

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo PARP-2**Nº de Catálogo: APRab15766**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	WB,ELISA
Reactividad	Humano, Ratón
Conjugación	No conjugado
Modificación	Sin modificar
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:500-1:2000,ELISA 1:20000-1:40000
Peso Molecular	75kDa

Información del Antígeno

Nombre del Gen	PARP2
Nombres Alternativos	PARP2; ADPRT2; ADPRTL2; Poly [ADP-ribose] polymerase 2; PARP-2; hPARP-2; ADP-riboseyltransferase diphtheria toxin-like 2; ARTD2; NAD(+) ADP-riboseyltransferase 2; ADPRT-2; Poly[ADP-ribose] synthase 2; pADPRT-2
ID del Gen	10038.0
ID SwissProt	Q9UGN5
Inmunógeno	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado de la PARP2 humana. Rango de AA: 151-200.

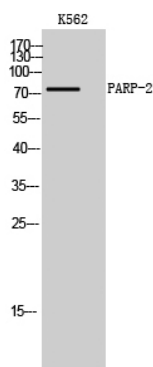
Antecedentes

Este gen codifica la proteína tipo poli(ADP-ribosil)transferasa 2, que contiene un dominio catalítico y es capaz de catalizar una reacción de poli(ADP-ribosilación). Esta proteína posee un dominio catalítico homólogo al de la poli(ADP-ribosil)transferasa, pero carece de un dominio de unión al ADN N-terminal que activa el dominio catalítico C-terminal de la poli(ADP-ribosil)transferasa. Los residuos básicos de la región N-terminal de esta proteína podrían tener propiedades de unión al ADN y podrían estar involucrados en la orientación nuclear y/o nucleolar de la proteína. Se han encontrado dos variantes de transcripción con empalme alternativo que codifican isoformas distintas. [Proporcionado por RefSeq, jul. de 2008], actividad catalítica: $\text{NAD}(+) + (\text{ADP-D-ribosil})(n)\text{-aceptor} = \text{nicotinamida} + (\text{ADP-D-ribosil})(n+1)\text{-aceptor}$., función: participa en la vía de reparación por escisión de bases (BER), catalizando la poli(ADP-ribosilación) de un número limitado de proteínas aceptoras implicadas en la arquitectura de la cromatina y el metabolismo del ADN. Esta modificación se produce tras daños en el ADN y es un paso obligatorio en una vía de detección/señalización que conduce a la reparación de roturas de la cadena de ADN., PTM: poli-ADP-ribosilado por PARP1., similitud: contiene un dominio alfa-helicoidal de PARP., similitud: contiene un dominio catalítico de PARP., subunidad: componente de un complejo de reparación por escisión de bases (BER), que contiene al menos XRCC1, PARP1, POLB y LIG3. Homo y heterodímero con PARP1. Especificidad tisular: Ampliamente expresado, principalmente en tejidos en división activa. Los niveles más altos se encuentran en el cerebro, corazón, páncreas, músculo esquelético y testículos; también se detecta en riñón, hígado, pulmón, placenta, ovario y bazo; los niveles son bajos en leucocitos, colon, intestino delgado, próstata y timo.

Área de Investigación

Reparación por escisión de base;

Datos de Imagen



Análisis Western Blot de células K562 usando el anticuerpo policlonal PARP-2.