

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo SMG9**Nº de Catálogo: APRab18021**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	WB,ELISA
Reactividad	Humano, Ratón, Rata
Conjugación	No conjugado
Modificación	Sin modificar
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS conteniendo 50% de glicerol, y 0,02% de conservante nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:500-1:2000,ELISA 1:5000-1:20000
Peso Molecular	57kDa

Información del Antígeno

Nombre del Gen	SMG9 C19orf61
Nombres Alternativos	-
ID del Gen	56006.0
ID SwissProt	Q9H0W8
Inmunógeno	Péptido sintetizado derivado de proteína humana. en rango AA: 70-150

Antecedentes

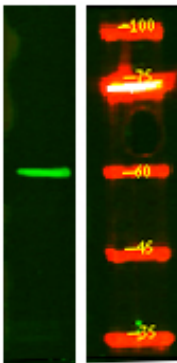
SMG9, factor de desintegración del ARNm mediado por sinsentido (SMG9) Homo sapiens Este gen codifica una subunidad reguladora del complejo SMG1, que desempeña un papel crítico en la desintegración del ARNm mediada por sinsentido

(NMD). La unión de la proteína codificada a la proteína de andamiaje de la cinasa del complejo SMG1 da como resultado la inhibición de su actividad cinasa. Las mutaciones en este gen causan un síndrome de anomalía congénita múltiple en pacientes humanos, caracterizado por malformación cerebral, cardiopatía congénita y otras características. [proporcionado por RefSeq, jul. de 2016], función: componente del complejo SMG1C, un complejo de vigilancia del ARNm que reconoce y degrada los ARNm que contienen codones de terminación de la traducción prematura (PTC) a través de la desintegración del ARNm mediada por sinsentido (NMD). El complejo probablemente actúa asociándose con los ribosomas durante la terminación de la traducción en los mRNP. Si un complejo de unión exónica (EJC) se encuentra 50-55 nucleótidos o más aguas abajo del codón de terminación, smg1 fosforila upf1/rent1, lo que desencadena la desintegración del ARNm mediada por sinsentido (NMD). En el complejo SMG1C, es necesario para la asociación eficiente entre smg1 y smg8. PTM: Fosforilado por SMG1. Similitud: Pertenece a la familia SMG9. Subunidad: Componente del complejo SMG1C, compuesto al menos por SMG1, SMG8 y SMG9. El complejo SMG1C se recluta entonces en los codones de terminación prematura de la traducción (PTC) para formar el complejo ribosoma:SURF, compuesto al menos por ERF1, ERF3 (ERF3A o ERF3B), EEF2, UPF1/RENT1, SMG1, SMG8 y SMG9.

Área de Investigación

Epigenética y señalización nuclear; ADN/ARN; Procesamiento de ARN

Datos de Imagen



Análisis Western Blot de la lisis de HEK293, utilizando el anticuerpo primario a una dilución de 1:1000. El anticuerpo secundario se diluyó a 1:10000.