

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo RUNX2**Nº de Catálogo: APRab17443**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	WB,ICC/IF,ELISA
Reactividad	Humano, Ratón, Rata, Otro
Conjugación	No conjugado
Modificación	Sin modificar
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:500-1:2000,ICC/IF 1:50-1:200,ELISA 1:10000-1:20000
Peso Molecular	56kDa

Información del Antígeno

Nombre del Gen	RUNX2 RUNX2; AML3; CBFA1; OSF2; PEBP2A; Runt-related transcription factor 2; Acute myeloid leukemia 3 protein; Core-binding factor subunit alpha-1; CBF-alpha-1; Oncogene AML-
Nombres Alternativos	3Osteoblast-specific transcription factor 2; OSF-2; Polyomavirus enhancer-binding protein 2 alpha A subunit; PEA2-alpha A; PEBP2-alpha A; SL3-3 enhancer factor 1 alpha A subunit; SL3/AKV core-binding factor alpha A subunit
ID del Gen	860.0
ID SwissProt	Q13950

Inmunógeno

El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado de la región interna del RUNX2 humano. Rango de AA: 201-250.

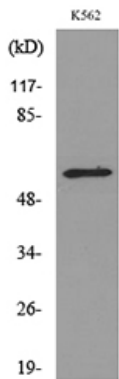
Antecedentes

Este gen pertenece a la familia de factores de transcripción RUNX y codifica una proteína nuclear con un dominio Runt de unión al ADN. Esta proteína es esencial para la diferenciación osteoblástica y la morfogénesis esquelética, y actúa como andamiaje para los ácidos nucleicos y los factores reguladores implicados en la expresión génica esquelética. La proteína puede unirse al ADN como monómero o, con mayor afinidad, como subunidad de un complejo heterodimérico. Dos regiones de posibles expansiones de repeticiones de trinucleótidos están presentes en la región N-terminal de la proteína codificada, y estas y otras mutaciones en este gen se han asociado con la displasia cleidocraneal (CCD), un trastorno del desarrollo óseo. Las variantes de transcripción que codifican diferentes isoformas de la proteína resultan del uso de promotores alternativos, así como del splicing alternativo. [proporcionado por RefSeq, jul. de 2016], enfermedad: Los defectos en RUNX2 son la causa de la displasia cleidocraneal (CCD) [MIM:119600]. La CCD es un trastorno esquelético autosómico dominante con alta penetrancia y expresividad variable. Se debe a una formación ósea endocondral e intramembranosa defectuosa. Las características típicas incluyen hipoplasia/aplasia de clavículas, fontanelas permeables, huesos wormianos (placas craneales adicionales causadas por la osificación anormal de la bóveda craneal), dientes supernumerarios, baja estatura y otros cambios esqueléticos. En algunos casos, los defectos en RUNX2 se asocian exclusivamente con anomalías dentales. Dominio: Una región rica en prolina/serina/treonina en el extremo C-terminal es necesaria para la activación transcripcional de genes diana y contiene los sitios de fosforilación. Función: Factor de transcripción involucrado en la diferenciación osteoblástica y la morfogénesis esquelética. Esencial para la maduración de los osteoblastos y la osificación tanto intramembranosa como endocondral. El CBF se une al sitio central, 5'-PYGPYGGT-3', de varios potenciadores y promotores, incluyendo el virus de la leucemia murina, el potenciador del poliomavirus, los potenciadores del receptor de células T, la osteocalcina, la osteopontina, la sialoproteína ósea, el colágeno alfa 1(I), los promotores de LCK, IL-3 y GM-CSF (por similitud). Inhibe la activación transcripcional dependiente de MYST4. PTM: Fosforilado; probablemente por MAP quinasas (MAPK) (por similitud). La isoforma 3 está fosforilada en Ser-340. Similitud: Contiene un dominio Runt. Subunidad: Heterodímero de una subunidad alfa y una beta. Interactúa con HIVP3 (por similitud). La subunidad alfa se une al ADN como monómero y a través del dominio Runt. La unión al ADN aumenta por heterodimerización. Interactúa con G22P1 (Ku70) y XRCC5 (Ku80). Interactúa con MYST3 y MYST4. Especificidad tisular: Se expresa específicamente en osteoblastos.

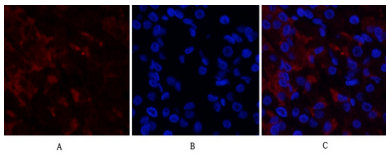
Área de Investigación

Otros factores; Epigenética y señalización nuclear; Transcripción; Factores de transcripción; Células madre; Células madre mesenquimales; Osteogénesis; Biología del desarrollo; Organogénesis; Desarrollo esquelético; Hueso; Neurociencia; Desarrollo

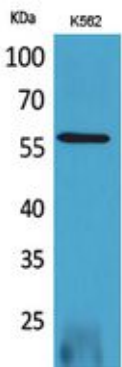
Datos de Imagen



Análisis de transferencia Western del lisado de células K562, utilizando el anticuerpo RUNX2.



Análisis de inmunofluorescencia de tejido estomacal humano. 1. El anticuerpo policlonal RUNX2 (rojo) se diluyó a 1:200 (4 °C, durante la noche). 2. El anticuerpo secundario marcado con Cy3 se diluyó a 1:300 (temperatura ambiente, 50 min). 3. Imagen B: DAPI (azul) 10 min. Imagen A: Objetivo. Imagen B: DAPI. Imagen C: Fusión de A+B.



Análisis Western Blot de células K562 usando el anticuerpo policlonal RUNX2. El anticuerpo secundario se diluyó a 1:20000.