

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo SIRT2**Nº de Catálogo: APRab17917**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	WB,IHC,ELISA
Reactividad	Humano, Ratón, Rata
Conjugación	No conjugado
Modificación	Sin modificar
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:500-1:2000,IHC 1:50-1:300,ELISA 1:2000-1:20000
Peso Molecular	43kDa

Información del Antígeno

Nombre del Gen	SIRT2
Nombres Alternativos	SIRT2; SIR2L; SIR2L2; NAD-dependent protein deacetylase sirtuin-2; Regulatory protein SIR2 homolog 2; SIR2-like protein 2
ID del Gen	22933.0
ID SwissProt	Q8IXJ6
Inmunógeno	El antisuero se elaboró contra el péptido sintetizado derivado de SIRT2 humano. Rango de AA: 321-370.

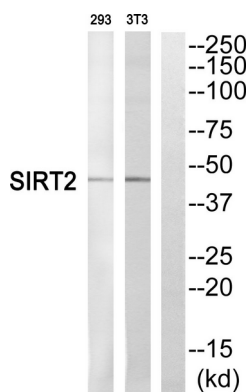
Antecedentes

Este gen codifica un miembro de la familia de proteínas sirtuinas, homólogas de la proteína Sir2 de levadura. Los miembros de la familia sirtuinas se caracterizan por un dominio central de sirtuina y se agrupan en cuatro clases. Las funciones de las sirtuinas humanas aún no se han determinado; sin embargo, se sabe que las sirtuinas de levadura regulan el silenciamiento génico epigenético y suprimen la recombinación del ADN. Estudios sugieren que las sirtuinas humanas podrían funcionar como proteínas reguladoras intracelulares con actividad mono-ADP-ribosiltransferasa. La proteína codificada por este gen se incluye en la clase I de la familia sirtuinas. Varias variantes de transcripción son resultado del empalme alternativo de este gen. [Proporcionado por RefSeq, jul. de 2010], actividad catalítica: NAD(+) + una acetilproteína = nicotinamida + O-acetil-ADP-ribosa + una proteína., cofactor: se une a un ion de zinc por subunidad., etapa de desarrollo: alcanza su máximo durante la mitosis. Tras la mitosis, probablemente es degradado por el proteasoma 26S., regulación enzimática: inhibida por sirtinol, moléculas pequeñas A3 y M15. Inhibida por nicotinamida., función: desacetilasa dependiente de NAD, que desacetila la lisina 40 de la alfa-tubulina. Participa en el control de la salida mitótica en el ciclo celular, probablemente a través de su papel en la regulación del citoesqueleto. A pesar de cierta capacidad para desacetilar histonas in vitro, es improbable que lo haga in vivo. PTM: Se fosforila en la transición G2/M del ciclo celular. Similitud: Pertenece a la familia de las sirtuinas. Similitud: Contiene un dominio de tipo sirtuina desacetilasa. Ubicación subcelular: Se colocaliza con los microtúbulos. Subunidad: Interactúa con HDAC6, lo que sugiere que estas proteínas pertenecen a un gran complejo que desacetila el citoesqueleto. Especificidad tisular: Ampliamente expresado. Altamente expresado en corazón, cerebro y músculo esquelético, mientras que se expresa débilmente en placenta y pulmón. Su expresión se encuentra disminuida en muchos gliomas, lo que sugiere que podría actuar como gen supresor de tumores en gliomas humanos, posiblemente mediante la regulación de la red de microtúbulos.

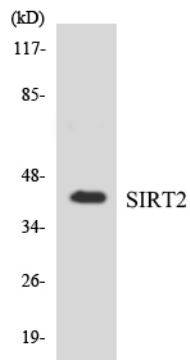
Área de Investigación

Acetilación de proteínas

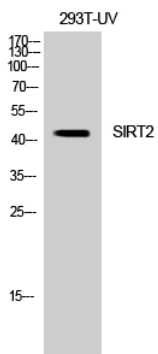
Datos de Imagen



Análisis Western blot del anticuerpo SIRT2. El carril derecho está bloqueado por el péptido SIRT2.



Análisis de transferencia Western de los lisados de células RAW264.7 utilizando el anticuerpo SIRT2.



Análisis Western Blot de 293 células utilizando el anticuerpo policlonal SIRT2 diluido a 1:1000