

---

**Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo PSD-95****Nº de Catálogo: APRab16593**

Solo para uso en investigación.

**Resumen**

|                       |  |
|-----------------------|--|
| <b>Descripción</b>    | Anticuerpo policlonal de conejo  |
| <b>Huésped</b>        | Conejo   |
| <b>Aplicación</b>     | WB,ELISA   |
| <b>Reactividad</b>    | Humano, Ratón, Rata  |
| <b>Conjugación</b>    | No conjugado   |
| <b>Modificación</b>   | Sin modificar  |
| <b>Isotipo</b>        | IgG  |
| <b>Clonalidad</b>     | Policlonal   |
| <b>Formato</b>        | Líquido  |
| <b>Concentración</b>  | 1 mg/ml  |
| <b>Almacenamiento</b> | Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.          |
| <b>Envío</b>          | Bolsas de hielo  |
| <b>Tampon</b>         | Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N. |
| <b>Purificación</b>   | Purificación por afinidad  |

**Aplicación**

|                             |                                      |
|-----------------------------|--------------------------------------|
| <b>Relación de Dilución</b> | WB 1:500-1:2000,ELISA 1:5000-1:20000 |
| <b>Peso Molecular</b>       | 95kDa                                |

**Información del Antígeno**

|                             |   |
|-----------------------------|---|
| <b>Nombre del Gen</b>       | DLG4  |
| <b>Nombres Alternativos</b> | DLG4; PSD95; Disks large homolog 4; Postsynaptic density protein 95; PSD-95; Synapse-associated protein 90; SAP-90; SAP90 |
| <b>ID del Gen</b>           | 1742.0  |
| <b>ID SwissProt</b>         | P78352  |
| <b>Inmunógeno</b>           | El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado de la PSD-95 humana.<br>Rango de AA: 253-302.              |

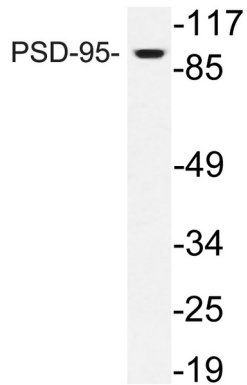
## Antecedentes

Este gen codifica un miembro de la familia de las guanilato quinasas asociadas a la membrana (MAGUK). Se heteromultimeriza con otra proteína MAGUK, DLG2, y se recluta en los grupos de receptores NMDA y canales de potasio. Estas dos proteínas MAGUK pueden interactuar en sitios postsinápticos para formar un andamiaje multimérico para la agrupación de receptores, canales iónicos y proteínas de señalización asociadas. Se han encontrado múltiples variantes de transcripción que codifican diferentes isoformas para este gen. [Proporcionado por RefSeq, julio de 2008], dominio: El dominio L27, cerca del extremo aminoterminal de la isoforma 2, es necesario para la orientación dependiente de HGS/HRS a la densidad postsináptica., dominio: El dominio PDZ 3 media la interacción con ADR1B., función: Interactúa con la cola citoplasmática de las subunidades del receptor NMDA y los canales de potasio de tipo shaker. Necesario para la plasticidad sináptica asociada a la señalización del receptor NMDA. La sobreexpresión o la disminución de DLG4 altera la proporción de sinapsis excitatorias e inhibitorias en las neuronas hipocámpales. Puede reducir la amplitud de las corrientes evocadas por el ácido ACCN3 al retener el canal intracelularmente. Puede regular el tráfico intracelular de ADR1B. PTM: La palmitoilación de la isoforma 1 es necesaria para la focalización en la densidad postsináptica. Similitud: Pertenece a la familia MAGUK. Similitud: Contiene un dominio similar a la guanilato quinasa. Similitud: Contiene un dominio SH3. Similitud: Contiene dos dominios PDZ (DHR). Similitud: Contiene tres dominios PDZ (DHR). Ubicación subcelular: Altos niveles en la densidad postsináptica de neuronas del prosencéfalo. También en la región presináptica de las sinapsis inhibitorias formadas por células en cesta cerebelosas en los montículos axónicos de las células de Purkinje. Subunidad: Interactúa con ANKS1B y PRR7 (por similitud). Interactúa a través de sus dos primeros dominios PDZ con GRIN2A, GRIN2B, GRIN2C, GRIN2D, ACCN3, ciertas formas de empalme de GRIN1, KCND2, CXADR y SYNGAP1. Interactúa a través de su segundo dominio PDZ con el dominio PDZ de NOS1 o el extremo C-terminal de CAPON. Puede interactuar con HTR2A. Interactúa a través de su dominio similar a la guanilato quinasa con DLGAP1/GKAP, DLGAP2, DLGAP3, DLGAP4, MAP1A y BEGAIN. Interactúa a través de su tercer dominio PDZ con CRIPT (por similitud). Interactúa a través de sus dos primeros dominios PDZ con KCNA1, KCNA2, KCNA3, KCNA4 y ERBB4. Interactúa a través de su primer dominio PDZ con GRIK2, KCNA4 y CRIPT. Interactúa a través de su tercer dominio PDZ con NLGN1 y probablemente con NLGN2 y NLGN3. Interactúa a través de su dominio similar a la guanilato quinasa con KIF13B. La isoforma 2 interactúa a través de un dominio L27 con HGS/HRS y el primer dominio L27 de CASK. Interactúa con LRFN1. Especificidad tisular: Cerebro.

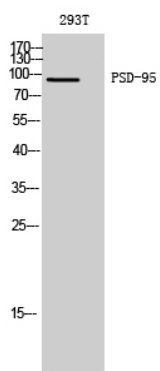
## Área de Investigación

enfermedad de Huntington;

## Datos de Imagen



Análisis de transferencia Western del lisado de células COLO205, utilizando el anticuerpo PSD-95.



Análisis Western Blot de células 293T utilizando el anticuerpo policlonal PSD-95 diluido a 1:1000