
Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo PEA-15**Nº de Catálogo: APRab15945**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	WB,IHC,ICC/IF,ELISA
Reactividad	Humano, Ratón, Rata, Mono
Conjugación	No conjugado
Modificación	Sin modificar
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:500-1:2000,IHC 1:100-1:300,ICC/IF 1:200-1:1000,ELISA 1:20000-1:40000
Peso Molecular	36kDa

Información del Antígeno

Nombre del Gen	PEA15
Nombres Alternativos	PEA15; Astrocytic phosphoprotein PEA-15; 15 kDa phosphoprotein enriched in astrocytes; Phosphoprotein enriched in diabetes; PED
ID del Gen	8682.0
ID SwissProt	Q15121
Inmunógeno	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado de la PEA-15 humana. Rango de AA: 81-130.

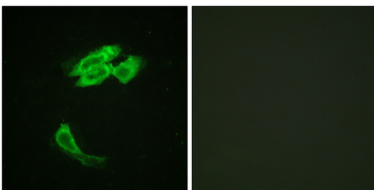
Antecedentes

Fosfoproteína enriquecida en astrocitos 15 (PEA15) Homo sapiens Este gen codifica una proteína que contiene un dominio efector de muerte que funciona como un regulador negativo de la apoptosis. La proteína codificada es un sustrato endógeno para la proteína quinasa C. Esta proteína también se sobreexpresa en la diabetes mellitus tipo 2, donde puede contribuir a la resistencia a la insulina en la captación de glucosa. El empalme alternativo da como resultado múltiples variantes de transcripción. [proporcionado por RefSeq, jul. de 2014], función: bloquea la inhibición mediada por Ras de la activación de la integrina y modula la cascada de la quinasa ERK MAP. Inhibe las actividades de RPS6KA3 reteniéndola en el citoplasma (por similitud). Inhibe la actividad de CASP8 mediada por TNFRSF6 y TNFRSF1A y la apoptosis. Regula el transporte de glucosa controlando tanto el contenido de transportadores de glucosa SLC2A1 en la membrana plasmática como el tráfico insulino dependiente de SLC2A4 desde el interior celular hasta la superficie. PTM: Fosforilado por la proteína quinasa C y la proteína quinasa dependiente de calcio-calmodulina. Estos eventos de fosforilación son modulados por neurotransmisores u hormonas. Similitud: Contiene un dominio DED (efector de muerte). Ubicación subcelular: Asociado a microtúbulos. Subunidad: Se une a RPS6KA3, MAPK3 y MAPK1. Interacción transitoria con PLD1 y PLD2 (por similitud). Interactúa con CASP8 y FADD. Especificidad tisular: Se expresa de forma ubicua. Es más abundante en tejidos como el corazón, el cerebro, el músculo y el tejido adiposo, que utilizan la glucosa como fuente de energía. Menor expresión en tejidos productores de glucosa. Se observan mayores niveles de expresión en tejidos de personas con diabetes tipo 2 que en controles.

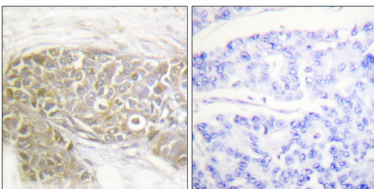
Área de Investigación

Biología celular; Apoptosis; Intracelular; Proteínas asociadas

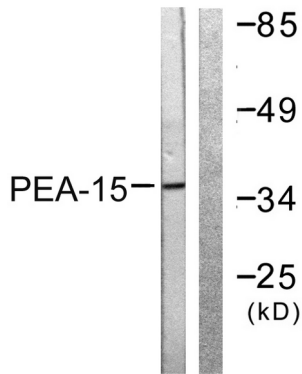
Datos de Imagen



Análisis de inmunofluorescencia de células HeLa con el anticuerpo PEA-15. La imagen de la derecha muestra el péptido sintetizado.



Análisis inmunohistoquímico de tejido de carcinoma mamario humano incluido en parafina, utilizando el anticuerpo PEA-15. La imagen de la derecha está bloqueada con el péptido sintetizado.



Análisis de inmunotransferencia de lisados de células Jurkat, tratados con PMA 125 ng/ml durante 30 minutos, utilizando el anticuerpo PEA-15. El carril derecho está bloqueado con el péptido sintetizado.