

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo PIAS 1**Nº de Catálogo: APRab16119**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	WB,IHC,ICC/IF,ELISA
Reactividad	Humano, Ratón
Conjugación	No conjugado
Modificación	Sin modificar
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:500-1:2000,IHC 1:100-1:300,ICC/IF 1:50-1:200,ELISA 1:5000-1:20000
Peso Molecular	72kDa

Información del Antígeno

Nombre del Gen	PIAS1
Nombres Alternativos	PIAS1; DDXBP1; E3 SUMO-protein ligase PIAS1; DEAD/H box-binding protein 1; Gu-binding protein; GBP; Protein inhibitor of activated STAT protein 1; RNA helicase II-binding protein
ID del Gen	8554.0
ID SwissProt	O75925
Inmunógeno	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado de PIAS1 humano. Rango de AA: 10-59.

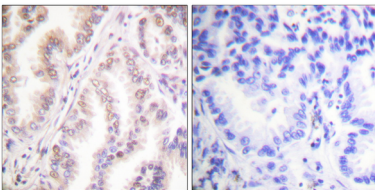
Antecedentes

Este gen codifica un miembro de la familia de inhibidores proteicos de STAT activado (PIAS). Las proteínas PIAS funcionan como ligasas SUMO E3 y desempeñan un papel importante en numerosos procesos celulares al mediar la sumoilación de proteínas diana. Esta proteína desempeña un papel central como corregulador transcripcional de numerosas vías celulares, incluyendo las vías STAT1 y del factor nuclear kappaB. El empalme alternativo da lugar a múltiples variantes de transcripción. [Proporcionado por RefSeq, marzo de 2016], dominio: El motivo LXXLL es una firma correguladora transcripcional., dominio: El dominio de tipo SP-RING es necesario para promover la sumoilación de EKLF., función: Funciona como una ligasa pequeña modificadora similar a la ubiquitina (SUMO) de tipo E3, estabilizando la interacción entre UBE2I y el sustrato, y como factor de anclaje a SUMO. Desempeña un papel crucial como corregulación transcripcional en diversas vías celulares, incluyendo la vía STAT, la vía p53 y la vía de señalización de hormonas esteroideas. Los efectos de esta corregulación transcripcional, transactivación o silenciamiento, pueden variar según el contexto biológico. Vía: Modificación de proteínas; sumoilación de proteínas. PTM: Sumoilado. Similitud: Pertenece a la familia PIAS. Similitud: Contiene un dominio SAP. Similitud: Contiene un dedo de zinc tipo SP-RING. Ubicación subcelular: La interacción con CSRP2 puede inducir una redistribución parcial a lo largo del citoesqueleto. Subunidad: Se une a SUMO1 y UBE2I. Interactúa con AR, CSRP2, JUN, MDM2, NCOA2, TP53, ARN helicasa II y dímeros de STAT1 tras la estimulación con IFN-alfa. Interactúa con SP3, preferentemente cuando está modificado con SUMO. Se une preferentemente a secuencias de ADN ricas en AT, conocidas como regiones de unión a la matriz o al andamiaje (MAR/SAR) (por similitud). Interactúa con PLAG1. Interactúa con KLF8; esta interacción resulta en la ligación de SUMO y la represión de la actividad transcripcional de KLF8 y de su progresión del ciclo celular a la fase G(1). Especificidad tisular: Se expresa en numerosos tejidos, con el nivel más alto en los testículos.

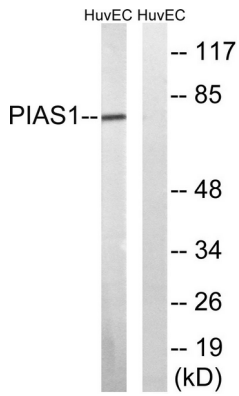
Área de Investigación

Proteólisis mediada por ubiquitina;Jak_STAT;Vías en el cáncer;Cáncer de pulmón de células pequeñas;

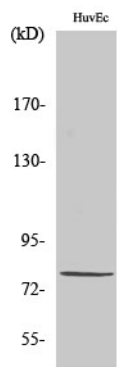
Datos de Imagen



Análisis inmunohistoquímico de tejido de carcinoma pulmonar humano incluido en parafina, utilizando el anticuerpo PIAS1. La imagen de la derecha está bloqueada con el péptido sintetizado.



Análisis de inmunotransferencia de lisados de células HUVEC con el anticuerpo PIAS1. El carril derecho está bloqueado con el péptido sintetizado.



Análisis Western Blot de varias células utilizando el anticuerpo policlonal PIAS 1.