

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo Sam 68**Nº de Catálogo: APRab17585**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	WB,ELISA
Reactividad	Humano, Ratón, Rata
Conjugación	No conjugado
Modificación	Sin modificar
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:500-1:2000,ELISA 1:5000-1:20000
Peso Molecular	68kDa

Información del Antígeno

Nombre del Gen	KHDRBS1
Nombres Alternativos	KHDRBS1; SAM68; KH domain-containing; RNA-binding, signal transduction-associated protein 1; GAP-associated tyrosine phosphoprotein p62; Src-associated in mitosis 68 kDa protein; Sam68; p21 Ras GTPase-activating protein-associated p62; p68
ID del Gen	10657.0
ID SwissProt	Q07666
Inmunógeno	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado del Sam 68 humano. Rango de AA: 96-145

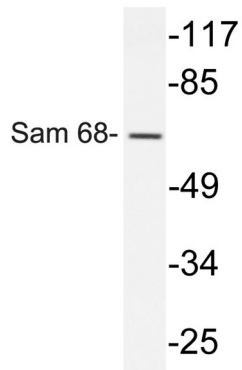
Antecedentes

Este gen codifica un miembro de la familia de proteínas que contiene el dominio de homología K, se une al ARN y está asociada a la transducción de señales. La proteína codificada parece tener múltiples funciones y podría estar involucrada en diversos procesos celulares, como el empalme alternativo, la regulación del ciclo celular, la formación del extremo 3' del ARN, la tumorigénesis y la regulación de la expresión génica del virus de la inmunodeficiencia humana (VIH). El empalme alternativo produce múltiples variantes de transcripción. [Proporcionado por RefSeq, diciembre de 2012], etapa de desarrollo: La isoforma 3 solo se expresa en células con crecimiento detenido., dominio: El dominio KH es necesario para la unión al ARN., dominio: Los dominios ricos en Pro están flanqueados por motivos ricos en Arg/Gly que pueden dimetilarse asimétricamente en residuos de arginina para dar lugar a las regiones ricas en DMA/Gly. La metilación selectiva de estos motivos puede modular las interacciones proteína-proteína. Función: La isoforma 3, expresada únicamente en células con crecimiento detenido, inhibe la fase S. Función: Reclutada y fosforilada en tirosina por varios sistemas receptores, como los receptores de linfocitos T, leptina e insulina. Una vez fosforilada, funciona como proteína adaptadora en las cascadas de transducción de señales al unirse a proteínas que contienen los dominios SH2 y SH3. Participa en la progresión de G2-M en el ciclo celular. Reprime la activación transcripcional dependiente de CBP, aparentemente compitiendo con otros factores nucleares por la unión a CBP. También actúa como posible regulador de la estabilidad y/o la velocidad de traducción del ARNm y media la exportación nuclear del ARNm. PTM: Acetilada. Se correlaciona positivamente con la capacidad de unirse al ARN. PTM: Arg-291, Arg-331 y Arg-346 también están dimetilados, probablemente a dimetilarginina asimétrica. PTM: La metilación de la arginina es necesaria para la localización nuclear. También puede afectar la interacción con otras proteínas. Inhibe la interacción con los dominios SH3 similares a Src, pero no con los dominios WW de WBP4/FBP21 y FBP4/FBP30. PTM: Tirosina fosforilada por varias tirosina quinasas no receptoras, como LCK, FYN y JAK3. Se correlaciona negativamente con la capacidad de unirse al ARN, pero es necesaria para muchas interacciones con proteínas. Precaución con la secuencia: Retención de intrones. Similitud: Pertenece a la familia KHDRBS. Similitud: Contiene un dominio KH. Subunidad: Se autoasocia para formar homooligómeros cuando se une al ARN; la oligomerización parece ser limitada al unirse a proteínas. Interactúa con CBL, KHDRBS3, LCK, GRB2, JAK3, PIK3R1, PLCG1, PTPN6, RASA1, RBMY1A1 y STAT3. Interactúa con PRMT1. Se une a los dominios WW de WBP4/FBP21, FBP4/FBP30 y al dominio SH3 de FYN a través de las regiones ricas en Pro flanqueadas por Arg/Gly. Especificidad tisular: Se expresa de forma ubicua en todo el tejido examinado. La isoforma 1 se expresa en niveles más bajos en el cerebro, el músculo esquelético y el hígado, mientras que la isoforma 3 se intensifica en el músculo esquelético y en el hígado.

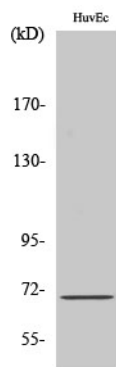
Área de Investigación

Transducción de señales; Adaptadores; Transmembrana; Epigenética y señalización nuclear; ADN/ARN; Procesamiento de ARN; Transcripción; Otros factores

Datos de Imagen



Análisis de transferencia Western del lisado de células HUVEC, utilizando el anticuerpo Sam 68.



Análisis Western Blot de varias células utilizando el anticuerpo policlonal Sam 68