

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo Pinin**Nº de Catálogo: APRab16157**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	WB,IHC
Reactividad	Humano, Ratón
Conjugación	No conjugado
Modificación	Sin modificar
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:500-1:2000,IHC 1:50-1:300
Peso Molecular	85kDa

Información del Antígeno

Nombre del Gen	PNN PNN; DRS; MEMA; Pinin; 140 kDa nuclear and cell adhesion-related phosphoprotein;
Nombres Alternativos	Desmosome-associated protein; Domain-rich serine protein; DRS protein; DRSP; Melanoma metastasis clone A protein; Nuclear protein SDK3; SR-like protein
ID del Gen	5411.0
ID SwissProt	Q9H307
Inmunógeno	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado del PNN humano. Rango de AA: 211-260.

Antecedentes

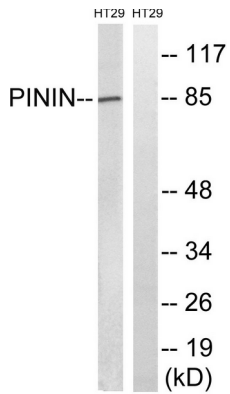
Función: Activador transcripcional que se une a la secuencia central de la caja E 1 del gen promotor de la cadherina E; la secuencia de unión central es 5'CAGGTG-3'. Capaz de revertir la represión transcripcional mediada por CTBP1. También participa en la regulación del empalme alternativo del pre-ARNm. Se asocia al ARNm empalmado dentro de los 60 nt aguas arriba de los sitios de empalme 5'. Participa en el establecimiento y mantenimiento de la adhesión intercelular epitelial. Potencial supresor tumoral en el carcinoma de células renales. **PTM:** Se fosforila tras daño del ADN, probablemente por ATM o ATR. **Similitud:** Pertenece a la familia de las pininas. **Ubicación subcelular:** Área de contacto intercelular, predominantemente desmosoma de la unión adherente intercelular. No es una proteína de transporte nucleocitoplasmático. **Subunidad:** Se encuentra en un complejo con proteínas SR. Se encuentra en un complejo de mRNP con RNPS1. Interactúa con C6orf111/SRRP130, CTBP1, CTBP2, KRT8, KRT18, KRT19, PS1D/PNO40, PPIG, RNPS1, SFRS4 y SRRM2. Identificado en el complejo C del espliceosoma, compuesto al menos por AQR, ASCC3L1, C19orf29, CDC40, CDC5L, CRNKL1, DDX23, DDX41, DDX48, DDX5, DGCR14, DHX35, DHX38, DHX8, EFTUD2, FRG1, GPATC1, HNRPA1, HNRPA2B1, HNRPA3, HNRPC, HNRPF, HNRPH1, HNRPK, HNRPM, HNRPR, HNRPU, KIAA1160, KIAA1604, LSM2, LSM3, MAGOH, MORG1, PABPC1, PLRG1, PNN, PPIE, PPIL1, PPIL3, PPWD1, PRPF19, PRPF4B, PRPF6, PRPF8, RALY, RBM22, RBM8A, RBMX, SART1, SF3A1, SF3A2, SF3A3, SF3B1, SF3B2, SF3B3, SFRS1, SKIV2L2, SNRPA1, SNRPB, SNRPB2, SNRPD1, SNRPD2, SNRPD3, SNRPE, SNRPF, SNRPG, SNW1, SRRM1, SRRM2, SYF2, SYNCRIP, TFIP11, THOC4, U2AF1, WDR57, XAB2 y ZCCHC8., especificidad tisular: Expresado en placenta, pulmón, hígado, riñón, páncreas, bazo, timo, próstata, testículo, ovario, intestino delgado, colon, corazón, epidermis, esófago, cerebro y músculo liso y esquelético. Se expresa con fuerza en lesiones de metástasis de melanoma y tumores primarios avanzados.

Función: Activador transcripcional que se une a la secuencia central de la caja E 1 del gen promotor de la cadherina E; la secuencia de unión central es 5'CAGGTG-3'. Capaz de revertir la represión de la transcripción mediada por CTBP1. También participa en la regulación del empalme alternativo del pre-ARNm. Se asocia al ARNm empalmado dentro de los 60 nt aguas arriba de los sitios de empalme 5'. Participa en el establecimiento y mantenimiento de la adhesión intercelular epitelial. Posible supresor tumoral en el carcinoma de células renales. **PTM:** Se fosforila tras daño en el ADN, probablemente por ATM o ATR. **Similitud:** Pertenece a la familia de las pininas. **Ubicación subcelular:** Área de contacto intercelular, predominantemente desmosoma de la unión adherente intercelular. No es una proteína de transporte nucleocitoplasmático. **Subunidad:** Se encuentra en un complejo con proteínas SR. Se encuentra en un complejo mRNP con RNPS1. Interactúa con C6orf111/SRRP130, CTBP1, CTBP2, KRT8, KRT18, KRT19, PS1D/PNO40, PPIG, RNPS1, SFRS4 y SRRM2. Identificado en el complejo C del espliceosoma, compuesto al menos por AQR, ASCC3L1, C19orf29, CDC40, CDC5L, CRNKL1, DDX23, DDX41, DDX48, DDX5, DGCR14, DHX35, DHX38, DHX8, EFTUD2, FRG1, GPATC1, HNRPA1, HNRPA2B1, HNRPA3, HNRPC, HNRPF, HNRPH1, HNRPK, HNRPM, HNRPR, HNRPU, KIAA1160, KIAA1604, LSM2, LSM3, MAGOH, MORG1, PABPC1, PLRG1, PNN, PPIE, PPIL1, PPIL3, PPWD1, PRPF19, PRPF4B, PRPF6, PRPF8, RALY, RBM22, RBM8A, RBMX, SART1, SF3A1, SF3A2, SF3A3, SF3B1, SF3B2, SF3B3, SFRS1, SKIV2L2, SNRPA1, SNRPB, SNRPB2, SNRPD1, SNRPD2, SNRPD3, SNRPE, SNRPF, SNRPG, SNW1, SRRM1, SRRM2, SYF2, SYNCRIP, TFIP11, THOC4, U2AF1, WDR57, XAB2 y ZCCHC8. **Especificidad tisular:** Se expresa en placenta, pulmón, hígado, riñón, páncreas, bazo, timo, próstata, testículos, ovario, intestino delgado, colon, corazón, epidermis, esófago, cerebro y músculo liso y esquelético. Se expresa con fuerza en lesiones de metástasis de melanoma y tumores primarios avanzados.

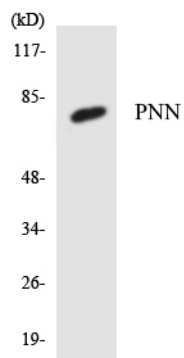
Área de Investigación

Epigenética y señalización nuclear; Transcripción; Factores de transcripción; Cáncer; Oncoproteínas/supresores; Supresores tumorales; Susceptibilidad al cáncer; ADN/ARN; Procesamiento del ARN; Empalme; Familias de dominios; HLH/cremallera de leucina; HLH

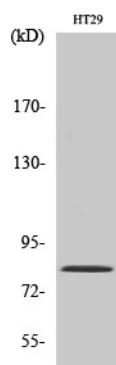
Datos de Imagen



Análisis de inmunotransferencia de lisados de células HT-29, utilizando el anticuerpo PNN. El carril derecho está bloqueado con el péptido sintetizado.



Análisis de transferencia Western de los lisados de células K562 utilizando el anticuerpo PNN.



Análisis Western Blot de varias células utilizando el anticuerpo policlonal Pinin