

**Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo SH-PTP2****Nº de Catálogo: APRab17874**

Solo para uso en investigación.

**Resumen**

<b>Descripción</b>	Anticuerpo policlonal de conejo
<b>Huésped</b>	Conejo
<b>Aplicación</b>	WB,IHC,ICC/IF,ELISA
<b>Reactividad</b>	Humano, Ratón, Rata, Mono
<b>Conjugación</b>	No conjugado
<b>Modificación</b>	Sin modificar
<b>Isotipo</b>	IgG
<b>Clonalidad</b>	Policlonal
<b>Formato</b>	Líquido
<b>Concentración</b>	1 mg/ml
<b>Almacenamiento</b>	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
<b>Envío</b>	Bolsas de hielo
<b>Tampon</b>	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
<b>Purificación</b>	Purificación por afinidad

**Aplicación**

<b>Relación de Dilución</b>	WB 1:500-1:2000,IHC 1:100-1:300,ICC/IF 1:50-1:200,ELISA 1:20000-1:40000
<b>Peso Molecular</b>	68kDa

**Información del Antígeno**

<b>Nombre del Gen</b>	PTPN11 PTPN11; PTP2C; SHPTP2; Tyrosine-protein phosphatase non-receptor type 11; Protein-
<b>Nombres Alternativos</b>	tyrosine phosphatase 1D; PTP-1D; Protein-tyrosine phosphatase 2C; PTP-2C; SH-PTP2; SHP-2; Shp2; SH-PTP3
<b>ID del Gen</b>	5781.0
<b>ID SwissProt</b>	Q06124
<b>Inmunógeno</b>	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado de SH-PTP2 humano. Rango de AA: 321-370.

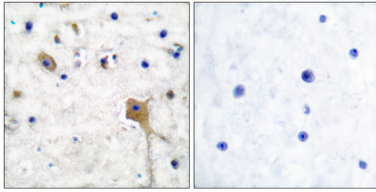
## Antecedentes

La proteína codificada por este gen pertenece a la familia de las proteínas tirosina fosfatasas (PTP). Se sabe que las PTP son moléculas de señalización que regulan diversos procesos celulares, como el crecimiento celular, la diferenciación, el ciclo mitótico y la transformación oncogénica. Esta PTP contiene dos dominios de homología Src-2 en tándem, que funcionan como dominios de unión a la fosfotirosina y median la interacción de esta PTP con sus sustratos. Esta PTP se expresa ampliamente en la mayoría de los tejidos y desempeña un papel regulador en diversos eventos de señalización celular importantes para diversas funciones celulares, como la activación mitogénica, el control metabólico, la regulación de la transcripción y la migración celular. Las mutaciones en este gen son causa del síndrome de Noonan y de la leucemia mieloide aguda. [Proporcionado por RefSeq, agosto de 2016], actividad catalítica: Proteína tirosina fosfato + H(2)O = proteína tirosina + fosfato., enfermedad: Los defectos en PTPN11 son causa de leucemia mielomonocítica juvenil (LMMJ) [MIM:607785]. La LMMJ es un síndrome mielodisplásico pediátrico que constituye aproximadamente el 30 % de los casos infantiles de síndrome mielodisplásico (SMD) y el 2 % de las leucemias. Se caracteriza por leucocitosis con infiltración tisular e hipersensibilidad in vitro de los progenitores mieloides al factor estimulante de colonias de granulocitos y macrófagos., enfermedad: Los defectos en PTPN11 son causa del síndrome similar a Noonan [MIM:163955]; también conocido como síndrome similar a Noonan/síndrome de lesión múltiple de células gigantes. Es un trastorno autosómico dominante caracterizado por características de Noonan asociadas con lesiones de células gigantes de hueso y tejido blando., enfermedad: Los defectos en PTPN11 son la causa del síndrome LEOPARD [MIM:151100]. Es un trastorno autosómico dominante alélico con el síndrome de Noonan. El acrónimo LEOPARD significa lentigos, anomalías de la conducción electrocardiográfica, hipertelorismo ocular, estenosis pulmonar, anomalías de los genitales, retraso del crecimiento y sordera., enfermedad: Los defectos en PTPN11 son la causa del síndrome de Noonan 1 (NS1) [MIM:163950]. El síndrome de Noonan (NS) es un trastorno caracterizado por rasgos faciales dismórficos, baja estatura, hipertelorismo, anomalías cardíacas, sordera, retraso motor y una diátesis hemorrágica. Es un síndrome genéticamente heterogéneo y relativamente común, con una incidencia estimada de 1 en 1000-2500 nacidos vivos. Las mutaciones en PTPN11 representan más del 50% de los casos. En raras ocasiones, el NS se asocia con la leucemia mielomonocítica juvenil (JMML). La herencia NS1 es autosómica dominante., dominio: Los dominios SH2 reprimen la actividad de la fosfatasa. La unión de estos dominios a las proteínas que contienen fosfotirosina alivia esta autoinhibición, posiblemente al inducir un cambio conformacional en la enzima., función: Actúa aguas abajo de varios receptores y proteína tirosina quinasas citoplasmáticas para participar en la transducción de señales desde la superficie celular hasta el núcleo., PTM: Fosforilado en Tyr-546 y Tyr-584 tras la activación del receptor de proteína tirosina quinasa; Que crea un sitio de unión para GRB2 y otras proteínas que contienen SH2. Similitud: Pertenece a la familia de las proteína-tirosina fosfatasas. Subfamilia de la clase 2 sin receptor. Similitud: Contiene un dominio de tirosina-proteína fosfatasa. Similitud: Contiene dos dominios SH2. Subunidad: Interactúa con LIME1 y BCAR3 fosforilados. Interactúa con SHB e INPP5D/SHIP1 (por similitud). Interactúa con PTPNS1 y CD84. Interactúa con SIT1 y MPZL1 fosforilados. Interactúa con FCRL3, FCRL4, FCRL6 y ANKHD1. Especificidad tisular: Ampliamente expresado, con niveles máximos en corazón, cerebro y músculo esquelético.

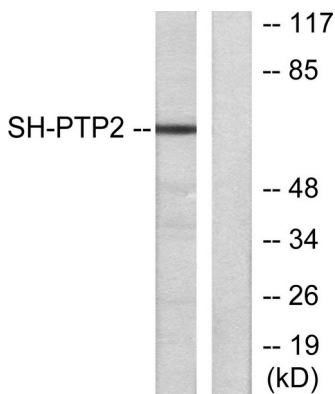
## Área de Investigación

Receptor de insulina; Receptor de células B; MAPK; Acetilación de proteínas

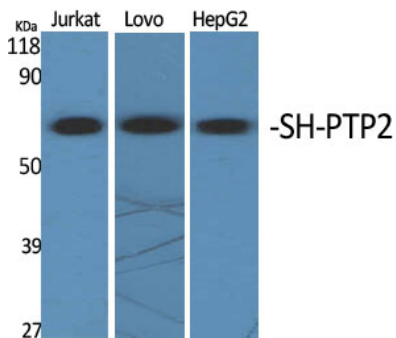
## Datos de Imagen



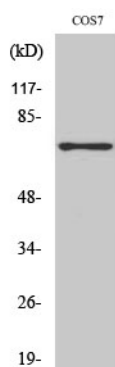
Análisis inmunohistoquímico de tejido cerebral humano incluido en parafina, utilizando el anticuerpo SH-PTP2. La imagen de la derecha muestra el péptido sintetizado.



Análisis de inmunotransferencia de lisados de células COS7, utilizando el anticuerpo SH-PTP2. El carril derecho está bloqueado con el péptido sintetizado.



Análisis Western Blot de varias células utilizando el anticuerpo policlonal SH-PTP2 diluido a 1:2000



Análisis Western Blot de células COS7 utilizando el anticuerpo policlonal SH-PTP2 diluido a 1:2000