

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo PKA II α reg**Nº de Catálogo: APRab16180**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	WB,IHC,ICC/IF,ELISA
Reactividad	Humano, Rata, Ratón
Conjugación	No conjugado
Modificación	Sin modificar
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:500-1:2000,IHC 1:100-1:300,ICC/IF 1:200-1:1000,ELISA 1:5000-1:20000
Peso Molecular	45kDa

Información del Antígeno

Nombre del Gen	PRKAR2A
Nombres Alternativos	PRKAR2A; PKR2; PRKAR2; cAMP-dependent protein kinase type II-alpha regulatory subunit
ID del Gen	5576.0
ID SwissProt	P13861
Inmunógeno	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado de KAP2 humano. Rango de AA: 41-90.

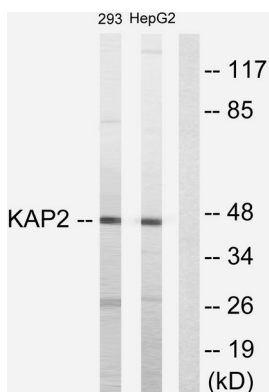
Antecedentes

Subunidad reguladora alfa de tipo II dependiente de cAMP de la proteína quinasa (PRKAR2A). El cAMP del Homo sapiens es una molécula de señalización importante para diversas funciones celulares. El cAMP ejerce sus efectos activando la proteína quinasa dependiente de cAMP, que transduce la señal a través de la fosforilación de diferentes proteínas diana. La holoenzima quinasa inactiva es un tetrámero compuesto por dos subunidades reguladoras y dos catalíticas. El cAMP causa la disociación de la holoenzima inactiva en un dímero de subunidades reguladoras unidas a cuatro cAMP y dos subunidades catalíticas monoméricas libres. Se han identificado cuatro subunidades reguladoras diferentes y tres subunidades catalíticas en humanos. La proteína codificada por este gen es una de las subunidades reguladoras. Esta subunidad puede ser fosforilada por la subunidad catalítica activada. Puede interactuar con varias proteínas de anclaje de A-quinasas y determinar la localización subcelular de la proteína quinasa dependiente de cAMP. Esta subunidad tiene función: Las cadenas reguladoras de tipo II median la asociación a la membrana mediante la unión a proteínas de anclaje, incluyendo la quinasa MAP2. PTM: Fosforilada por la cadena catalítica activada. Similitud: Pertenece a la familia de cadenas reguladoras de quinasas dependientes de AMPc. Similitud: Contiene dos dominios de unión a nucleótidos cíclicos. Subunidad: La forma inactiva de la enzima se compone de dos cadenas reguladoras y dos cadenas catalíticas. La activación por AMPc produce dos monómeros catalíticos activos y un dímero regulador que se une a cuatro moléculas de AMPc. Interactúa con AKAP4 y CBFA2T3. Especificidad tisular: Se encuentran cuatro tipos de cadenas reguladoras: I-alfa, I-beta, II-alfa y II-beta. Su expresión varía entre tejidos y en algunos casos es constitutiva y en otros inducible.

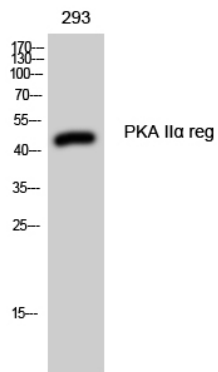
Área de Investigación

Inhibición de la apoptosis; Apoptosis mitocondrial; Descripción general de la apoptosis; Receptor de insulina;

Datos de Imagen



Análisis de inmunotransferencia de lisados de células 293 y HepG2, utilizando el anticuerpo KAP2. El carril derecho está bloqueado con el péptido sintetizado.



Análisis Western Blot de 293 células utilizando el anticuerpo policlonal PKA IIα reg