

---

**Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo RIAM****Nº de Catálogo: APRab17141**

Solo para uso en investigación.

**Resumen**

<b>Descripción</b>	Anticuerpo policlonal de conejo
<b>Huésped</b>	Conejo
<b>Aplicación</b>	WB,IHC
<b>Reactividad</b>	Humano, Rata, Ratón
<b>Conjugación</b>	No conjugado
<b>Modificación</b>	Sin modificar
<b>Isotipo</b>	IgG
<b>Clonalidad</b>	Policlonal
<b>Formato</b>	Líquido
<b>Concentración</b>	1 mg/ml
<b>Almacenamiento</b>	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
<b>Envío</b>	Bolsas de hielo
<b>Tampon</b>	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
<b>Purificación</b>	Purificación por afinidad

**Aplicación**

<b>Relación de Dilución</b>	WB 1:500-1:2000,IHC 1:50-1:300
<b>Peso Molecular</b>	73kDa

**Información del Antígeno**

<b>Nombre del Gen</b>	APBB1IP APBB1IP; PREL1; RARP1; RIAM; Amyloid beta A4 precursor protein-binding family B
<b>Nombres Alternativos</b>	member 1-interacting protein; APBB1-interacting protein 1; Proline-rich EVH1 ligand 1; PREL-1; Proline-rich protein 73; Rap1-GTP-interacting adapter molecule; R
<b>ID del Gen</b>	54518.0
<b>ID SwissProt</b>	Q7Z5R6
<b>Inmunógeno</b>	Péptido sintetizado derivado de RIAM. en el rango AA: 430-510

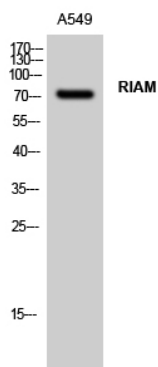
## Antecedentes

Dominio: Las dos regiones ricas en Pro son necesarias para la supresión de la actividad transcripcional de AP1. Función: Parece participar en la transducción de señales desde la activación de Ras hasta la remodelación del citoesqueleto de actina. Suprime las actividades promotoras inducidas por insulina a través de AP1 y SRE. Media la adhesión inducida por Rap1. Inducción: Inducida por el ácido all-trans-retinoico. Similitud: Pertenece a la familia MRL. Similitud: Contiene un dominio PH. Similitud: Contiene un dominio de asociación a Ras. Ubicación subcelular: Se colocaliza con las proteínas ENA/VASP en las puntas de los lamelipodios y las adherencias focales, y con F-actina en el borde delantero. En la superficie de la membrana, se asocia, a través del dominio PH, preferentemente con los fosfatos de inositol, PtdIns(5)P y PtdIns(3)P. Esta unión parece ser necesaria para la interacción eficiente del dominio RA con las Ras-GTPasas. Subunidad: Interactúa, a través de la región rica en Pro del extremo aminoterminal, con el dominio WW de APBB1. Interactúa con RAP1A, PFN1, VASP y ENAH. Especificidad tisular: Ampliamente expresada, con alta expresión en timo, bazo, ganglio linfático, médula ósea y leucocitos periféricos. Dominio: Las dos regiones ricas en Pro son necesarias para la supresión de la actividad transcripcional de AP1. Función: Parece participar en la transducción de señales desde la activación de Ras hasta la remodelación del citoesqueleto de actina. Suprime las actividades promotoras inducidas por insulina a través de AP1 y SRE. Media la adhesión inducida por Rap1. Inducción: Inducida por ácido all-trans-retinoico. Similitud: Pertenece a la familia MRL. Similitud: Contiene un dominio PH. Similitud: Contiene un dominio de asociación a Ras. Ubicación subcelular: Se colocaliza con las proteínas ENA/VASP en las puntas de los lamelipodios y las adherencias focales, y con F-actina en el borde de ataque. En la superficie de la membrana, se asocia, a través del dominio PH, preferentemente con los fosfatos de inositol PtdIns(5)P y PtdIns(3)P. Esta unión parece ser necesaria para la interacción eficiente del dominio RA con las Ras-GTPasas. Subunidad: Interactúa, a través de la región rica en Pro del extremo N-terminal, con el dominio WW de APBB1. Interactúa con RAP1A, PFN1, VASP y ENAH., especificidad tisular: Ampliamente expresado con alta expresión en timo, bazo, ganglio linfático, médula ósea y leucocitos periféricos.

## Área de Investigación

Antígeno de células B

## Datos de Imagen



Análisis Western Blot de células A549 utilizando el anticuerpo policlonal RIAM