

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo PIASx**Nº de Catálogo: APRab16121**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	WB,IHC,ELISA
Reactividad	Humano, Ratón, Rata, Mono
Conjugación	No conjugado
Modificación	Sin modificar
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:500-1:2000,IHC 1:50-1:300,ELISA 1:2000-1:20000
Peso Molecular	68kDa

Información del Antígeno

Nombre del Gen	PIAS2 PIAS2; PIASX; E3 SUMO-protein ligase PIAS2; Androgen receptor-interacting protein 3;
Nombres Alternativos	ARIP3; DAB2-interacting protein; DIP; Msx-interacting zinc finger protein; Miz1; PIAS-NY protein; Protein inhibitor of activated STAT x; Protein inhibitor
ID del Gen	9063.0
ID SwissProt	O75928
Inmunógeno	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado de PIAS2 humano. Rango de AA: 10-59.

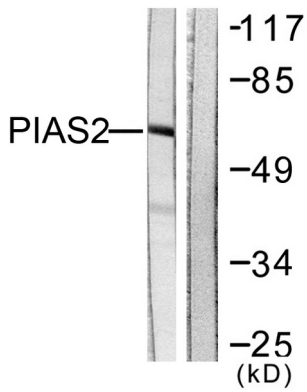
Antecedentes

Este gen codifica un miembro de la familia de inhibidores proteicos de STAT activado (PIAS). Las proteínas PIAS funcionan como ligasas SUMO E3 y desempeñan un papel importante en numerosos procesos celulares, mediando la sumoilación de proteínas diana. Se han observado variantes de transcripción con empalme alternativo que codifican múltiples isoformas para este gen. Las isoformas de la proteína codificada potencian la sumoilación de proteínas diana específicas, como la proteína supresora tumoral p53, c-Jun y el receptor de andrógenos. Un pseudogén de este gen se encuentra en el brazo corto del cromosoma 4. El símbolo MIZ1 también se ha asociado con ZBTB17, un gen diferente ubicado en el cromosoma 1. [Proporcionado por RefSeq, agosto de 2011], etapa de desarrollo: La expresión de la isoforma 3 en testículos adultos es 14,2 veces más fuerte que en testículos embrionarios., dominio: El motivo LXXLL es una firma correguladora transcripcional., función: Funciona como una ligasa pequeña modificadora similar a la ubiquitina (SUMO) tipo E3, estabilizando la interacción entre UBE21 y el sustrato, y como un factor de anclaje SUMO. Desempeña un papel crucial como corregulador transcripcional en varias vías celulares, incluyendo la vía STAT, la vía p53 y la vía de señalización de hormonas esteroideas. Los efectos de esta corregulación transcripcional, transactivación o silenciamiento pueden variar dependiendo del contexto biológico y la isoforma PIAS2 estudiada. Sin embargo, parece estar principalmente involucrado en el silenciamiento génico. Se une a ELK1 sumoilado y mejora su actividad transcripcional al prevenir el reclutamiento de HDAC2 por ELK1, revirtiendo así la represión mediada por SUMO de la actividad de transactivación de ELK1. La isoforma PIAS2-beta, pero no la isoforma PIAS2-alfa, promueve la sumoilación de MDM2. La isoforma PIAS2-alfa promueve la sumoilación de PARK7. La isoforma PIAS2-beta promueve la sumoilación de NCOA2 con mayor eficiencia que la isoforma PIAS2-alfa., inducción: Regulado al alza transitoriamente durante la diferenciación mieloide en varias líneas celulares, como HL-60, U-937, K-562, inducida por éster de forbol (TPA) o ácido retinoico., vía: Modificación de proteínas; Sumoilación de proteínas., PTM: Sumoilado., Similitud: Pertenece a la familia PIAS., Similitud: Contiene 1 dominio SAP., Similitud: Contiene 1 dedo de zinc tipo SP-RING., Ubicación subcelular: Colocaliza al menos parcialmente con cuerpos nucleares de leucemia promielocítica (NB de PML), Subunidad: Se une a SUMO1 y UBE21. Interactúa con JUN, MDM2, PARK7, TP53 y TP73 isoforma alfa, pero no con TP73 isoforma beta. Interactúa con STAT4 tras la estimulación de células T con IL12 e IFN-alfa. Interactúa también con GTF2I, GTF2IRD1, DAB2 y MSX2, así como con varios receptores de esteroides, incluyendo ESR1, ESR2, NR3C1, PGR, AR y con NCOA2 (por similitud). La sumoilación de una proteína diana parece potenciar la interacción. Se une a ELK1 sumoilado. Se une al ADN, como el promotor CDKN1A, de forma específica para la secuencia. Interactúa con PLAG1. Interactúa con KLF8; la interacción resulta en la ligación de SUMO y la represión de la actividad transcripcional de KLF8 y de la progresión de su ciclo celular a la fase G(1). Especificidad tisular: Principalmente testículo. La isoforma 3 se expresa predominantemente en testículos adultos, débilmente en páncreas, testículos embrionarios y espermatozoides, y en niveles muy bajos en otros órganos.

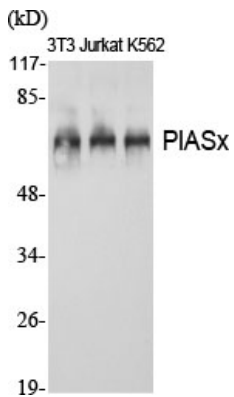
Área de Investigación

Proteólisis mediada por ubiquitina; Jak_STAT; Vías en el cáncer; Cáncer de pulmón de células pequeñas;

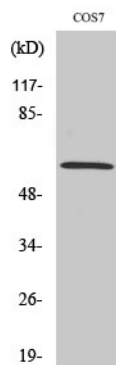
Datos de Imagen



Análisis de inmunotransferencia de lisados de células COS7, utilizando el anticuerpo PIAS2. El carril derecho está bloqueado con el péptido sintetizado.



Análisis Western Blot de varias células utilizando el anticuerpo policlonal PIASx diluido a 1:1000.



Análisis Western Blot de células COS7 utilizando el anticuerpo policlonal PIASx diluido a 1:1000.