

**Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo Siah-1/2****Nº de Catálogo: APRab17883**

Solo para uso en investigación.

**Resumen**

|                       |  |
|-----------------------|--|
| <b>Descripción</b>    | Anticuerpo policlonal de conejo  |
| <b>Huésped</b>        | Conejo   |
| <b>Aplicación</b>     | WB,IHC,ICC/IF,ELISA  |
| <b>Reactividad</b>    | Humano, Ratón, Rata  |
| <b>Conjugación</b>    | No conjugado   |
| <b>Modificación</b>   | Sin modificar  |
| <b>Isotipo</b>        | IgG  |
| <b>Clonalidad</b>     | Policlonal   |
| <b>Formato</b>        | Líquido  |
| <b>Concentración</b>  | 1 mg/ml  |
| <b>Almacenamiento</b> | Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.          |
| <b>Envío</b>          | Bolsas de hielo  |
| <b>Tampon</b>         | Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N. |
| <b>Purificación</b>   | Purificación por afinidad  |

**Aplicación**

|                             |  |
|-----------------------------|--|
| <b>Relación de Dilución</b> | WB 1:500-1:2000,IHC 1:100-1:300,ICC/IF 1:200-1:1000,ELISA 1:5000-1:20000 |
| <b>Peso Molecular</b>       | 34kDa  |

**Información del Antígeno**

|                             |  |
|-----------------------------|--|
| <b>Nombre del Gen</b>       | SIAH1/SIAH2<br>SIAH1; HUMSIAH; E3 ubiquitin-protein ligase SIAH1; Seven in absentia homolog 1; Siah-   |
| <b>Nombres Alternativos</b> | 1; Siah-1a; SIAH2; E3 ubiquitin-protein ligase SIAH2; Seven in absentia homolog 2; Siah-2;<br>hSiah2   |
| <b>ID del Gen</b>           | 6477/6478  |
| <b>ID SwissProt</b>         | Q8IUQ4/O43255  |
| <b>Inmunógeno</b>           | El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado del SIAH1 humano. Rango de AA: 181-230. |

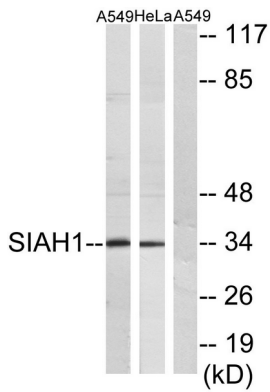
## Antecedentes

Este gen codifica una proteína miembro de la familia de los siete homólogos in absentia (SIAH). Esta proteína es una ligasa E3 y participa en la ubiquitinación y la degradación de proteínas específicas mediada por el proteasoma. La actividad de esta ubiquitina ligasa se ha relacionado con el desarrollo de ciertas formas de la enfermedad de Parkinson, la regulación de la respuesta celular a la hipoxia y la inducción de la apoptosis. El empalme alternativo da lugar a diversas variantes de transcripción adicionales, algunas de las cuales codifican isoformas diferentes y otras que no se han caracterizado por completo. [Proporcionado por RefSeq, jul. de 2008], dominio: El dominio de dedo de zinc tipo RING es esencial para la actividad de la ubiquitina ligasa., dominio: El dominio SBD (dominio de unión al sustrato) media la homodimerización y la interacción con proteínas sustrato. Está relacionado con la familia TRAF., función: La ubiquitina-proteína ligasa E3 media la ubiquitinación y la posterior degradación proteasómica de proteínas diana. Las ligasas de ubiquitina E3 aceptan la ubiquitina de una enzima conjugadora de ubiquitina E2 en forma de tioéster y luego transfieren directamente la ubiquitina a sustratos diana. Median la actividad de la ligasa de ubiquitina E3 ya sea mediante la unión directa a sustratos o funcionando como la subunidad esencial del dominio RING de complejos E3 más grandes. Desencadenan la degradación mediada por ubiquitina de muchos sustratos, incluyendo proteínas implicadas en la regulación de la transcripción (MYB, POU2AF1, PML y RBBP8), un receptor de superficie celular (DCC), moléculas de transducción de señales citoplasmáticas (TIEG1 y NUMB), una proteína antiapoptótica (BAG1), una proteína motora de microtúbulos (KIF22), una proteína implicada en la función de vesículas sinápticas en neuronas (SYP), una proteína estructural (CTNNB1) y SNCAIP. Por lo tanto, participa en muchos procesos celulares como la apoptosis, la supresión tumoral, el ciclo celular, la guía axonal, la regulación de la transcripción, la espermatogénesis y la señalización del TNF-alfa. Tiene alguna función superpuesta con SIAH2. Induce la apoptosis en cooperación con PEG3., inducción: Puede ser inducida por TP53/p53, lo que sugiere que puede ser necesaria para modular la respuesta de TP53. Sin embargo, la relevancia de dicha actividad in vivo no está clara y puede no existir., vía: Modificación de proteínas; ubiquitinación de proteínas., similitud: Pertenece a la familia SINA (Seven in absentia), similitud: Contiene 1 dedo de zinc tipo RING., similitud: Contiene 1 dedo de zinc tipo SIAH., ubicación subcelular: Predominantemente citoplasmática. Parcialmente nuclear., subunidad: Homodímero. Interactúa con los receptores de glutamato del grupo 1 GRM1 y GRM5. Interactúa con DAB1, que puede inhibir su actividad. Interactúa con UBE2E2. Interactúa con PEG3 (por similitud). Componente de un gran complejo E3 compuesto por UBE2D1, SIAH1, CACYBP/SIP, SKP1, APC y TBL1X. Interactúa con UBE2I. Interactúa con la alfa-tubulina. Interactúa con PEG10, lo que puede inhibir su actividad. Interactúa con KHDRBS3. Especificidad tisular: Ampliamente expresado en niveles bajos. Inhibido en carcinomas hepatocelulares avanzados.

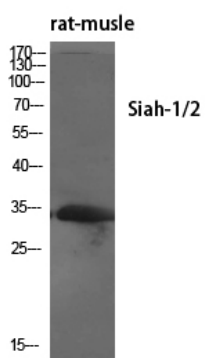
## Área de Investigación

p53; Proteólisis mediada por ubiquitina; WNT; CÉLULA WNT-T

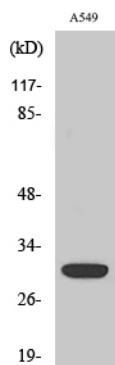
## Datos de Imagen



Análisis de inmunotransferencia de lisados de células A549 y HeLa, utilizando el anticuerpo SIAH1. El carril derecho está bloqueado con el péptido sintetizado.



Análisis Western Blot de varias células utilizando el anticuerpo policlonal Siah-1/2 diluido a 1:500



Análisis Western Blot de células HeLa utilizando el anticuerpo policlonal Siah-1/2 diluido a 1:500