

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo p38 MAPK**Nº de Catálogo: APRab15620**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	WB,ELISA
Reactividad	Humano, Ratón, Rata
Conjugación	No conjugado
Modificación	Sin modificar
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:500-1:2000,ELISA 1:10000-1:20000
Peso Molecular	42kDa

Información del Antígeno

Nombre del Gen	MAPK14 CSBP CSBP1 CSBP2 CSPB1 MXI2 SAPK2A
Nombres Alternativos	Mitogen-activated protein kinase 14 (MAP kinase 14) (MAPK 14) (EC 2.7.11.24) (Cytokine suppressive anti-inflammatory drug-binding protein) (CSAID-binding protein) (CSBP) (MAP kinase MXI2) (MAX-interacting protein 2) (Mitogen-activated protein kinase p38 alpha) (MAP kinase p38 alpha) (Stress-activated protein kinase 2a) (SAPK2a)
ID del Gen	1432.0
ID SwissProt	Q16539
Inmunógeno	Péptido sintetizado derivado de p38 MAPK humano Policlonal

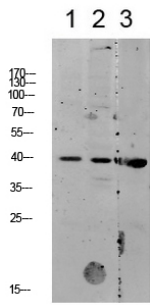
Antecedentes

La proteína codificada por este gen es miembro de la familia de las quinasas MAP. Las quinasas MAP actúan como punto de integración para múltiples señales bioquímicas y participan en una amplia variedad de procesos celulares, como la proliferación, la diferenciación, la regulación de la transcripción y el desarrollo. Esta quinasa se activa por diversos factores de estrés ambiental y citocinas proinflamatorias. La activación requiere su fosforilación por las quinasas MAP quinasa (MKK) o su autofosforilación, desencadenada por la interacción de la proteína MAP3K7IP1/TAB1 con esta quinasa. Los sustratos de esta quinasa incluyen los reguladores de transcripción ATF2, MEF2C y MAX, el regulador del ciclo celular CDC25B y el supresor tumoral p53, lo que sugiere su papel en la transcripción relacionada con el estrés y la regulación del ciclo celular, así como en la respuesta al estrés genotóxico. Cuatro variantes de transcripción de este gen, con empalme alternativo, que codifican la actividad catalítica: $ATP + \text{una proteína} = ADP + \text{una fosfoproteína}$. Cofactor: Magnesio. Dominio: El motivo TXY contiene los residuos de treonina y tirosina, cuya fosforilación activa las quinasas MAP. Regulación enzimática: Se activa mediante la fosforilación de treonina y tirosina por cualquiera de dos quinasas de especificidad dual, MAP2K3 o MAP2K6, y potencialmente también por MAP2K4. Se inhibe por fosfatasa de especificidad dual, como DUSP1. Se inhibe específicamente por la unión de compuestos de piridinil-imidazol, que son fármacos antiinflamatorios supresores de citoquinas (CSAID). La isoforma Mxi2 es 100 veces menos sensible a estos agentes que las otras isoformas y no se inhibe por DUSP1. La isoforma Exip no es activada por MAP2K6. Función: Responde a la activación por estrés ambiental, citocinas proinflamatorias y lipopolisacárido (LPS) mediante la fosforilación de diversos factores de transcripción, como ELK1 y ATF2, y varias quinasas dependientes, como MAPKAPK2 y MAPKAPK5. Desempeña un papel crucial en la producción de algunas citocinas, como la IL-6. Puede contribuir a la estabilización del ARNm de la EPO durante el estrés hipóxico. La activación de la isoforma Mxi2 es estimulada por mitógenos y estrés oxidativo, y fosforila escasamente ELK1 y ATF2. La isoforma Exip podría desempeñar un papel en el inicio temprano de la apoptosis. Información en línea: Entrada a las protein quinasas activadas por mitógeno P38. PTM: Doblemente fosforilada en Thr-180 y Tyr-182, lo que activa la enzima. PTM: Se fosforila tras daño del ADN, probablemente por ATM o ATR. Similitud: Pertenece a la superfamilia de las protein quinasas. Familia de las protein quinasas Ser/Thr CMGC. Subfamilia de las quinasas MAP. Similitud: Contiene un dominio de protein quinasa. Subunidad: Se une a un motivo de interacción de quinasas dentro de la protein tirosina fosfatasa, PTPRR. Esta interacción retiene MAPK14 en el citoplasma y previene la acumulación nuclear. Interactúa con SPAG9 (por similitud). Interactúa con NP60 y FAM48A. Especificidad tisular: Cerebro, corazón, placenta, páncreas y músculo esquelético. Se expresa en menor medida en pulmón, hígado y riñón.

Área de Investigación

MAPK_ERK_Crecimiento;MAPK_G_Proteína;VEGF;Toll_Like;Receptor tipo NOD;Receptor tipo RIG-I;Receptor de células T;Fc epsilon RI;Migración transendotelial de leucocitos;Neurotrofina;GnRH;Maduración de ovocitos mediada por progesterona;Esclerosis lateral amiotrófica (ELA);Señalización de células epiteliales en la infección por Helicobacter pylori;

Datos de Imagen



- 1 mouse-brain
- 2 mouse-liver
- 3 CACO2

Análisis de transferencia Western de varios lisados, el anticuerpo se diluyó a 1000. El anticuerpo secundario se diluyó a 1:20000.