

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo PARD3A**Nº de Catálogo: APRab15753**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	WB,IHC,ICC/IF,ELISA
Reactividad	Humano, Ratón, Rata
Conjugación	No conjugado
Modificación	Sin modificar
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:500-1:2000,IHC 1:100-1:300,ICC/IF 1:200-1:1000,ELISA 1:10000-1:20000
Peso Molecular	151kDa

Información del Antígeno

Nombre del Gen	PARD3
Nombres Alternativos	PARD3; PAR3; PAR3A; Partitioning defective 3 homolog; PAR-3; PARD-3; Atypical PKC isotype-specific-interacting protein; ASIP; CTCL tumor antigen se2-5; PAR3-alpha
ID del Gen	56288.0
ID SwissProt	Q8TEW0
Inmunógeno	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado del PARD3 humano. Rango de AA: 1141-1190.

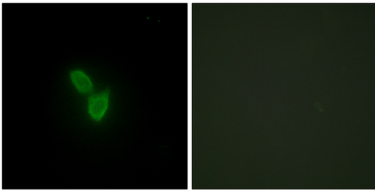
Antecedentes

Este gen codifica un miembro de la familia de proteínas PARD. Los miembros de la familia PARD interactúan con otros miembros de la familia PARD y con otras proteínas; afectan la división celular asimétrica y dirigen el crecimiento celular polarizado. Se han descrito múltiples variantes de transcripción con empalme alternativo para este gen. [proporcionado por RefSeq, octubre de 2011], productos alternativos: Parecen existir isoformas adicionales. De hecho, los productos con empalme alternativo parecen clasificarse en dos grandes grupos: un grupo, que incluye el marco de lectura abierto (ORF) continuo más largo, pero que también puede incluir moléculas que carecen de algunos dominios intermedios, tiene un solo elemento TM y es probable que esté asociado con la membrana plasmática. El otro grupo carece de un dominio TM y, por lo tanto, sus miembros pueden ser secretados. enfermedad: Los defectos en PKHD1 son la causa de la enfermedad renal poliquística autosómica recesiva (ERPARP) [MIM:263200]. La ERPARP es una forma grave de enfermedad renal poliquística que afecta a los riñones y al tracto biliar hepático. El espectro clínico es muy variable, presentándose la mayoría de los casos durante la infancia. Las características fenotípicas fetales incluyen clásicamente riñones agrandados y ecogénicos, así como oligohidramnios secundario a una diuresis deficiente. Hasta el 50% de los neonatos afectados fallecen poco después del nacimiento como resultado de hipoplasia pulmonar grave e insuficiencia respiratoria secundaria. En el subgrupo que sobrevive al período perinatal, la morbilidad y la mortalidad se relacionan principalmente con hipertensión sistémica grave, insuficiencia renal e hipertensión portal debida a fibrosis del tracto portal. Dominio: Contiene un dominio de oligomerización N-terminal (DNT) conservado que participa en la oligomerización y es esencial para la correcta localización de la membrana subapical. Función: Proteína adaptadora implicada en la división celular asimétrica y los procesos de polarización celular. Parece desempeñar un papel central en la formación de las uniones estrechas epiteliales. La asociación con PARD6B puede prevenir la interacción de PARD3 con F11R/JAM1, impidiendo así el ensamblaje de las uniones estrechas. El complejo PARD6-PARD3 une las GTPasas pequeñas Rho unidas a GTP con proteínas atípicas de la proteína quinasa C. Función: Podría ser una proteína receptora que interviene en la diferenciación biliar y del túbulo colector. Información adicional: Se han detectado anticuerpos contra PARD3 en sueros de pacientes con linfomas cutáneos de células T. PTM: Fosforilado por PRKCZ. La fosforilación de Tyr-1127 inducida por EGF media la disociación de LIMK2. Advertencia sobre la secuencia: Secuencia contaminante. Posible secuencia poli-A. Similitud: Pertenece a la familia PAR3. Similitud: Contiene 12 dominios IPT/TIG. Similitud: Contiene 3 dominios PDZ (DHR). Similitud: Contiene 9 repeticiones de PbH1. Ubicación subcelular: Se localiza a lo largo de la región de contacto intercelular. Se colocaliza con PARD6A y PRKCI en las uniones estrechas epiteliales. Se colocaliza con la actina cortical que recubre el huso meiótico durante la metafase I y la metafase II. Subunidad: Interactúa con PARD6A y PARD6B. La isoforma 2, pero no la 3, interactúa con PRKCZ. Interactúa con PRCKI (por similitud). Forma parte de un complejo con PARD6A o PARD6B, PRKCI o PRKCZ y CDC42 o RAC1. Interactúa con F11R/JAM1 (por similitud). Componente de un complejo cuyo núcleo está compuesto por ARHGAP17, AMOT, MPP5/PALS1, INADL/PATJ y PARD3/PAR3. Interactúa con LIMK2. Especificidad tisular: Se expresa predominantemente en el riñón fetal y adulto. También está presente en el páncreas adulto, pero en niveles mucho menores. Detectable en el hígado fetal y adulto. Señal poco definida en el cerebro fetal. Especificidad tisular: Ampliamente expresada.

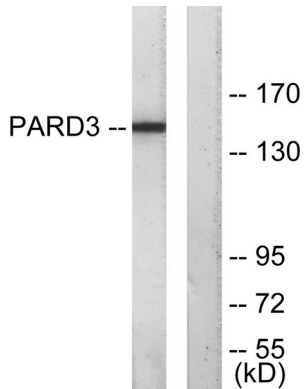
Área de Investigación

Quimiocina; Interacción ligando-receptor neuroactivo; Endocitosis; Unión adherente; Unión adherente;

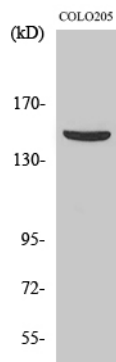
Datos de Imagen



Análisis de inmunofluorescencia de células HepG2 con el anticuerpo PARD3. La imagen de la derecha muestra el péptido sintetizado.



Análisis de inmunotransferencia de lisados de células COLO205 con el anticuerpo PARD3. El carril derecho está bloqueado con el péptido sintetizado.



Análisis Western Blot de varias células utilizando el anticuerpo policlonal PARD3A