

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo Rsk-1/2/3/4**Nº de Catálogo: APRab17406**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	WB,ELISA
Reactividad	Humano, Ratón
Conjugación	No conjugado
Modificación	Sin modificar
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:500-1:2000,ELISA 1:10000-1:20000
Peso Molecular	90kDa

Información del Antígeno

Nombre del Gen	RPS6KA1 RPS6KA1; MAPKAPK1A; RSK1; Ribosomal protein S6 kinase alpha-1; S6K-alpha-1; 90 kDa
Nombres Alternativos	ribosomal protein S6 kinase 1; p90-RSK 1; p90RSK1; p90S6K; MAP kinase-activated protein kinase 1a; MAPK-activated protein kinase 1a; MAPKAP kinase 1a; MAPKAP
ID del Gen	6195/6197/6196/27330
ID SwissProt	Q15418/P51812/Q15349/Q9UK32
Inmunógeno	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado de RSK1/2/3/4 humano. Rango de AA: 191-240.

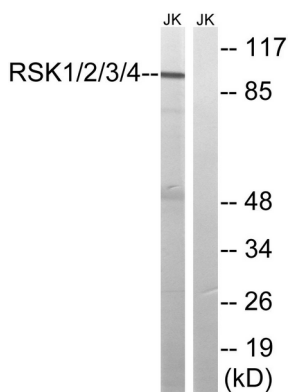
Antecedentes

Proteína ribosomal S6 quinasa A1 (RPS6KA1) Homo sapiens. Este gen codifica un miembro de la familia RSK (quinasa ribosomal S6) de serina/treonina quinasas. Esta quinasa contiene dos dominios catalíticos de quinasa no idénticos y fosforila diversos sustratos, incluyendo miembros de la vía de señalización de la quinasa activada por mitógenos (MAPK). La actividad de esta proteína se ha implicado en el control del crecimiento y la diferenciación celular. Se han caracterizado variantes de empalme transcripcional alternativo que codifican diferentes isoformas. [Proporcionado por RefSeq, jul. de 2008], actividad catalítica: ATP + una proteína = ADP + una fosfoproteína., precaución: La secuencia mostrada aquí se deriva de un proceso de análisis automático de Ensembl y debe considerarse como datos preliminares., cofactor: magnesio., regulación enzimática: se activa mediante múltiples fosforilaciones en residuos de treonina y serina., función: serina/treonina quinasa que podría mediar la activación del factor de transcripción CREB inducida por factores de crecimiento y estrés., PTM: autofosforilada en Ser-380, como parte del proceso de activación., similitud: pertenece a la superfamilia de las proteínas quinasas., similitud: pertenece a la superfamilia de las proteínas quinasas. Familia de las proteínas quinasas AGC Ser/Thr. Subfamilia de quinasas S6. Similitud: Contiene un dominio C-terminal de AGC-quinasa. Similitud: Contiene dos dominios de proteína quinasa. Subunidad: Forma un complejo con ERK1 o ERK2 en células quiescentes. Se disocia transitoriamente tras estimulación mitogénica.

Área de Investigación

Regula la angiogénesis; receptor de insulina; receptor de células B; AMPK

Datos de Imagen



Análisis de inmunotransferencia de lisados de células Jurkat con el anticuerpo RSK1/2/3/4. El carril derecho está bloqueado con el péptido sintetizado.