

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo SP-100**Nº de Catálogo: APRab18147**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	WB,IHC,ICC/IF,ELISA
Reactividad	Humano, Rata, Ratón
Conjugación	No conjugado
Modificación	Sin modificar
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:500-1:2000,IHC 1:100-1:300,ICC/IF 1:50-1:200,ELISA 1:20000-1:40000
Peso Molecular	100kDa

Información del Antígeno

Nombre del Gen	SP100
Nombres Alternativos	SP100; Nuclear autoantigen Sp-100; Lysp100b; Nuclear dot-associated Sp100 protein; Speckled 100 kDa
ID del Gen	6672.0
ID SwissProt	P23497
Inmunógeno	Péptido sintetizado derivado de SP-100. en rango AA: 250-330

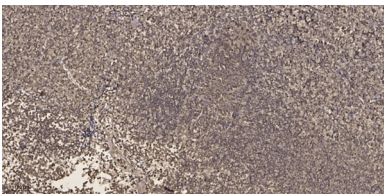
Antecedentes

Este gen codifica un orgánulo subnuclear y un componente principal de los corpúsculos nucleares PML (leucemia promielocítica)-SP100. PML y SP100 están modificados covalentemente por el modificador SUMO-1, considerado crucial para las interacciones entre corpúsculos nucleares. La proteína codificada se une a las proteínas de la heterocromatina y se cree que desempeña un papel en la tumorigénesis, la inmunidad y la regulación génica. Se han identificado variantes de empalme alternativo para este gen; una de las cuales codifica una proteína de grupo de alta movilidad. [proporcionado por RefSeq, agosto de 2011], enfermedad: Este antígeno es reconocido por autoanticuerpos de pacientes con cirrosis biliar primaria (CBP), dominio: Contiene un motivo Pro-Xaa-Val-Xaa-Leu (PxVxL), necesario para la interacción con los dominios de sombra cromosómica. Este motivo requiere residuos adicionales -7, -6, +4 y +5 del Val central que contactan con el dominio cromosombra.,Dominio:El dominio HSR es importante para la orientación del cuerpo nuclear así como para la dimerización.,Función: Puede desempeñar un papel en el control de la expresión genética.,Inducción: Por interferón.,Varios: La isoforma principal Sp100-A, tiene un peso molecular calculado de 54 kDa, pero exhibe movilidades electroforéticas aberrantes, con un peso molecular aparente de 100 kDa.,PTM: Fosforilado.,PTM: Sumoilado. La sumoilación depende de una señal funcional de localización nuclear, pero no es necesaria para la importación nuclear ni para la orientación del cuerpo nuclear. Similitud: Contiene un dominio HSR. Similitud: Contiene un dominio SAND. Similitud: Contiene dos dominios de unión al ADN de la caja HMG. Ubicación subcelular: Se encuentra en el cuerpo nuclear, también conocido como dominio nuclear 10 (ND10), dominio oncogénico PML (POD), puntos nucleares (ND) y cuerpo KR. El cuerpo nuclear es una estructura nucleoplásmica de forma punteada, que varía en tamaño y número. La inducción por interferón y, posiblemente, las etapas del ciclo celular modulan la localización subnuclear de las isoformas. Subunidad: Homodímero. Las variantes de empalme heterodimerizan. Interactúa con miembros de la familia HP1 de proteínas cromosómicas no histonas, como CBX5 y CBX3, a través del motivo PxVxL. Interactúa con el virus de Epstein-Barr EBNA-LP. Especificidad tisular: Ampliamente expresado. Sp100-B se expresa únicamente en el bazo, las amígdalas, el timo, la línea de células B maduras y algunas líneas de células T, pero no en el cerebro, el hígado, el músculo ni en líneas celulares no linfoides.

Área de Investigación

Inmunología; Enfermedades del sistema inmunitario; Autoinmune; Marcadores celulares; Marcadores subcelulares; Núcleo; Otros cuerpos nucleares; Epigenética y señalización nuclear; Proteínas de unión a la cromatina; Unión de ADN/ARN

Datos de Imagen



Análisis inmunohistoquímico de amígdala humana incluida en parafina. 1. El anticuerpo se diluyó a 1:200 (4° durante la noche). 2. Se utilizó Tris-EDTA, pH 9,0 para la recuperación del antígeno. 3. El anticuerpo secundario se diluyó a 1:200 (temperatura ambiente, 45 min).