

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo Rad21**Nº de Catálogo: APRab16833**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	WB,IHC,ICC/IF,ELISA
Reactividad	Humano, Ratón
Conjugación	No conjugado
Modificación	Sin modificar
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:500-1:2000,IHC 1:100-1:300,ICC/IF 1:200-1:1000,ELISA 1:5000-1:10000
Peso Molecular	120-130kDa

Información del Antígeno

Nombre del Gen	RAD21
Nombres Alternativos	RAD21; HR21; KIAA0078; NXP1; Double-strand-break repair protein rad21 homolog; hHR21; Nuclear matrix protein 1; NXP-1; SCC1 homolog
ID del Gen	5885.0
ID SwissProt	O60216
Inmunógeno	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado del RAD21 humano. Rango de AA: 521-570.

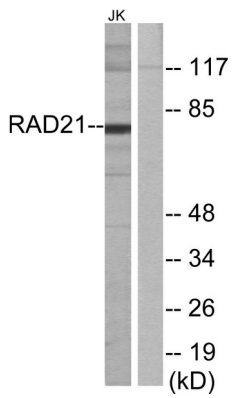
Antecedentes

La proteína codificada por este gen es muy similar al producto génico de *Schizosaccharomyces pombe rad21*, un gen involucrado en la reparación de roturas de doble cadena de ADN, así como en la cohesión de cromátidas durante la mitosis. Esta proteína es una fosfoproteína nuclear, que se hiperfosforila en la fase M del ciclo celular. La asociación altamente regulada de esta proteína con la cromatina mitótica, específicamente en la región del centrómero, sugiere su papel en la cohesión de cromátidas hermanas en células mitóticas. [proporcionado por RefSeq, jul. de 2008], dominio: La parte C-terminal se asocia con la cabeza de SMC1A, mientras que la parte N-terminal se une a la cabeza de SMC3., función: Componente escindible del complejo de cohesión, involucrado en la cohesión cromosómica durante el ciclo celular, en la reparación del ADN y en la apoptosis. El complejo de cohesión es necesario para la cohesión de cromátidas hermanas después de la replicación del ADN. El complejo de cohesina aparentemente forma un gran anillo proteínico dentro del cual las cromátidas hermanas pueden quedar atrapadas. En la transición de metafase a anafase, esta proteína es escindida por la separasa/ESPL1 y se disocia de la cromatina, permitiendo la segregación de las cromátidas hermanas. El complejo de cohesina también puede participar en el ensamblaje de los polos del huso durante la mitosis. También participa en la apoptosis, mediante su escisión por la caspasa-3/CASP3 o la caspasa-7/CASP7 durante las primeras etapas de la apoptosis: el producto de escisión de 64 kDa del extremo C-terminal puede actuar como señal nuclear para iniciar eventos citoplasmáticos involucrados en la vía apoptótica. Polimorfismo: Algunos pacientes con cáncer radiosensibles parecen tener Arg-481 en lugar de la Gly-481 conservada. Es posible que esta mutación contribuya a la radiosensibilidad. PTM: Escindido por la separasa/ESPL1 al inicio de la anafase. Escindido por la caspasa-3 y la caspasa-7 al inicio de la apoptosis. La escisión por ESPL1 y la caspasa-3 se produce en sitios diferentes. PTM: fosforilada; se hiperfosforilará en la fase M del ciclo celular. La gran disociación de la cohesina de los brazos cromosómicos durante la profase puede deberse en parte a su fosforilación por PLK. Similitud: pertenece a la familia rad21. Ubicación subcelular: se asocia con la cromatina. Antes de la profase, se encuentra dispersa a lo largo de los brazos cromosómicos. Durante la profase, la mayoría de los complejos de cohesina se disocian de la cromatina, probablemente debido a la fosforilación por PLK, excepto en los centrómeros, donde permanecen. En la anafase, es escindida por la separasa/ESPL1, lo que lleva a la disociación del complejo de los cromosomas, permitiendo la separación cromosómica. Una vez escindido por la caspasa-3, el producto de escisión de 64 kDa del extremo C-terminal se transloca al citoplasma, donde puede desencadenar la apoptosis. Los complejos de subunidades de cohesina están compuestos por el heterodímero SMC1 (SMC1A o SMC1B) y SMC3, unidos a través de su dominio bisagra, RAD21, que los une, y una proteína STAG (STAG1, STAG2 o STAG3), que interactúa con RAD21. Se encuentra en un complejo con SMC1A, SMC3, CDCA5, PDS5A/APRIN y PDS5B/SCC-112.

Área de Investigación

Ciclo celular G1S; Ciclo celular G2M ADN;

Datos de Imagen



Análisis de inmunotransferencia de lisados de células Jurkat con el anticuerpo RAD21. El carril derecho está bloqueado con el péptido sintetizado.