

**Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo SPT4H****Nº de Catálogo: APRab18224**

Solo para uso en investigación.

**Resumen**

|                       |   |
|-----------------------|---|
| <b>Descripción</b>    | Anticuerpo policlonal de conejo   |
| <b>Huésped</b>        | Conejo  |
| <b>Aplicación</b>     | WB,ELISA  |
| <b>Reactividad</b>    | Humano, Rata, Ratón   |
| <b>Conjugación</b>    | No conjugado  |
| <b>Modificación</b>   | Sin modificar   |
| <b>Isotipo</b>        | IgG   |
| <b>Clonalidad</b>     | Policlonal  |
| <b>Formato</b>        | Líquido   |
| <b>Concentración</b>  | 1 mg/ml   |
| <b>Almacenamiento</b> | Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación. |
| <b>Envío</b>          | Bolsas de hielo   |
| <b>Tampon</b>         | Líquido en PBS conteniendo 50% de glicerol, y 0,02% de conservante nuevo tipo N.                        |
| <b>Purificación</b>   | Purificación por afinidad   |

**Aplicación**

|                             |                                      |
|-----------------------------|--------------------------------------|
| <b>Relación de Dilución</b> | WB 1:500-1:2000,ELISA 1:5000-1:20000 |
| <b>Peso Molecular</b>       | 12kDa                                |

**Información del Antígeno**

|                             |  |
|-----------------------------|--|
| <b>Nombre del Gen</b>       | SUPT4H1 SPT4H SUPT4H   |
| <b>Nombres Alternativos</b> | -  |
| <b>ID del Gen</b>           | 6827.0   |
| <b>ID SwissProt</b>         | P63272   |
| <b>Inmunógeno</b>           | Péptido sintetizado derivado de proteína humana. en rango AA: 40-120 |

**Antecedentes**

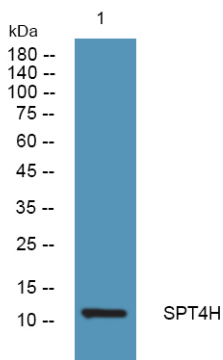
Este gen codifica la subunidad pequeña del complejo del factor inductor de sensibilidad a DRB (5,6-dicloro-1-beta-d-ribofuranosilbenzimidazol) (DSIF), que regula el procesamiento del ARNm y la elongación de la transcripción por la ARN

polimerasa II. La proteína codificada se localiza en el núcleo e interactúa con la subunidad grande (SUPT5H) para formar el complejo DSIF. Se han identificado pseudogenes relacionados en los cromosomas 2 y 12. Se han encontrado variantes de transcripción con empalme alternativo para este gen. [proporcionado por RefSeq, noviembre de 2012], función: Componente del complejo del factor inductor de sensibilidad a DRB (complejo DSIF), que regula el procesamiento del ARNm y la elongación de la transcripción por la ARN polimerasa II. DSIF regula positivamente la capificación del ARNm al estimular la actividad de la ARNm guanililtransferasa de RINGTT/CAP1A. El DSIF también actúa en cooperación con el complejo del factor de elongación negativo (complejo NELF) para potenciar la pausa transcripcional en sitios proximales al promotor. Esta pausa puede facilitar el ensamblaje de un complejo de la ARN polimerasa II competente en elongación. El DSIF y el NELF promueven la pausa mediante la inhibición del factor de elongación de la transcripción TFIIS/S-II. El TFIIS/S-II se une a la ARN polimerasa II en los sitios de pausa de la transcripción y estimula la débil actividad nucleasa intrínseca de la enzima. La escisión de los transcritos bloqueados por la ARN polimerasa II promueve la reanudación de la transcripción desde el nuevo extremo 3' y puede permitir repetidos intentos de transcripción a través de los sitios de pausa naturales. El DSIF también puede regular positivamente la elongación transcripcional y es necesario para la activación eficiente de la elongación transcripcional por el activador transcripcional nuclear del VIH-1, Tat. El DSIF actúa suprimiendo la pausa transcripcional en las transcripciones derivadas del LTR del VIH-1 y bloquea la liberación prematura de las transcripciones del VIH-1 en las secuencias terminadoras. Similitud: Pertenece a la familia SPT4. Subunidad: Interactúa con SUPT5H para formar el DSIF. El DSIF interactúa con el complejo del factor de elongación de la transcripción positiva b (complejo P-TEFb), compuesto por CDK9 y ciclina T (CCNT1 o CCNT2). El DSIF interactúa con la ARN polimerasa II, interacción que se reduce por la fosforilación del dominio C-terminal (CTD) de POLR2A por P-TEFb. El DSIF también interactúa con el complejo NELF, compuesto por WHSC2/NELFA, COBRA1/NELFB, TH1L/NELFD y RDBP/NELFE, interacción que se produce tras la unión previa del DSIF a la ARN polimerasa II. DSIF también interactúa con HRMT1L2/PRMT1, HTATSF1/TATSF1, RINGTT/CAP1A, SKB1/PRMT5, SUPT6H y puede interactuar con PIN1.,especificidad tisular:Ampliamente expresado.

## Área de Investigación

Epigenética y señalización nuclear; Transcripción; Factores asociados a la polimerasa; Transcripción de Pol II; Factores de elongación; Otros factores

## Datos de Imagen



Análisis de transferencia Western de lisados de células K562, el anticuerpo policlonal de conejo SPT4H se diluyó a 1:1000, 4° durante la noche.

