

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo SRPK1**Nº de Catálogo: APRab18282**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	WB,ELISA
Reactividad	Humano, Ratón, Rata
Conjugación	No conjugado
Modificación	Sin modificar
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:500-1:2000,ELISA 1:20000-1:40000
Peso Molecular	95kDa

Información del Antígeno

Nombre del Gen	SRPK1
Nombres Alternativos	SRPK1; SRSF protein kinase 1; SFRS protein kinase 1; Serine/arginine-rich protein-specific kinase 1; SR-protein-specific kinase 1
ID del Gen	6732.0
ID SwissProt	Q96SB4
Inmunógeno	El antisuero se elaboró contra el péptido sintetizado derivado de la SRPK1 humana. Rango de AA: 521-570.

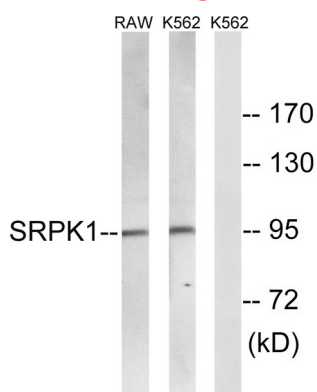
Antecedentes

Este gen codifica una proteína quinasa serina/arginina específica para la familia SR (dominio rico en serina/arginina) de factores de empalme. La proteína se localiza en el núcleo y el citoplasma. Se cree que participa en la regulación del empalme constitutivo y alternativo, regulando la localización intracelular de los factores de empalme. El empalme alternativo de este gen produce múltiples variantes de transcripción. Se han descrito variantes adicionales de transcripción empalmadas alternativamente para este gen, pero no se ha determinado su longitud completa. [Proporcionado por RefSeq, jul. de 2010], actividad catalítica: $ATP + \text{una proteína} = ADP + \text{una fosfoproteína}$, cofactor: magnesio., regulación enzimática: se activa por fosforilación en Ser-51 y Ser-555., función: desempeña un papel central en la red reguladora del empalme, controlando la distribución intranuclear de los factores de empalme en células en interfase y la reorganización de las motas nucleares durante la mitosis. Hiperfosforila proteínas que contienen el dominio RS, como SFRS1 y SFRS2, en residuos de serina durante la metafase, pero en niveles más bajos durante la interfase. Se une a SFRS1 para formar un complejo estable y fosforila progresivamente el dominio RS. Parece mediar la fosforilación de la proteína del núcleo del VHB, requisito previo para la encapsidación del ARN pregenómico en las cápsidas virales. Similitud: Pertenece a la superfamilia de las proteínas quinasas. Familia de las proteínas quinasas Ser/Thr CMGC. Similitud: Contiene un dominio de proteína quinasa. Subunidad: Presente en un complejo de siete componentes, el toposoma, que separa el ADN de la cromatina circular enredado durante la segregación cromosómica. El dominio N-terminal extendido de la isoforma 1 se une a la proteína SAFB, asociada al andamiaje nuclear, lo que sugiere que esta isoforma podría fosforilar factores de empalme en las proximidades de la matriz nuclear. Especificidad tisular: La isoforma 2 se expresa predominantemente en los testículos, pero también está presente en niveles más bajos en corazón, ovario, intestino delgado, hígado, riñón, páncreas y músculo esquelético. La isoforma 1 solo se observa en los testículos, en niveles más bajos que la isoforma 2.

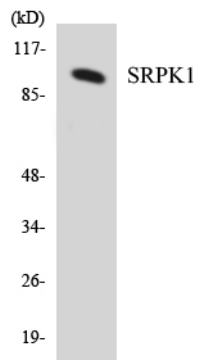
Área de Investigación

Epigenética y señalización nuclear; ADN/ARN; Procesamiento de ARN; Empalme

Datos de Imagen



Análisis de inmunotransferencia de lisados de células K562 y RAW264.7, utilizando el anticuerpo SRPK1. El carril derecho está bloqueado con el péptido sintetizado.



Análisis de transferencia Western de los lisados de células HUVEC utilizando el anticuerpo SRPK1.