

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo Rad9**Nº de Catálogo: APRab16851**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	IHC, ICC/IF, ELISA
Reactividad	Humano, Rata, Ratón
Conjugación	No conjugado
Modificación	Sin modificar
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	IHC 1:100-1:300, ICC/IF 1:50-1:200, ELISA 1:5000-1:10000
Peso Molecular	-

Información del Antígeno

Nombre del Gen	RAD9A
Nombres Alternativos	RAD9A; Cell cycle checkpoint control protein RAD9A; hRAD9; DNA repair exonuclease rad9 homolog A
ID del Gen	5883.0
ID SwissProt	Q96C41
Inmunógeno	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado del RAD9 humano. Rango de AA: 257-306.

Antecedentes

Actividad catalítica: Escisión exonucleolítica en dirección 3' a 5' para producir nucleósidos 5'-fosfatos. Función: Componente del complejo de respuesta al punto de control del ciclo celular 9-1-1, que desempeña un papel fundamental en la reparación del ADN. El complejo 9-1-1 es reclutado a la lesión del ADN tras el daño por el complejo cargador de abrazadera RAD17-factor de replicación C (RFC). Actúa entonces como una plataforma de abrazadera deslizante en el ADN para varias proteínas implicadas en la reparación por escisión de bases de parche largo (LP-BER). El complejo 9-1-1 estimula la actividad de la ADN polimerasa beta (POLB) al aumentar su afinidad por el extremo 3'-OH del cebador-molde y estabiliza la POLB en los sitios donde procede la LP-BER; la actividad de escisión de la endonucleasa FEN1 en sustratos con colgajos dobles, de mella o de hueco de secuencias y longitudes distintas; y la ADN ligasa I (LIG1) en sustratos de reparación por escisión de bases de parche largo. RAD9A posee actividad exonucleasa de ADN bicatenario 3'->5'. Su fosforilación por PRKCD puede ser necesaria para la formación del complejo 9-1-1. PTM: Se fosforila constitutivamente en los aminoácidos serina y treonina en ausencia de daño en el ADN. Hiperfosforilada por PRKCD y ABL1 tras daño en el ADN. Su fosforilación por PRKCD puede ser necesaria para la formación del complejo 9-1-1. Similitud: Pertenece a la familia rad9. Subunidad: Componente del complejo toroidal 9-1-1 (RAD9-RAD1-HUS1), compuesto por RAD9A, RAD1 y HUS1. El complejo 9-1-1 se asocia con LIG1, POLB, FEN1, RAD17, HDAC1, RPA1 y RPA2. El complejo 9-1-1 se asocia con el complejo RAD17-RFC. RAD9A interactúa con BCL2L1, FEN1, PRKCD, RAD9B, HUS1, RAD1, ABL1, RPA1, ATAD5 y RPA2. Actividad catalítica: Escisión exonucleolítica en la dirección 3' a 5' para producir nucleósidos 5'-fosfatos. Función: Componente del complejo de respuesta al punto de control del ciclo celular 9-1-1, que desempeña un papel fundamental en la reparación del ADN. El complejo 9-1-1 es reclutado a la lesión del ADN tras el daño por el complejo cargador de abrazadera RAD17-factor de replicación C (RFC). Actúa entonces como una plataforma de abrazadera deslizante en el ADN para varias proteínas implicadas en la reparación por escisión de bases de parche largo (LP-BER). El complejo 9-1-1 estimula la actividad de la ADN polimerasa beta (POLB) al aumentar su afinidad por el extremo 3'-OH del cebador-molde y estabiliza la POLB en los sitios donde procede la LP-BER. Actividad de escisión de la endonucleasa FEN1 en sustratos con dobles, mellas o huecos de secuencias y longitudes distintas; y ADN ligasa I (LIG1) en sustratos de reparación por escisión de bases de parche largo. RAD9A posee actividad de exonucleasa de ADN bicatenario 3'->5'. Su fosforilación por PRKCD puede ser necesaria para la formación del complejo 9-1-1. PTM: Se fosforila constitutivamente en los aminoácidos serina y treonina en ausencia de daño en el ADN. Hiperfosforilada por PRKCD y ABL1 tras daño en el ADN. Su fosforilación por PRKCD puede ser necesaria para la formación del complejo 9-1-1. Similitud: Pertenece a la familia rad9. Subunidad: Componente del complejo toroidal 9-1-1 (RAD9-RAD1-HUS1), compuesto por RAD9A, RAD1 y HUS1. El complejo 9-1-1 se asocia con LIG1, POLB, FEN1, RAD17, HDAC1, RPA1 y RPA2. El complejo 9-1-1 se asocia con el complejo RAD17-RFC. RAD9A interactúa con BCL2L1, FEN1, PRKCD, RAD9B, HUS1, RAD1, ABL1, RPA1, ATAD5 y RPA2.

Área de Investigación

Epigenética y señalización nuclear; ADN/ARN; Daño y reparación del ADN; Respuesta al daño del ADN; Reconocimiento del daño del ADN

Datos de Imagen



Análisis inmunohistoquímico de amígdala humana incluida en parafina. 1. El anticuerpo se diluyó a 1:200 (4° durante la noche). 2. Se utilizó Tris-EDTA, pH 9,0 para la recuperación del antígeno. 3. El anticuerpo secundario se diluyó a 1:200 (temperatura ambiente, 30 min).