

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo Rad23B**Nº de Catálogo: APRab16836**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	WB,IHC,ICC/IF,ELISA
Reactividad	Humano, Ratón, Rata
Conjugación	No conjugado
Modificación	Sin modificar
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:500-1:2000,IHC 1:100-1:300,ICC/IF 1:200-1:1000,ELISA 1:10000-1:20000
Peso Molecular	58kDa

Información del Antígeno

Nombre del Gen	RAD23B
Nombres Alternativos	RAD23B; UV excision repair protein RAD23 homolog B; HR23B; hHR23B; XP-C repair-complementing complex 58 kDa protein; p58
ID del Gen	5887.0
ID SwissProt	P54727
Inmunógeno	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado del RAD23B humano. Rango de AA: 1-50.

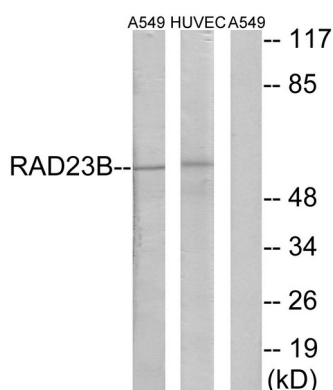
Antecedentes

La proteína codificada por este gen es uno de los dos homólogos humanos de Rad23 de *Saccharomyces cerevisiae*, una proteína involucrada en la reparación por escisión de nucleótidos (NER). Se descubrió que esta proteína es un componente del complejo proteico que complementa específicamente el defecto de NER de extractos celulares de xeroderma pigmentoso grupo C (XP-c) in vitro. También se demostró que esta proteína interactúa con la 3-metiladenina-ADN glicosilasa (MPG) y eleva su actividad de escisión de nucleótidos, lo que sugirió un papel en el reconocimiento del daño del ADN en la reparación por escisión de bases. Esta proteína contiene un dominio N-terminal similar a la ubiquitina, que se informó que interactúa con el proteasoma 26S, y por lo tanto, esta proteína podría estar involucrada en la vía proteolítica mediada por la ubiquitina en las células. El empalme alternativo resulta en múltiples variantes de transcripción que codifican isoformas distintas. [Proporcionado por RefSeq, septiembre de 2011], dominio: El dominio similar a la ubiquitina media la interacción con MJD., función: Desempeña un papel central tanto en la degradación proteosomal de proteínas mal plegadas como en la reparación del ADN. Componente central de un complejo necesario para acoplar la desglicosilación y la degradación mediada por el proteasoma de proteínas mal plegadas en el retículo endoplasmático que se retrotranslocan en el citosol. Participa en la reparación por escisión del ADN mediante la estabilización de la proteína XPC. Puede participar en el reconocimiento de daños en el ADN o en la alteración de la estructura de la cromatina para permitir el acceso de enzimas que procesan dichos daños. Similitud: Pertenece a la familia RAD23. Similitud: Contiene un dominio STI1. Similitud: Contiene un dominio similar a la ubiquitina. Similitud: Contiene dos dominios UBA. Subunidad: Componente de un complejo necesario para acoplar la retrotranslocación, la ubiquitinación y la desglicosilación, compuesto por NGLY1, SAKS1, AMFR, VCP y RAD23B (por similitud). Interactúa con el proteasoma 26S. Interactúa directamente con NGLY1. Heterodímero de una subunidad de 125 kDa (p125) y una subunidad de 58 kDa (p58). Interactúa con MJD y XPC.

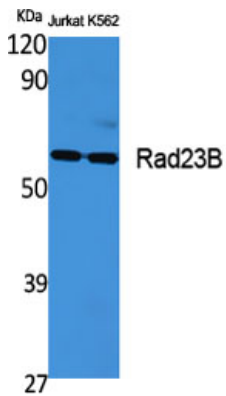
Área de Investigación

Reparación por escisión de nucleótidos;

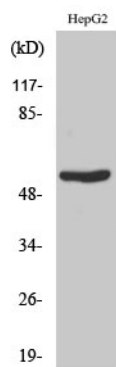
Datos de Imagen



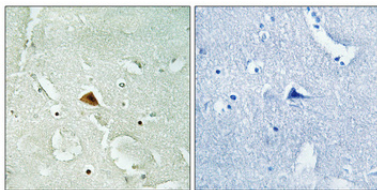
Análisis de inmunotransferencia de lisados de células A549 y HUVEC, utilizando el anticuerpo RAD23B. El carril derecho está bloqueado con el péptido sintetizado.



Análisis Western Blot de varias células utilizando el anticuerpo policlonal Rad23B



Análisis Western Blot de células HuvEc utilizando el anticuerpo policlonal Rad23B



Análisis inmunohistoquímico de cerebro humano incluido en parafina. El anticuerpo se diluyó a 1:100 (4°C, durante la noche). Se utilizó Tris-EDTA a alta presión y temperatura, pH 8,0, para la recuperación del antígeno. El control negativo (derecha) obtenido del anticuerpo fue preabsorbido por el péptido inmunógeno.