**Aplicación**

<b>Relación de Dilución</b>	WB 1:500-1:2000,IHC 1:100-1:300,ICC/IF 1:50-1:200,ELISA 1:10000-1:20000
<b>Peso Molecular</b>	91kDa

**Información del Antígeno**

<b>Nombre del Gen</b>	STAT5A
<b>Nombres Alternativos</b>	STAT5A; STAT5; Signal transducer and activator of transcription 5A
<b>ID del Gen</b>	6776.0
<b>ID SwissProt</b>	P42229
<b>Inmunógeno</b>	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado del STAT5A humano. Rango de AA: 745-794.

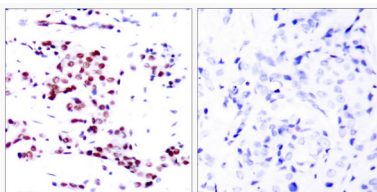
**Antecedentes**

La proteína codificada por este gen pertenece a la familia de factores de transcripción STAT. En respuesta a citocinas y factores de crecimiento, los miembros de la familia STAT son fosforilados por las quinasas asociadas al receptor y forman homodímeros o heterodímeros que se translocan al núcleo celular, donde actúan como activadores de la transcripción. Esta proteína es activada por, y media la respuesta de, muchos ligandos celulares, como IL2, IL3, IL7, GM-CSF, eritropoyetina, trombopoyetina y diferentes hormonas del crecimiento. La activación de esta proteína en el mieloma y el linfoma asociado con la fusión de los genes TEL/JAK2 es independiente del estímulo celular y se ha demostrado que es esencial para la tumorigénesis. Se ha descubierto que la contraparte murina de este gen induce la expresión de BCL2L1/BCL-X(L), lo que sugiere la función antiapoptótica de este gen en las células. Se han descrito variantes de transcripción con empalme alternativo. Función: Realiza una doble función: transducción de señales y activación de la transcripción. Se une al elemento GAS y activa la transcripción inducida por PRL. Información en línea: Entrada STAT5. PTM: Tirosina fosforilada en respuesta a IL-2, IL-3, IL-7, IL-15, GM-CSF, hormona del crecimiento, prolactina, eritropoyetina y trombopoyetina. La fosforilación de tirosina es necesaria para la unión al ADN y la dimerización. La fosforilación de serina también es necesaria para la máxima actividad transcripcional. Similitud: Pertenece a la familia de factores de transcripción STAT. Similitud: Contiene un dominio SH2. Ubicación subcelular: Se transloca al núcleo en respuesta a la fosforilación. Subunidad: Forma un homodímero o heterodímero con un miembro de la familia relacionado. Se une a NR3C1 (por similitud). Interactúa con NCOA1 y SOCS7.

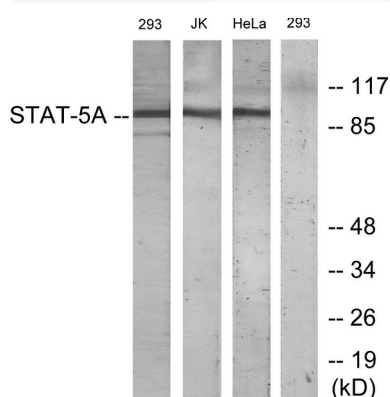
## Área de Investigación

ErbB\_HER;Jak\_STAT;Vías en el cáncer;Leucemia mieloide crónica;Leucemia mieloide aguda;

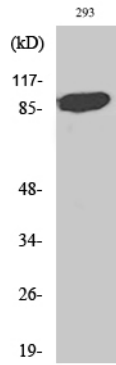
## Datos de Imagen



Análisis inmunohistoquímico de tejido de carcinoma mamario humano incluido en parafina, utilizando el anticuerpo STAT5A. La imagen de la derecha está bloqueada con el péptido sintetizado.



Análisis de inmunotransferencia de lisados de células 293, Jurkat y HeLa, tratados con PMA 125 ng/ml durante 30 minutos, utilizando el anticuerpo STAT5A. El carril derecho está bloqueado con el péptido sintetizado.



Análisis Western Blot de varias células utilizando el anticuerpo policlonal Stat5a