

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo SMIF**Nº de Catálogo: APRab18023**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	WB,IHC,ICC/IF,ELISA
Reactividad	Humano, Ratón
Conjugación	No conjugado
Modificación	Sin modificar
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:500-1:2000,IHC 1:100-1:300,ICC/IF 1:50-1:200,ELISA 1:10000-1:20000
Peso Molecular	75kDa

Información del Antígeno

Nombre del Gen	DCP1A
Nombres Alternativos	DCP1A; SMIF; mRNA-decapping enzyme 1A; Smad4-interacting transcriptional co-activator; Transcription factor SMIF
ID del Gen	55802.0
ID SwissProt	Q9NPI6
Inmunógeno	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado de DCP1A humano. Rango de AA: 111-160.

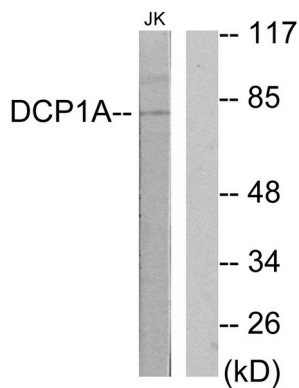
Antecedentes

El descapuchado es un paso clave en la degradación general y regulada del ARNm. La proteína codificada por este gen es una enzima descapuchadora. Esta proteína y otra enzima descapuchadora forman un complejo descapuchador que interactúa con el factor de desintegración mediado por genes sin sentido hUpf1 y puede ser reclutado por ARNm que contienen codones de terminación prematura. Esta proteína también participa en la vía de señalización de TGF-beta. El empalme alternativo de este gen produce múltiples variantes de transcripción. [Proporcionado por RefSeq, febrero de 2014], función: Necesario para la degradación de ARNm, tanto en el recambio normal del ARNm como en la degradación mediada por genes sin sentido. Elimina la estructura de la tapa de 7-metilguanina de las moléculas de ARNm, produciendo un fragmento de ARNm fosforilado en 5' y 7m-GDP. Contribuye a la transactivación de genes diana tras la estimulación con TGFB1. Similitud: Pertenece a la familia DCP1. Ubicación subcelular: Predominantemente citoplasmática, en cuerpos de procesamiento (CP). Nuclear, tras el tratamiento con TGFB1. La translocación al núcleo depende de la interacción con SMAD4. Subunidad: Forma un complejo con EDC3, DCP2, DDX6 y EDC4/HEDLS; dentro de este complejo, interactúa directamente con EDC3. Se une a DCP1B, UPF1 y SMAD4. Forma parte de un complejo citoplasmático que contiene proteínas implicadas en la degradación del ARNm, como XRN1 y LSM1. Interactúa con PNRC2. Especificidad tisular: Detectado en corazón, cerebro, placenta, pulmón, músculo esquelético, hígado, riñón y páncreas.

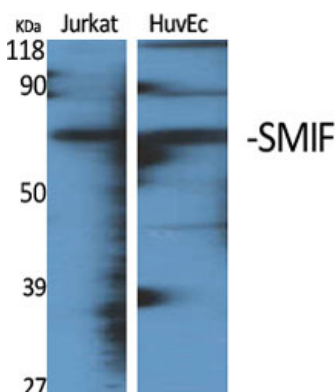
Área de Investigación

degradación del ARN;

Datos de Imagen



Análisis de inmunotransferencia de lisados de células Jurkat, utilizando el anticuerpo DCP1A. El carril derecho está bloqueado con el péptido sintetizado.



Análisis Western Blot de varias células utilizando el anticuerpo policlonal SMIF

