

**Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo PNPasa****Nº de Catálogo: APRab16329**

Solo para uso en investigación.

**Resumen**

<b>Descripción</b>	Anticuerpo policlonal de conejo
<b>Huésped</b>	Conejo
<b>Aplicación</b>	WB,IHC,ICC/IF,ELISA
<b>Reactividad</b>	Humano, Ratón
<b>Conjugación</b>	No conjugado
<b>Modificación</b>	Sin modificar
<b>Isotipo</b>	IgG
<b>Clonalidad</b>	Policlonal
<b>Formato</b>	Líquido
<b>Concentración</b>	1 mg/ml
<b>Almacenamiento</b>	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
<b>Envío</b>	Bolsas de hielo
<b>Tampon</b>	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
<b>Purificación</b>	Purificación por afinidad

**Aplicación**

<b>Relación de Dilución</b>	WB 1:500-1:2000,IHC 1:100-1:300,ICC/IF 1:50-1:200,ELISA 1:10000-1:20000
<b>Peso Molecular</b>	85kDa

**Información del Antígeno**

<b>Nombre del Gen</b>	PNPT1 PNPT1; PNPASE; Polyribonucleotide nucleotidyltransferase 1; mitochondrial; 3'-5' RNA
<b>Nombres Alternativos</b>	exonuclease OLD35; PNPase old-35; Polynucleotide phosphorylase 1; PNPase 1; Polynucleotide phosphorylase-like protein
<b>ID del Gen</b>	87178.0
<b>ID SwissProt</b>	Q8TCS8
<b>Inmunógeno</b>	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado del PNPT1 humano. Rango de AA: 570-619.

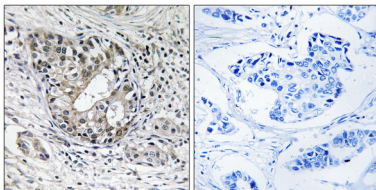
## Antecedentes

La proteína codificada por este gen pertenece a la familia de las polinucleótido fosforilasas, conservadas evolutivamente, compuesta por exorribonucleasas 3' a 5' dependientes de fosfato, implicadas en el procesamiento y la degradación del ARN. Esta enzima se localiza predominantemente en el espacio intermembrana mitocondrial y participa en la importación de ARN a las mitocondrias. Las mutaciones en este gen se han asociado con la deficiencia combinada de fosforilación oxidativa-13 y la sordera autosómica recesiva no sindrómica-70. Se encuentran pseudogenes relacionados en los cromosomas 3 y 7. [proporcionado por RefSeq, diciembre de 2012], actividad catalítica:  $\text{ARN}(n+1) + \text{fosfato} = \text{ARN}(n) + \text{un nucleósido difosfato}$ ., función: Participa en la degradación del ARNm. Hidroliza polirribonucleótidos monocatenarios procesivamente en la dirección 3' a 5'., inducción: Se regula positivamente en las células durante la senescencia y la diferenciación terminal. Regulación positiva tras el tratamiento con interferón beta (IFN-beta). PTM: Se fosforila tras daño del ADN, probablemente por ATM o ATR. Similitud: Pertenece a la familia de las polirribonucleótidos nucleotidiltransferasas. Similitud: Contiene un dominio KH. Similitud: Contiene un dominio con motivo S1. Subunidad: Homotrímero (Potencial). Interactúa con TCL1A; esta interacción no afecta la actividad de la exonucleasa PNPT1.

## Área de Investigación

Metabolismo de purinas;Metabolismo de pirimidinas;Degradación de ARN;

## Datos de Imagen



Análisis inmunohistoquímico de tejido de carcinoma mamario humano incluido en parafina, utilizando el anticuerpo PNPT1. La imagen de la derecha está bloqueada con el péptido sintetizado.



Análisis Western Blot de varias células utilizando el anticuerpo policlonal PNPasa diluido a 1:1000